IBM SPSS Modeler 18.3 - Noeuds modélisation

Remarque

Avant d'utiliser le présent document et le produit associé, prenez connaissance des informations figurant à la section «Remarques», à la page 391.

Informations produit

Cette édition s'applique à la version 18.3.0 d'IBM® SPSS Modeler et à toutes les éditions et modifications ultérieures, sauf indication contraire dans les nouvelles éditions.

© Copyright International Business Machines Corporation .

Table des matières

Préface ..... **xi**
A propos d'IBM Business Analytics xi
Assistance technique xi

Chapitre 1. A propos d'IBM SPSS Modeler **1**
Produits IBM SPSS Modeler 1
IBM SPSS Modeler 1
IBM SPSS Modeler Server 1
IBM SPSS Modeler Administration Console 2
IBM SPSS Modeler Batch 2
IBM SPSS Modeler Solution Publisher 2
Adaptateurs IBM SPSS Modeler Server pour IBM SPSS Collaboration and Deployment Services 2
Editions d'IBM SPSS Modeler 2
Documentation 3
Documentation SPSS Modeler Professional 3
Documentation de SPSS Modeler Premium 4
Exemples d'application 4
Dossier Demos 4
Suivi des licences 4

Chapitre 2. Introduction à la modélisation **7**
Création du flux 8
Navigation dans le modèle 13
Evaluation du modèle 17
Scoring des enregistrements 20
Récapitulatif 20

Chapitre 3. Présentation de la modélisation **21**
Présentation des noeuds modélisation 21
Création de modèles de scission 27
Scission et partitionnement 27
Modèles de scission prenant en charge des noeuds modélisation 28
Fonctions affectées par la scission 28
Options de champs des noeuds modélisation 29
Utilisation des champs de fréquence et de pondération 31
Options d'analyse des noeuds modélisation 33
Scores de propension 34
Coûts de classification erronée 35
Nuggets de modèle 35
Liens de modèle 36
Remplacement d'un modèle 38
Palette Modèles 39
Exploration des nuggets de modèle 40
Récapitulatif /Informations sur les nuggets de modèle 41
Importance des prédicteurs 41
Visualiseur d'ensemble 43
Nuggets de modèle pour les modèles découpés 45
Utilisation de nuggets de modèle dans les flux 46
Régénération d'un noeud de modélisation 46
Importation et exportation de modèles au format PMML 47

Publication des modèles pour un adaptateur de scoring 49
Modèles bruts 49

Chapitre 4. Modèles de filtrage 51
Filtrage des champs et des enregistrements 51
Noeud Sélection de fonction 51
Paramètres des modèles Sélection de fonction 52
Options de sélection de fonction 53
Nuggets de modèles Sélection de fonction 53
Résultats du modèle Sélection de fonction 54
Sélection des champs en fonction de leur importance 54
Génération d'un filtre à partir d'un modèle Sélection de fonction 55
Noeud Détection des anomalies 55
Options des modèles Détection des anomalies 56
Options expert de détection d'anomalies 57
Nuggets de modèles Détection des anomalies 58
Détails relatifs aux modèles de détection des anomalies 58
Récapitulatif du modèle Détection des anomalies 58
Paramètres des modèles Détection des anomalies 58

Chapitre 5. Noeuds de modélisation automatisés 61
Noeud de modélisation automatisé - Paramètres d'algorithme 62
Noeuds de modélisation automatisés - Règles d'arrêt 62
Noeud Classificateur automatique 63
Noeud Classificateur automatique - Options du modèle 64
Noeud Classificateur automatique - Options expert 65
Coûts de mauvaise réaffectation 69
Noeud Classificateur automatique - Options de suppression 69
Noeud Classificateur automatique - Options des paramètres 69
Noeud Numérisation automatique 70
Options de modèle du noeud Numérisation automatique 71
Noeud Numérisation automatique - Options expert 72
Noeud Numérisation automatique - Options des paramètres 75
Noeud cluster automatique 75
Noeud Classification - Options du modèle 75
Noeud Classification - Options expert 76
Noeud Classification - Options de suppression 78
Nuggets de modèle automatisés 78
Génération de noeuds et de modèles 79
Génération de graphiques Evaluation 80
Graphiques Evaluation 80

Chapitre 6. arbres de décisions 81
Modèles d'arbre de décisions 81
Générateur d'arbres interactifs 83
Développement et élagage de l'arbre 83
Définition de divisions personnalisées 84
Détails et substitutions d'une division 85
Personnalisation de la vue d'arbre 86
Gains 86
Risques 90
Enregistrement de modèles d'arbre et de résultats 90
Génération de noeuds Filtrer et Sélectionner 93
Génération d'un noeud Jeu de règles à partir d'un noeud Arbre de décisions 93
Création directe d'un modèle d'arbre 94
Noeuds Arbre de décision 94
Noeud Arbre C&RT 96

Noeud CHAID ... 96
Noeud QUEST ... 97
Options des champs du noeud Arbre décision ... 97
Options de création du noeud Arbre décision ... 98
Noeud Arbre de décisions - Options du modèle ... 104
Noeud C5.0 ... 105
Noeud C5.0 - Options du modèle ... 106
Noeud Tree-AS ... 107
Options des champs de noeud Tree-AS ... 108
Options de création de noeud Tree-AS ... 108
Options du modèle de noeud Tree-AS ... 111
Nugget de modèle Tree-AS ... 111
Noeud Random Trees ... 113
Options des champs du noeud Random Trees ... 114
Options de génération du noeud Random Trees ... 114
Options du modèle de noeud Random Trees ... 116
Nugget de modèle Random Trees ... 116
Nuggets de modèle d'arbre de décision C&R Tree, CHAID, QUEST et C5.0 ... 119
Nuggets de modèle d'arbre unique ... 120
Nuggets de modèle Model nuggets pour le boosting, le bagging et les jeux de données très volumineux ... 125
Nuggets de modèle d'ensemble de règles Arbre C&R, CHAID, QUEST, C5.0 et Apriori ... 126
Onglet Modèle d'ensemble de règles ... 127
Importation de projets à partir d'AnswerTree 3.0 ... 128

Chapitre 7. Modèles de réseau Bayésien ... 129
Noeud Réseau Bayésien ... 129
Options du modèle de noeud Réseau Bayésien ... 130
Noeud Réseau Bayésien - Options expert ... 132
Nuggets de modèle de Réseau Bayésien ... 133
Paramètres de modèle de Réseau Bayésien ... 134
Récapitulatif du modèle de Réseau Bayésien ... 134

Chapitre 8. Réseaux de neurones ... 137
Modèle de réseau de neurones ... 138
Utilisation des réseaux de neurones avec les flux hérités ... 138
Objectifs ... 139
Bases ... 140
Règles d'arrêt ... 141
Ensembles ... 142
Avancé ... 143
Options du modèle ... 144
Récapitulatif du modèle ... 145
Importance des prédicteurs ... 146
Valeurs prédites en fonction des valeurs observées ... 147
Classification ... 148
Réseau ... 149
Paramètres ... 150

Chapitre 9. Liste de décision ... 151
Options du modèle Liste de décision ... 152
Noeud Liste de décision - Options expert ... 153
Nugget du modèle Liste de décision ... 154
Paramètres du nugget du modèle Liste de décision ... 154
Visualiseur de liste de décisions ... 155
Panneau du modèle de travail ... 155
Onglet Alternatives ... 156

Onglet Instantanés 157
Utilisation du Visualiseur de liste de décisions 157

Chapitre 10. Modèles statistiques 171
Noeud linéaire 172
Modèles linéaires 172
Noeud Linear-AS 179
Modèles Linear-AS 180
Noeud Logistique 182
Noeud Logistique - Options du modèle 183
Ajout de caractéristiques à un modèle de régression logistique 187
Noeud Logistique - Options expert 187
Options de convergence de la régression logistique 188
Sorties avancées du noeud Régression logistique 188
Régression logistique - Options pas à pas 189
Nugget de modèle logistique 190
Nugget de modèle logistique - Détails 190
Nugget de modèle logistique - Récapitulatif 191
Nugget de modèle logistique - Paramètres 191
Nugget de modèle Logistique - Sorties avancées 192
Noeud ACP/Analyse factorielle 193
Noeud ACP/Analyse factorielle – Options du modèle 194
Noeud ACP/Analyse factorielle – Options expert 194
Noeud ACP/Analyse factorielle – Options de rotation 195
Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle 195
Equations de nugget de modèle ACP/Analyse factorielle 196
Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle - Récapitulatif 196
Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle - Sorties avancées 196
noeud discriminant 197
Noeud discriminant - Options de modèle 197
Noeud discriminant - Options Expert 198
Noeud discriminant - Options de sortie 198
Noeud discriminant - Options pas à pas 199
Nugget du modèle discriminant 200
Noeud Modèles linéaires généralisés 201
Noeud Modèles linéaires généralisés - Options de champs 202
Noeud Modèles linéaires généralisés - Options du modèle 202
Noeud Modèles linéaires généralisés - Options expert 203
Modèles linéaires généralisés - Itérations 205
Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées 206
Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés 207
Modèles mixtes linéaires généralisés 208
Noeud MMLG 208
Noeud GLE 223
Cible 224
Effets de modèle 226
Pondération et décalage 227
Options de création 228
Estimation 228
Sélection de modèle 229
Options de modèle 230
Nugget de modèle GLE 231
Noeud de Cox 232
Noeud de Cox - Options de champs 233
Noeud de Cox - Options de modèle 233
Noeud de Cox - Options expert 235
Options des paramètres du noeud de Cox 236

Nugget de modèle Cox.....236

Chapitre 11. Modèles de classification.....239
noeud Kohonen.....240
Noeud Kohonen - Options du modèle.....241
Noeud Kohonen - Options expert.....242
Nuggets de modèle Kohonen.....243
Récapitulatif du modèle Kohonen.....243
Noeud k moyenne.....243
Noeud k moyenne - Options du modèle.....244
Noeud k moyenne - Options expert.....244
Nuggets du modèle k moyenne.....245
Récapitulatif du modèle k moyenne.....245
Noeud Classification TwoStep.....245
Noeud Classification TwoStep - Options du modèle.....246
Nuggets de modèle de classification TwoStep.....247
Récapitulatif du modèle TwoStep.....247
Noeud de cluster TwoStep-AS.....247
Analyse de cluster Twostep-AS.....247
Nuggets de modèle de cluster TwoStep-AS.....252
Paramètres du nugget de modèle de cluster TwoStep-AS.....252
Noeud K moyenne AS.....253
Champs du noeud K moyenne AS.....253
Options de génération du noeud K moyenne AS.....253
Visualiseur de clusters.....254
Visualiseur de clusters - Onglet Modèle.....255
Navigation dans le Visualiseur de clusters.....258
Génération de graphiques à partir de modèles de cluster.....260

Chapitre 12. Règles d'association.....261
Données tabulaires et données transactionnelles.....262
noeud Apriori.....263
Noeud Apriori - Options du modèle.....263
Options expert du noeud Apriori.....264
Noeud CARMA.....265
Noeud CARMA - Options des champs.....266
Noeud CARMA - Options du modèle.....267
Noeud CARMA - Options expert.....268
Nuggets du modèle de règle d'association.....268
Détails des nuggets de modèle de règle d'association.....269
Paramètres des nuggets de modèles de règles d'association.....272
Récapitulatif du nugget du modèle de règle d'association.....273
Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association.....273
Génération d'un modèle filtré.....274
Scoring des règles d'association.....274
Déploiement des modèles d'association.....276
noeud Séquence.....278
Noeud Séquence - Options de champs.....278
Noeud Séquence - Options modèle.....279
Noeud Séquence - Options expert.....279
Nuggets de modèles de séquences.....281
noeud Règles d'association.....285
Règles d'association - Options de champs.....286
Règles d'association - Construction de règle.....286
Règles d'association - Transformations.....287
Règles d'association - Sortie.....288
Règles d'association - Options de modèle.....289

Nuggets du modèle de règles d'association....290

Chapitre 13. Modèles de séries temporelles....293
Pourquoi prévoir ?....293
Données de séries temporelles....293
Caractéristiques des séries temporelles....293
Fonctions d'autocorrélation et d'autocorrélation partielle....298
Transformations de série....298
Série de prédicteurs....299
Noeud de modélisation Prévision spatio-temporelle....299
Prévision spatio-temporelle - Options Champs....300
Prévision spatio-temporelle - Intervalles de temps....301
Prévision spatio-temporelle - Options de construction de base....302
Prévision spatio-temporelle - Options de construction avancées....302
Prévision spatio-temporelle - Sortie....303
Prévision spatio-temporelle - Options Modèle....304
Nugget de modèle de prévision spatio-temporelle....304
Noeud TCM....305
Modèles de causalité temporelle....305
Nugget de modèle TCM....315
Scénarios de modèle de causalité temporelle....316
Noeud Séries temporelles....321
Noeud Séries temporelles - Options de champ....322
Noeud Série temporelle - Options de spécification des données....322
Noeud Série temporelle - Options de création....326
Noeud Séries temporelles - Options de modèle....331
nugget du modèle Séries temporelles....333

Chapitre 14. Modèles de noeud Réponse en auto-apprentissage....337
noeud MRAA....337
Noeud MRAA - Options de champs....337
Noeud MRAA - Options du modèle....338
Noeud MRAA - Options de paramètres....338
Nuggets de modèle MRAA....339
Paramètres du modèle MRAA....340

Chapitre 15. Modèles Support Vector Machine....343
A propos de SVM....343
Fonctionnement de SVM....343
Affinement d'un modèle SVM....344
Noeud SVM....345
Noeud SVM - Options modèle....345
Noeud SVM - Options expert....345
Nugget de modèle SVM....346
Paramètres du modèle SVM....347
Noeud LSVM....348
Options du modèle de noeud LSVM....348
Options de création LSVM....349
Nugget de modèle LSVM (sortie interactive)....349
Paramètres du modèle LSVM....350

Chapitre 16. Modèles d'agrégation suivant le saut minimum....351
Noeud KNN....351
Noeud KNN - Options des objectifs....351
Paramètres de noeud KNN....352
Nugget de modèle KNN....356
Vue du modèle d'agrégation suivant le saut minimum....356

Paramètres du modèle KNN..... 359

Chapitre 17. Noeuds Python.....361
Noeud SMOTE.....362
Paramètres du noeud SMOTE.....362
Noeud XGBoost Linear..... 363
Champs du noeud XGBoost Linear.....363
Options de génération du noeud XGBoost Linear.....364
Options de modèle du noeud XGBoost Linear..... 365
Noeud XGBoost Tree..... 365
Champs du noeud XGBoost Tree.....365
Options de génération du noeud XGBoost Tree.....366
Options de modèle du noeud XGBoost Tree..... 368
Noeud t-SNE..... 368
Options expert du noeud t-SNE.....368
Options de sortie du noeud t-SNE..... 370
Nuggets de modèle t-SNE.....370
noeud Gaussian Mixture.....371
Champs du noeud Gaussian Mixture.....371
Noeud Gaussian Mixture - Options de génération..... 371
Noeud Gaussian Mixture - Options de modèle..... 373
Noeuds KDE..... 373
Champs des noeuds KDE Modeling et KDE Simulation..... 373
Options de génération des noeuds KDE.....373
Options de modèle des noeuds KDE Modeling et KDE Simulation.....375
Noeud Random Forest.....375
Champs du noeud Random Forest..... 375
Options de génération du noeud Random Forest..... 375
Options de modèle du noeud Random Forest.....377
Nuggets de modèle Random Forest..... 377
noeud HDBSCAN.....378
Champs du noeud HDBSCAN.....378
Options de génération du noeud HDBSCAN.....378
Options de modèle du noeud HDBSCAN.....380
noeud SVM à classe unique.....380
Champs du noeud SVM à classe unique.....381
Noeud SVM à classe unique - Expert.....381
Options du noeud SVM à classe unique..... 382

Chapitre 18. Noeuds Spark..... 383
Noeud Isotonique sur AS.....383
Champs du noeud Isotonique sur AS..... 383
Options de génération du noeud Isotonique sur AS..... 384
Nuggets de modèle Isotonique sur AS.....384
noeud XGBoost-AS..... 384
Champs du noeud XGBoost-AS..... 384
Options de génération du noeud XGBoost-AS..... 385
Options de modèle du noeud XGBoost-AS.....387
Noeud K moyenne AS..... 387
Champs du noeud K moyenne AS.....388
Options de génération du noeud K moyenne AS.....388
Noeud MultiLayerPerceptron-AS.....389
Champs du noeud MultiLayerPerceptron-AS..... 389
Options de génération du noeud MultiLayerPerceptron-AS..... 389
Options de modèle du noeud MultiLayerPerceptron..... 390

Remarques.....391

Marques..... 392
Dispositions relatives à la documentation du produit..... 392
Glossaire..... 395
A..... 395
B..... 395
C..... 395
F..... 395
R..... 396
K..... 396
L..... 396
M..... 396
N..... 397
I..... 398
R..... 398
S..... 398
V..... 400
U..... 400
V..... 401
W..... 401

Index..... 403

Préface

IBM SPSS Modeler est le puissant utilitaire d'exploration de données d'IBM Corp.. SPSS Modeler aide les entreprises et les organismes à améliorer leurs relations avec les clients et les citoyens grâce à une compréhension approfondie des données. A l'aide des connaissances plus précises obtenues par le biais de SPSS Modeler, les entreprises et les organismes peuvent conserver les clients rentables, identifier les opportunités de vente croisée, attirer de nouveaux clients, détecter les éventuelles fraudes, réduire les risques et améliorer les services gouvernementaux.

L'interface visuelle de SPSS Modeler met à contribution les compétences professionnelles de l'utilisateur, ce qui permet d'obtenir des modèles prédictifs plus efficaces et de trouver des solutions plus rapidement. SPSS Modeler offre de nombreuses techniques de modélisation, telles que les algorithmes de prévision, de classification, de segmentation et de détection d'association. Une fois les modèles créés, l'utilisateur peut utiliser IBM SPSS Modeler Solution Publisher pour les remettre aux responsables, où qu'ils se trouvent dans l'entreprise, ou pour les transférer vers une base de données.

A propos d'IBM Business Analytics

Les logiciels IBM Business Analytics aident les entreprises à mesurer, comprendre et anticiper leur performance financière et opérationnelle en fournissant des informations exactes, cohérentes et complètes. Un porte-feuilles étendu de veille économique, d'analyses prédictives, de gestion des performances et de stratégie financières et d'applications analytiques vous offre des informations claires, immédiates et décisionnelles sur les performances actuelles et vous permet de prévoir les résultats futurs. Ce logiciel intègre des solutions dédiées à l'industrie, des pratiques éprouvées et des services professionnels qui permettent aux organisations de toute taille de maximiser leur productivité, d'automatiser leurs décisions sans risque et de proposer de meilleurs résultats.

Intégrée dans ce portefeuille, la solution logicielle IBM SPSS Predictive Analytics permet aux entreprises de prévoir les événements et d'agir proactivement en fonction de ces informations, afin d'obtenir de meilleurs résultats. Les clients des secteurs privé, public et universitaire du monde entier font appel à la technologie IBM SPSS, qui les dote d'un atout concurrentiel pour attirer, fidéliser et développer leur clientèle, tout en réduisant les fraudes et en atténuant les risques. L'intégration du logiciel IBM SPSS aux opérations quotidiennes transforme les organisations en entreprises prédictives, capables de guider et d'automatiser leurs décisions de manière à répondre aux objectifs métier et à obtenir un avantage concurrentiel mesurable. Pour plus d'informations ou pour contacter un représentant, visitez le site http://www.ibm.com/spss.

Assistance technique

L'assistance technique est réservée aux clients ayant signé un contrat de maintenance. Les clients peuvent contacter l'assistance technique pour obtenir de l'aide concernant l'utilisation des produits IBM Corp. ou l'installation dans l'un des environnements matériels pris en charge. Pour contacter l'assistance technique, rendez-vous sur le site Web IBM Corp. à l'adresse http://www.ibm.com/support. Votre nom, celui de votre société, ainsi que votre contrat d'assistance vous seront demandés.

Chapitre 1. A propos d'IBM SPSS Modeler

IBM SPSS Modeler est un ensemble d'outils d'exploration de données qui vous permet de développer rapidement, grâce à vos compétences professionnelles, des modèles prédictifs et de les déployer dans des applications professionnelles afin de faciliter la prise de décision. Conçu autour d'un modèle confirmé, le modèle CRISP-DM, IBM SPSS Modeler prend en charge l'intégralité du processus d'exploration de données, des données à l'obtention de meilleurs résultats commerciaux.

IBM SPSS Modeler propose différentes méthodes de modélisation issues des domaines de l'apprentissage automatique, de l'intelligence artificielle et des statistiques. Les méthodes disponibles dans la palette Modélisation vous permettent d'extraire de nouvelles informations de vos données et de développer des modèles prédictifs. Chaque méthode possède ses propres avantages et est donc plus adaptée à certains types de problème spécifiques.

Il est possible d'acquérir SPSS Modeler comme produit autonome ou de l'utiliser en tant que client en combinaison avec SPSS Modeler Server. Plusieurs autres options sont également disponibles, telles que décrites dans les sections suivantes. Pour plus d'informations, voir https://www.ibm.com/analytics/us/en/technology/spss/.

Produits IBM SPSS Modeler

La famille des produits IBM SPSS Modeler et les logiciels associés sont composés des éléments suivants.

- IBM SPSS Modeler
- IBM SPSS Modeler Server
- IBM SPSS Modeler Administration Console (inclus avec IBM SPSS Deployment Manager)
- IBM SPSS Modeler Batch
- IBM SPSS Modeler Solution Publisher
- Adaptateurs IBM SPSS Modeler Server pour IBM SPSS Collaboration and Deployment Services

IBM SPSS Modeler

SPSS Modeler est une version complète du produit que vous installez et exécutez sur votre ordinateur personnel. Pour obtenir de meilleures performances lors du traitement de jeux de données volumineux, vous pouvez exécuter SPSS Modeler en mode local, comme produit autonome, ou l'utiliser en mode réparti, en association avec IBM SPSS Modeler Server.

Avec SPSS Modeler, vous pouvez créer des modèles prédictifs précis rapidement et de manière intuitive, sans aucune programmation. L'interface visuelle unique vous permet de visualiser facilement le processus d'exploration de données. Grâce aux analyses avancées intégrées au produit, vous pouvez découvrir des motifs et tendances masqués dans vos données. Vous pouvez modéliser les résultats et comprendre les facteurs qui les influencent, afin d'exploiter les opportunités commerciales et de réduire les risques.

SPSS Modeler est disponible en deux éditions : SPSS Modeler Professional et SPSS Modeler Premium. Pour plus d'informations, voir « Editions d'IBM SPSS Modeler», à la page 2.

IBM SPSS Modeler Server

Grâce à une architecture client/serveur, SPSS Modeler adresse les demandes d'opérations très consommatrices de ressources à un logiciel serveur puissant. Il offre ainsi des performances accrues sur des jeux de données plus volumineux.

SPSS Modeler Server est un produit avec licence distincte qui s'exécute en permanence en mode d'analyse réparti sur un hôte de serveur en combinaison avec une ou plusieurs installations d'IBM SPSS Modeler. Ainsi, SPSS Modeler Server fournit des performances supérieures sur de grands jeux de données

car les opérations nécessitant beaucoup de mémoire peuvent être effectuées sur le serveur sans télécharger de données sur l'ordinateur client. IBM SPSS Modeler Server prend également en charge l'optimisation SQL et propose des capacités de modélisation dans la base de données pour des performances et une automatisation améliorées.

IBM SPSS Modeler Administration Console

Modeler Administration Console est une interface graphique permettant de gérer de nombreuses options de SPSS Modeler Server qui peuvent également être configurées au moyen d'un fichier d'options. La console est incluse dans IBM SPSS Deployment Manager et peut être utilisée pour surveiller et configurer vos installations SPSS Modeler Server ; elle est disponible gratuitement pour les clients actuels de SPSS Modeler Server. L'application ne peut être installée que sur des ordinateurs Windows ; en revanche, elle peut administrer un serveur installé sur n'importe quelle plate-forme prise en charge.

IBM SPSS Modeler Batch

Alors que l'exploration de données est généralement un processus interactif, il est également possible d'exécuter SPSS Modeler à partir d'une ligne de commande sans recourir à l'interface utilisateur graphique. Par exemple, vous pouvez avoir des tâches longue durée ou répétitives à exécuter sans intervention de l'utilisateur. SPSS Modeler Batch est une version spécifique du produit qui prend en charge toutes les capacités d'analyse de SPSS Modeler sans avoir besoin d'accéder à l'interface utilisateur standard. SPSS Modeler Server est requis pour utiliser SPSS Modeler Batch.

IBM SPSS Modeler Solution Publisher

SPSS Modeler Solution Publisher est un outil qui permet de créer une version conditionnée d'un flux SPSS Modeler qui peut être exécutée par un moteur d'exécution externe ou intégrée dans une application externe. Ainsi, vous pouvez publier et déployer des flux SPSS Modeler complets dans des environnements où SPSS Modeler n'est pas installé. SPSS Modeler Solution Publisher est fourni avec le service IBM SPSS Collaboration and Deployment Services - Scoring et nécessite une licence distincte. Avec cette licence, vous recevez SPSS Modeler Solution Publisher Runtime qui vous permet d'exécuter les flux publiés.

Pour plus d'informations sur SPSS Modeler Solution Publisher, voir la documentation d'IBM SPSS Collaboration and Deployment Services. La documentation IBM d'IBM SPSS Collaboration and Deployment Services contient des sections intitulées "IBM SPSS Modeler Solution Publisher" et "IBM SPSS Analytics Toolkit."

Adaptateurs IBM SPSS Modeler Server pour IBM SPSS Collaboration and Deployment Services

Différents adaptateurs pour IBM SPSS Collaboration and Deployment Services sont disponibles et permettent à SPSS Modeler et SPSS Modeler Server d'interagir avec un référentiel IBM SPSS Collaboration and Deployment Services. Ainsi, un flux SPSS Modeler déployé sur le référentiel peut être partagé par différents utilisateurs ou peut être accessible depuis l'application client léger IBM SPSS Modeler Advantage. Installez l'adaptateur sur le système qui héberge le référentiel.

Editions d'IBM SPSS Modeler

SPSS Modeler est disponible dans les éditions suivantes.

SPSS Modeler Professional

SPSS Modeler Professional offre tous les outils nécessaires à l'utilisation de la plupart des types de données structurées, tels que les comportements et interactions suivis dans les systèmes CRM, les caractéristiques sociodémographiques, les comportements d'achat et les données de vente.

SPSS Modeler Premium

SPSS Modeler Premium est un produit avec licence distincte qui étend le champ d'applications de SPSS Modeler Professional afin de pouvoir traiter des données spécialisées et des données de texte non structurées. SPSS Modeler Premium inclut IBM SPSS Modeler Text Analytics :

IBM SPSS Modeler Text Analytics utilise des technologies linguistiques avancées et le traitement du langage naturel pour traiter rapidement une large variété de données textuelles non structurées, en extraire les concepts clés et les organiser pour les regrouper dans des catégories. Les concepts extraits et les catégories peuvent ensuite être combinés aux données structurées existantes, telles que les données démographiques, et appliqués à la modélisation grâce à la gamme complète d'outils d'exploration de données d'IBM SPSS Modeler, afin de favoriser une prise de décision précise et efficace.

IBM SPSS Modeler Subscription

IBM SPSS Modeler Subscription propose les mêmes fonctionnalités d'analyse prédictive que le client IBM SPSS Modeler traditionnel. L'édition Subscription vous permet de télécharger régulièrement des mises à jour de produit.

Documentation

Une documentation est disponible dans le menu Aide de SPSS Modeler. Elle ouvre la documentation IBM en ligne, qui est toujours disponible en dehors du produit.

La documentation complète de chaque produit (y compris les instructions d'installation) au format PDF est également disponible dans un dossier compressé distinct, avec le téléchargement du produit. Les derniers documents PDF peuvent également être téléchargés depuis le Web sur le site https://www.ibm.com/support/pages/spss-modeler-183-documentation.

Documentation SPSS Modeler Professional

La suite de documentation SPSS Modeler Professional (à l'exception des instructions d'installation) est la suivante.

- **IBM SPSS Modeler - Guide d'utilisation.** Introduction générale à SPSS Modeler : création de flux de données, traitement des valeurs manquantes, création d'expressions CLEM, utilisation de projets et de rapports et regroupement des flux pour le déploiement dans IBM SPSS Collaboration and Deployment Services ou IBM SPSS Modeler Advantage.
- **Noeuds source, de processus et de sortie d'IBM SPSS Modeler.** Descriptions de tous les noeuds utilisés pour lire, traiter et renvoyer les données de sortie dans différents formats. En pratique, cela signifie tous les noeuds autres que les noeuds modélisation.
- **Noeuds modélisation IBM SPSS Modeler.** Descriptions de tous les noeuds utilisés pour créer des modèles d'exploration de données. IBM SPSS Modeler propose différentes méthodes de modélisation issues des domaines de l'apprentissage automatique, de l'intelligence artificielle et des statistiques.
- **IBM SPSS Modeler - Guide des applications.** Les exemples de ce guide fournissent des introductions brèves et ciblées aux méthodes et techniques de modélisation. Une version en ligne de ce guide est également disponible dans le menu Aide. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Exemples d'application», à la page 4.
- **IBM SPSS Modeler - Génération de scripts Python et d'automatisation** Ce manuel fournit des informations sur l'automatisation du système via des scripts Python, notamment sur les propriétés pouvant être utilisées pour manipuler les noeuds et les flux.
- **IBM SPSS Modeler - Guide de déploiement.** Informations sur l'exécution des flux IBM SPSS Modeler comme étapes des travaux d'exécution sous IBM SPSS Deployment Manager.
- **IBM SPSS Modeler CLEF - Guide du développeur.** CLEF permet d'intégrer des programmes tiers tels que des programmes de traitement de données ou des algorithmes de modélisation en tant que noeuds dans IBM SPSS Modeler.

- **IBM SPSS Modeler - Guide d'exploration de base de données.** Informations sur la manière de tirer parti de la puissance de votre base de données pour améliorer les performances et étendre la gamme des capacités d'analyse via des algorithmes tiers.
- **IBM SPSS Modeler Server - Guide d'administration et des performances.** Informations sur le mode de configuration et d'administration d'IBM SPSS Modeler Server.
- **IBM SPSS Deployment Manager - Guide d'utilisation.** Informations sur l'utilisation de l'interface utilisateur de la console d'administration incluses dans l'application Deployment Manager pour la surveillance et la configuration d'IBM SPSS Modeler Server.
- **IBM SPSS Modeler - Guide CRISP-DM.** Guide détaillé sur l'utilisation de la méthodologie CRISP-DM pour l'exploration de données avec SPSS Modeler
- **IBM SPSS Modeler Batch - Guide d'utilisation.** Guide complet sur l'utilisation d'IBM SPSS Modeler en mode de traitement par lots, avec des détails sur l'exécution en mode de traitement par lots et les arguments de ligne de commande. Ce guide est disponible au format PDF uniquement.

Documentation de SPSS Modeler Premium

La suite de documentation SPSS Modeler Premium (à l'exception des instructions d'installation) est la suivante.

- **SPSS Modeler Text Analytics - Guide d'utilisation.** Informations sur l'utilisation des analyses de texte avec SPSS Modeler, notamment sur les noeuds Text Mining, l'espace de travail interactif, les modèles et d'autres ressources.

Exemples d'application

Tandis que les outils d'exploration de données de SPSS Modeler peuvent vous aider à résoudre une grande variété de problèmes métier et organisationnels, les exemples d'application fournissent des introductions brèves et ciblées aux méthodes et aux techniques de modélisation. Les jeux de données utilisés ici sont beaucoup plus petits que les énormes entrepôts de données gérés par certains Data Miners, mais les concepts et les méthodes impliqués peuvent être adaptés à des applications réelles.

Pour accéder aux exemples, cliquez sur **Exemples d'application** dans le menu Aide de SPSS Modeler.

Les fichiers de données et les flux d'échantillons sont installés dans le dossier `Demos`, sous le répertoire d'installation du produit. Pour plus d'informations, voir «Dossier Demos», à la page 4.

Exemples de modélisation de base de données. Consultez les exemples dans *IBM SPSS Modeler Guide d'exploration de base de données*.

Exemples de génération de scripts. Consultez les exemples dans *IBM SPSS Modeler Guide de génération de scripts et d'automatisation*.

Dossier Demos

Les fichiers de données et les flux d'échantillons utilisés avec les exemples d'application sont installés dans le dossier `Demos`, sous le répertoire d'installation du produit (par exemple : `C:\Program Files\IBM\SPSS\Modeler\<version>\Demos`). Ce dossier est également accessible à partir du groupe de programmes IBM SPSS Modeler, dans le menu Démarrer de Windows ou en cliquant sur `Demos` dans la liste des répertoires récents de la boîte de dialogue **Fichier** > **Ouvrir un flux**.

Suivi des licences

Lorsque vous utilisez SPSS Modeler, l'utilisation des licences est suivie et consignée à intervalles réguliers. Les métriques de licence consignées sont *AUTHORIZED_USER* et *CONCURRENT_USER* et le type de métrique consigné dépend du type de licence dont vous disposez pour SPSS Modeler.

Les fichiers journaux générés peuvent être traités par IBM License Metric Tool, à partir duquel vous pouvez générer des rapports d'utilisation de licence.

Les fichiers journaux des licences sont créés dans le répertoire dans lequel les fichiers journaux de SPSS Modeler Client sont enregistrés (par défaut, `%ALLUSERSPROFILE%/IBM/SPSS/Modeler/<version>/log`).

Chapitre 2. Introduction à la modélisation

Un modèle est un ensemble de règles, de formules, ou d'équations pouvant être utilisées pour prédire un résultat en fonction d'un ensemble de champs ou de variables d'entrée. Par exemple, une institution financière peut utiliser un modèle pour prédire si les emprunteurs représentent un risque important ou peu de risque, en fonction des informations déjà connues sur le passé de ces emprunteurs.

La capacité à prédire un résultat est l'objectif central de l'analyse prédictive, et la compréhension du processus de modélisation est essentielle pour l'utilisation d'IBM SPSS Modeler.

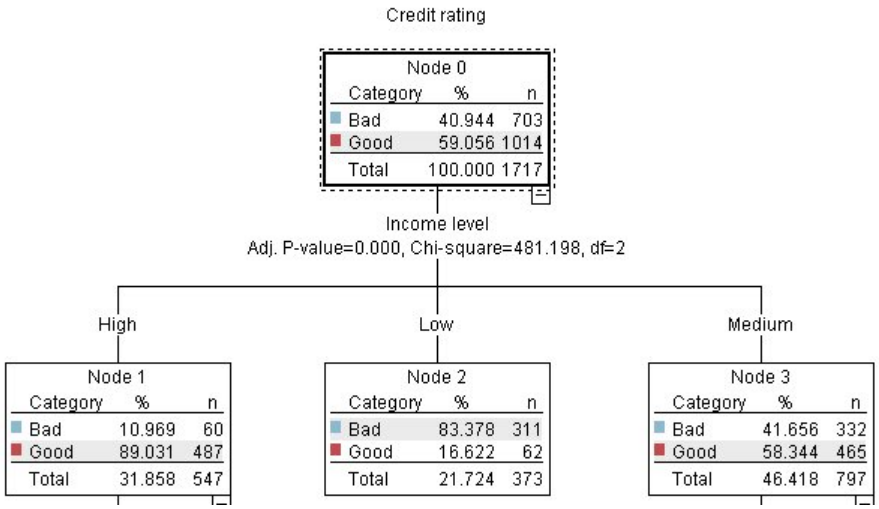


Figure 1. Modèle d'arbre de décision simple

Cet exemple utilise un modèle d'**arbre décision** qui classifie les enregistrements (et prédit une réponse) à l'aide d'une série de règles de décisions, par exemple :

```
Si revenu = Moyen
Et cartes <5
Alors -> 'Bon'
```

Bien que cet exemple utilise un modèle CHAID (Chi-Squared Automatic Interaction Detection), il est destiné à fournir une introduction générale, et la plupart des concepts s'appliquent globalement aux autres types de modélisation dans IBM SPSS Modeler.

Pour comprendre tous les modèles, vous devez d'abord comprendre les données qu'ils contiennent. Les données de cet exemple contiennent des informations sur les clients d'une banque. Les champs suivants sont utilisés :

Nom du champ	**Description**
Conditions_crédit	Conditions de crédit : 0=Mauvaises, 1=Bonnes, 9=valeurs manquantes
Age	Age en années
Revenu	Niveau de revenu : 1=Bas, 2=Moyen, 3=Elevé
Cartes_crédit	Nombre de cartes de crédit possédées : 1=Moins de cinq, 2=Cinq ou plus
Education	Niveau d'éducation : 1=Lycée, 2=Université
Prêts_voiture	Nombre de prêts voiture en cours : 1=Aucun ou un, 2=Plus de deux

La banque gère une base de données contenant des informations sur les clients qui ont contracté un prêt, notamment sur le respect de leur engagement de remboursement (conditions de crédit = bonnes) ou le non-respect de leur engagement (conditions de crédit = mauvaises). A l'aide de ces données, la banque peut créer un modèle qui lui permettra de prédire les probabilités de remboursement des futurs emprunteurs.

A partir d'un modèle d'arbre de décision, vous pouvez analyser les caractéristiques de deux groupes de clients et prédire les risques de non-remboursement.

Cet exemple utilise le flux nommé *modelingintro.str*, disponible dans le dossier *Demos* du sous-dossier des *flux*. Le fichier de données est *tree_credit.sav*. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Dossier Demos», à la page 4.

Regardons le flux de plus près.

1. Dans le menu principal, sélectionnez les options suivantes :

   Fichier > **Ouvrir un flux**
2. Cliquez sur l'icône de la pépite d'or dans la barre d'outils de la boîte de dialogue Ouvrir et choisissez le dossier Demos.
3. Double-cliquez sur le dossier des *flux*.
4. Double-cliquez sur le fichier *modelingintro.str*.

Création du flux

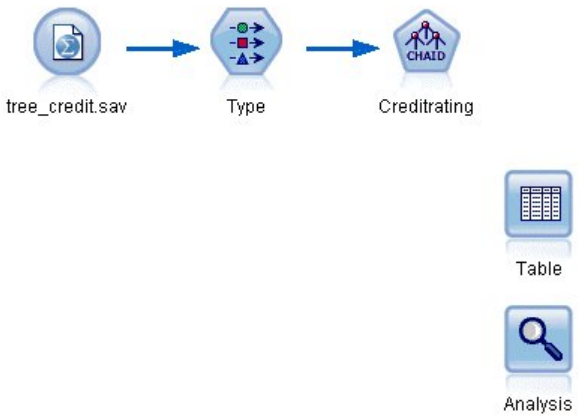


Figure 2. Modélisation du flux

Pour construire un flux qui va créer un modèle, vous avez besoin d'au moins trois éléments :

- Un noeud source qui lit les données issues d'une source externe, dans ce cas un fichier de données IBM SPSS Statistics.
- Un noeud source ou type qui spécifie les propriétés des champs, telles que le niveau de mesure (le type de données contenues dans le champ) et le rôle de chaque champ en tant que cible ou entrée dans la modélisation.
- Un noeud de modélisation qui génère un nugget de modèle lors de l'exécution du flux.

Dans cet exemple, nous utilisons un noeud de modélisation CHAID. CHAID, ou Chi-Squared Automatic Interaction Detection, est une méthode de classification qui crée des arbres de décision à l'aide d'un type de statistiques spécifique connu sous le nom de statistiques du khi-deux et qui permet de définir les meilleurs endroit auxquels opérer le découpage dans l'arbre de décision.

Si les niveaux de mesure sont spécifiés dans le noeud source, le noeud type distinct peut être éliminé. D'un point de vue fonctionnel, le résultat est le même.

Ce flux comporte également des noeuds Table et Analyse qui seront utilisés pour afficher les résultats de scoring après la création du nugget de modèle et son ajout au flux.

Le noeud Statistics lit les données au format IBM SPSS Statistics à partir du fichier de données *tree_credit.sav*, qui est installé dans le dossier *Demos*. (Une variable spéciale nommée *$CLEO_DEMOS* est utilisée pour faire référence à ce dossier sous l'installation IBM SPSS Modeler actuelle. Ainsi, le chemin sera toujours valide, quelque soit le dossier d'installation actuel ou la version.)

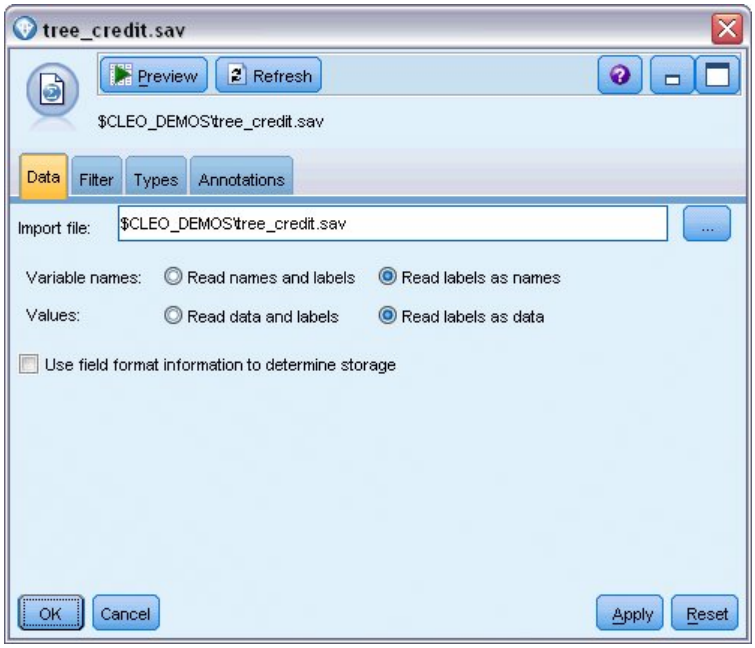


Figure 3. Lecture des données avec un noeud source Statistics

Le noeud type définit le **niveau de mesure** pour chaque champ. Le niveau de mesure est une catégorie qui indique le type de données du champ. Notre fichier de données source utilise trois niveaux de mesure différents.

Un champ **Continu** (comme le champ *Age*) contient des valeurs numériques continues, alors qu'un champ **Nominal** (comme le champ *Conditions de crédit*) contient deux valeurs distinctes minimum, par exemple *Mauvaises*, *Bonnes*, ou *Pas d'antécédents de crédit*. Un champ **Ordinal** (comme le champ *Niveau de revenu*) décrit les données avec différentes valeurs distinctes ayant un ordre inhérent, dans ce cas *Faible*, *Moyenne* et *Elevée*.

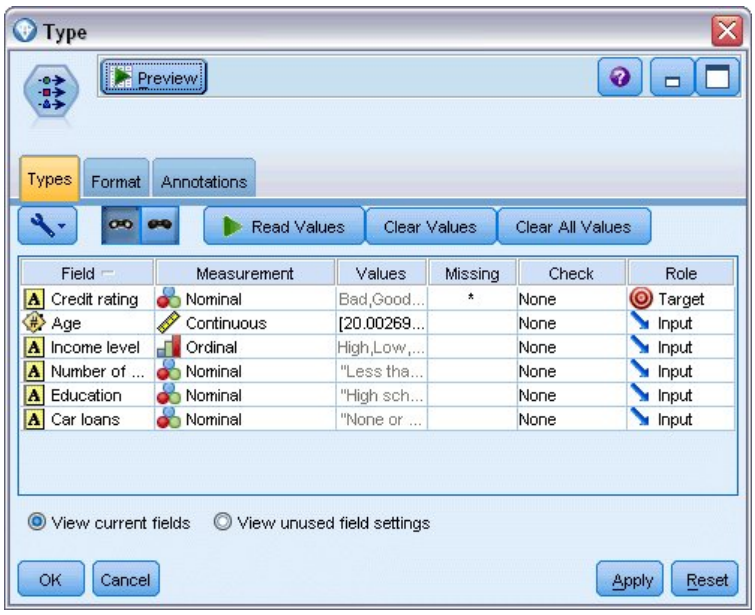


Figure 4. Définition des champs cibles et des champs d'entrées avec le noeud type

Pour chaque champ, le noeud type spécifie également un **rôle**, qui indique le rôle que joue chaque champ dans la modélisation. Le rôle est défini sur *Cible* pour le champ *Conditions de crédit*, qui indique si un client donné a remboursé ou non son prêt. Il s'agit de la **cible**, soit le champ dont vous souhaitez prédire la valeur.

Le rôle est défini sur *Entrée* pour les autres champs. Les champs d'entrée sont quelquefois désignés sous le nom de **prédicteurs**, ou champs dont les valeurs sont utilisées par l'algorithme de modélisation afin de prévoir la valeur du champ cible.

Le noeud de modélisation CHAID génère le modèle.

Sur l'onglet Champs du noeud de modélisation, l'option **Utiliser les rôles prédéfinis** est sélectionnée, ce qui signifie que la cible et les entrées indiquées dans le noeud type seront utilisées. Vous pouvez modifier les rôles de champ à ce stade, mais pour cet exemple, nous les utiliserons tels quels.

1. Cliquez sur l'onglet Options de création.

Figure 5. Noeud de modélisation CHAID - Onglet Champs

Plusieurs options sont disponibles ici dans lesquelles vous pouvez spécifier le type de modèle que vous voulez créer.

Nous voulons un tout nouveau modèle, donc nous utiliserons l'option par défaut **Créer un nouveau modèle**.

Nous voulons également un seul modèle d'arbre décision standard sans aucune amélioration, donc nous conserverons l'option d'objectif par défaut **Créer un seul arbre**.

Bien que vous puissiez lancer une session de modélisation interactive qui vous permet d'ajuster le modèle, cet exemple génère simplement un modèle à l'aide du paramètre de mode par défaut **Générer le modèle**.

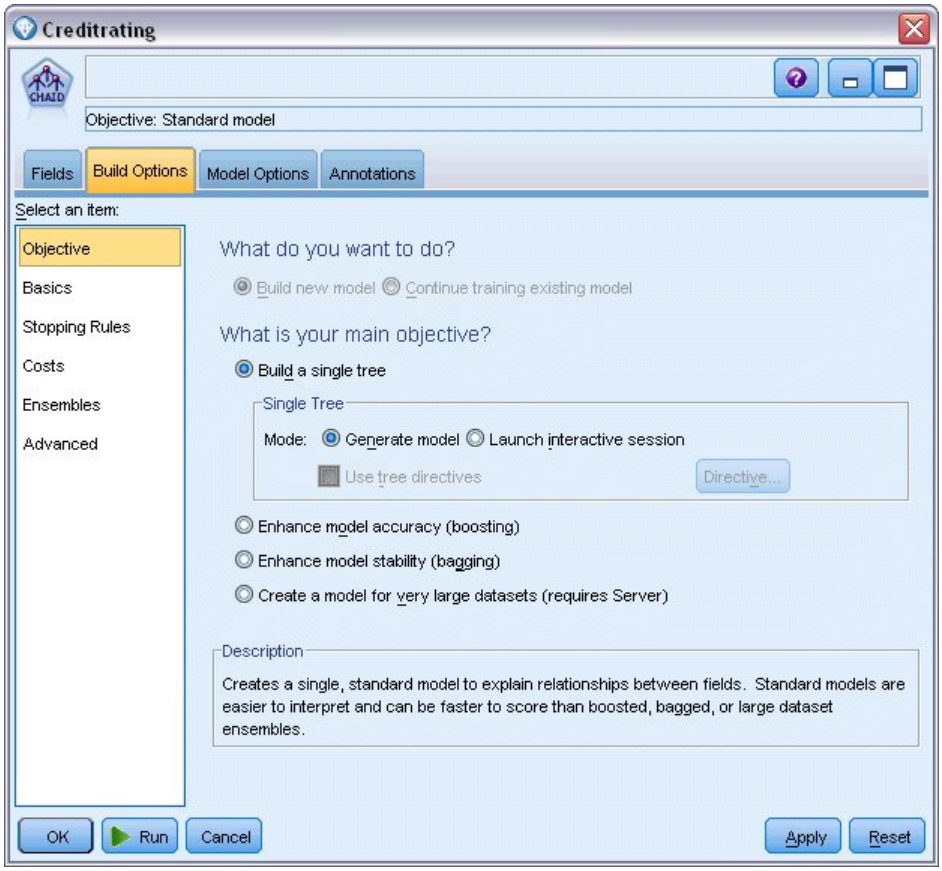


Figure 6. Noeud de modélisation CHAID - Onglet Options de création

Pour cet exemple, nous avons voulu présenter un arbre relativement simple ; nous limiterons donc la croissance de l'arbre en augmentant le nombre minimum d'observations pour les noeuds parent et enfant.

2. Dans l'onglet Options de création, sélectionnez **Règles d'arrêt** dans le panneau de gauche du navigateur.
3. Sélectionnez l'option **Utiliser la valeur absolue**.
4. Définissez **Enregistrements minimum dans la branche parent** sur 400.
5. Définissez **Enregistrements minimum dans la branche enfant** sur 200.

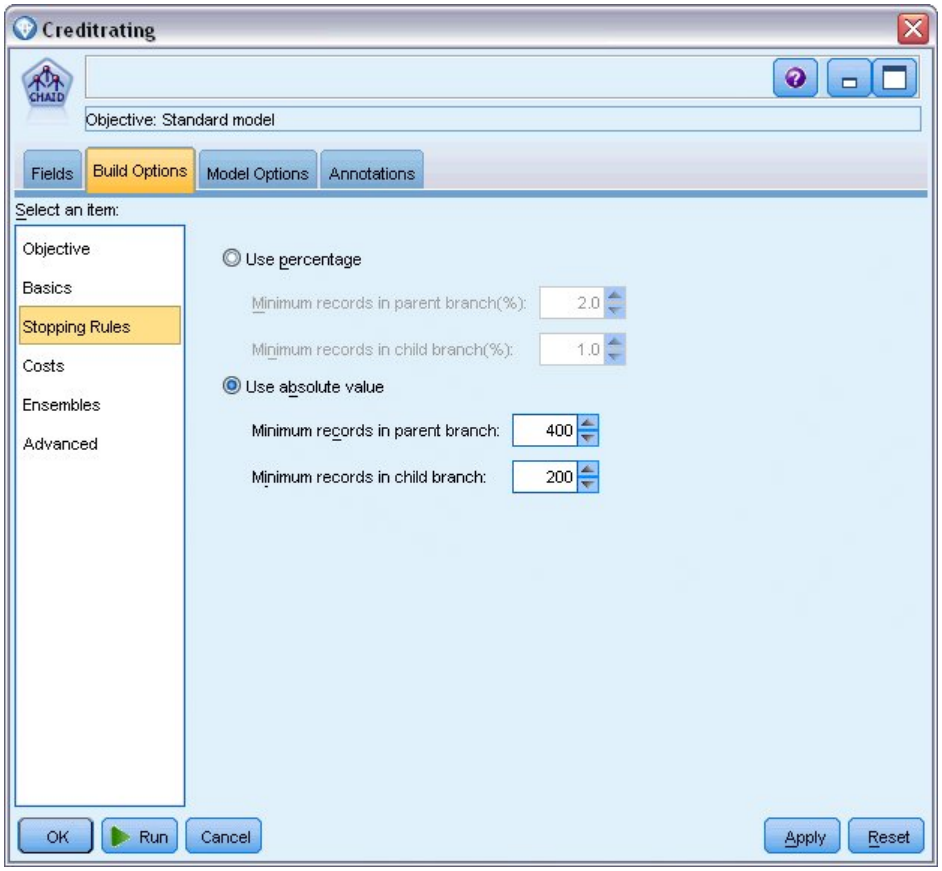


Figure 7. Définition des critères d'arrêt pour la création d'un arbre de décisions

Nous pouvons utiliser toutes les autres options par défaut pour cet exemple, par conséquent, cliquez sur **Exécuter** pour créer le modèle. (Vous pouvez également cliquer avec le bouton droit de la souris sur le noeud et choisir **Exécuter** dans le menu contextuel ou sélectionner le noeud et choisir **Exécuter** dans le menu Outils.)

Navigation dans le modèle

Lorsque l'exécution se termine, le nugget de modèle est ajouté à la palette Modèles dans le coin supérieur droit de la fenêtre de l'application, et est aussi placé dans l'espace de travail du flux avec un lien vers le noeud de modélisation à partir duquel il a été créé. Pour consulter les détails du modèle, cliquez avec le bouton droit de la souris sur le nugget de modèle **Parcourir** (dans la palette des modèles) ou **Modifier** (dans l'espace de travail).

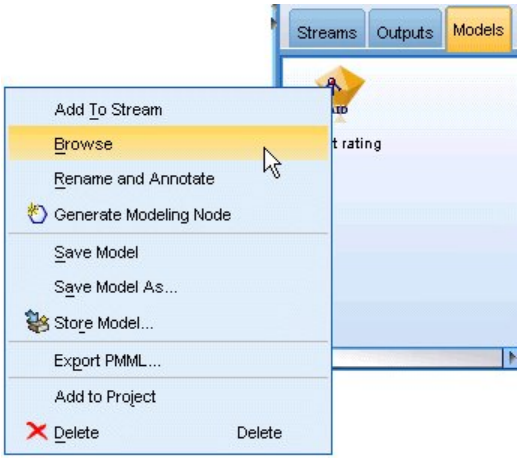


Figure 8. Palette Modèles

Dans le cas du nugget CHAID, l'onglet Modèle affiche les détails sous la forme d'un ensemble de règles. Il s'agit essentiellement d'une série de règles pouvant être utilisées pour affecter des enregistrements individuels à des noeuds enfant, en fonction des valeurs des différents champs d'entrée.

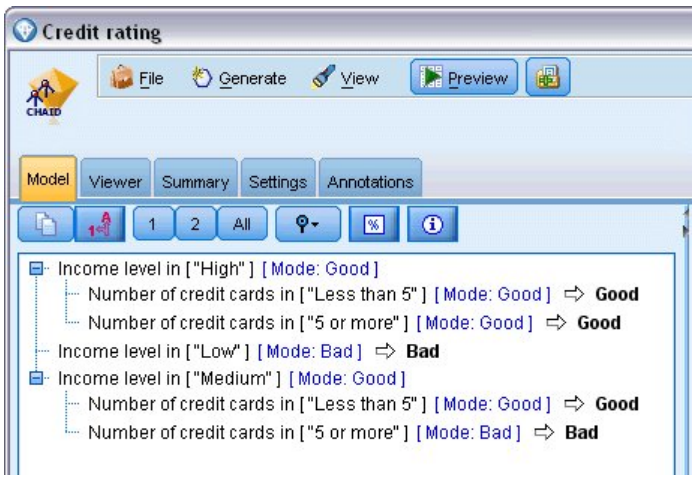


Figure 9. Nugget de modèle CHAID, ensemble de règles

Pour chaque noeud de terminal d'arbre de décision, c'est-à-dire ces noeuds Arbre qui ne sont pas plus divisés, une prévision de *Bon* ou *Mauvais*est renvoyée. Dans chaque cas la prédiction est déterminée par le **noeud**, ou par la réponse la plus courante pour les enregistrements qui sont compris dans ce noeud.

A droite de l'ensemble de règles, l'onglet Modèle affiche le graphique d'importance des prédicteurs qui montre l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. Nous pouvons observer que le *niveau de revenu* est le critère plus important dans ce cas et que le seul autre facteur intéressant est le *Nombre de cartes de crédit*.

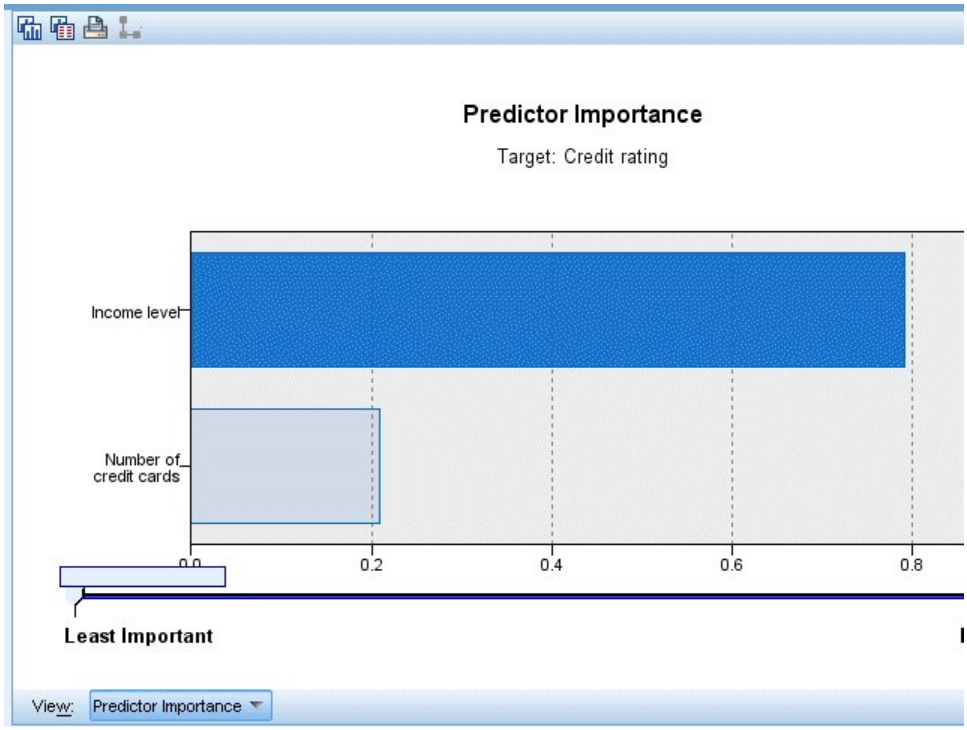


Figure 10. Graphique de l'importance des prédicteurs

L'onglet Visualiseur dans le nugget de modèle affiche le même modèle sous la forme d'un arbre, avec un noeud à chaque point de décision. Utilisez les commandes du Zoom sur la barre d'outils pour effectuer un zoom avant sur un noeud spécifique ou un zoom arrière pour afficher une plus grande partie de l'arbre.

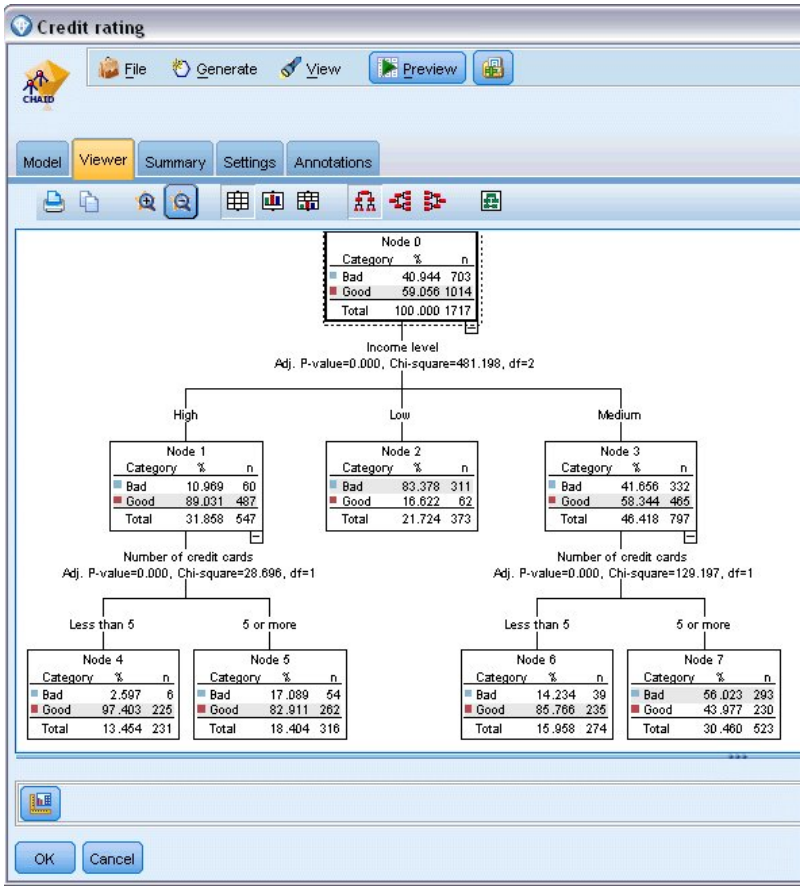


Figure 11. Onglet Visualiseur dans le nugget de modèle, avec zoom arrière sélectionné

Si l'on regarde la partie supérieure de l'arbre, le premier noeud (Noeud 0) propose un récapitulatif de tous les enregistrements dans le jeu de données. Un peu plus de 40 % des observations de ce jeu de données sont classées comme risquées. Il s'agit d'une proportion élevée. Voyons si l'arbre peut nous donner des informations sur les facteurs responsables.

Nous pouvons observer que la première division se situe au niveau du *Niveau de revenu*. Les enregistrements dans lesquels le niveau de revenu se trouve dans la catégorie *Low* (Faible) sont affectés au Noeud 2 et il n'est pas surprenant de voir que cette catégorie contient le plus fort pourcentage de non-reboursement de prêts. Il est évident qu'accorder un prêt aux clients de cette catégorie présente un risque élevé.

Cependant, 16% des clients de cette catégorie ont, en réalité, *remboursé* leur prêt. Par conséquent, cette prévision n'est pas toujours exacte. Aucun modèle ne peut réellement prédire toutes les réponses, mais un bon modèle doit vous permettre de prédire la réponse *la plus problable* pour chaque enregistrement, sur la base des données disponibles.

De la même façon, si l'on observe les clients avec un revenu élevé (Noeud 1), on s'aperçoit que la grande majorité (89 %) présente un risque peu élevé. Mais plus de 1 clients sur 10 n'a pas remboursé son prêt. Est-il possible d'affiner nos critères de prêt pour diminuer le risque ?

Veuillez noter que le modèle a divisé ces clients en deux sous-catégories (noeuds 4 et 5), en fonction du nombre de cartes de crédit possédées. Pour les clients à revenu élevé, si nous prêtons uniquement à ceux possédant moins de 5 cartes de crédit, nous pouvons faire passer notre taux de succès de 89% à 97%, soit un résultat encore plus satisfaisant.

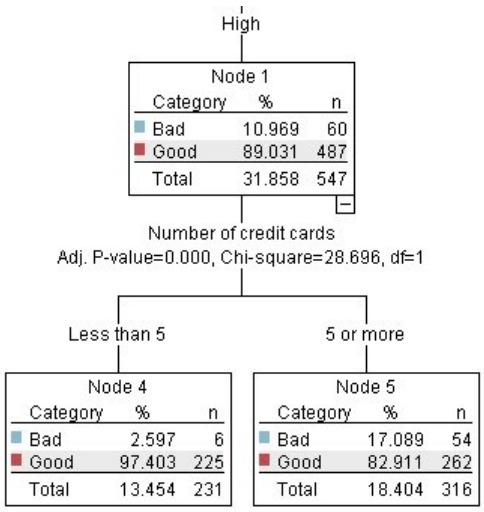


Figure 12. Vue sous forme d'arbre des clients à revenu élevé

Mais qu'en est-il des clients appartenant à la catégorie Revenu moyen (Noeud 3) ? Ils sont encore plus fortement divisés entre les évaluations Good (Bon) et Bad (Mauvais).

De nouveau, les sous-catégories (Noeuds 6 et 7 dans ce cas) peuvent nous aider. Cette fois, prêter uniquement aux clients avec des revenus moyens et possédant moins de 5 cartes de crédit fait passer le pourcentage de conditions Bonnes de 58% à 85%, soit une augmentation importante.

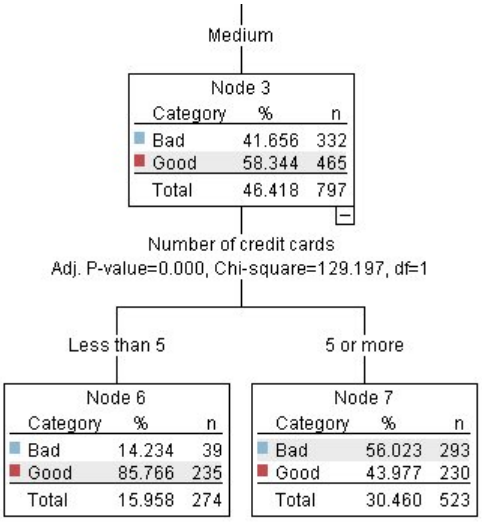


Figure 13. Vue sous forme d'arbre des clients à revenu moyen

Nous avons appris que chaque enregistrement contenu dans ce modèle sera attribué à un noeud spécifique et recevra une prévision *Bonne* ou *Mauvaise* en fonction des réponses les plus courantes de ce noeud.

Ce processus consistant à affecter des prédictions à des enregistrements individuels s'appelle le **scoring** (ou évaluation). En effectuant le scoring des mêmes enregistrements utilisés pour estimer le modèle, il est possible d'évaluer son exactitude sur les données d'apprentissage, données dont nous connaissons le résultat. Examinons comment effectuer cette opération.

Evaluation du modèle

Nous avons parcouru le modèle pour comprendre le fonctionnement du scoring. Mais pour évaluer son *exactitude*, nous devons déterminer le score de certains enregistrements et comparer les réponses prédites par le modèle aux résultats réels. Nous allons déterminer le score des mêmes enregistrements qui ont été utilisés pour estimer le modèle, ce qui nous permet de comparer les réponses observées et les réponses prédites.

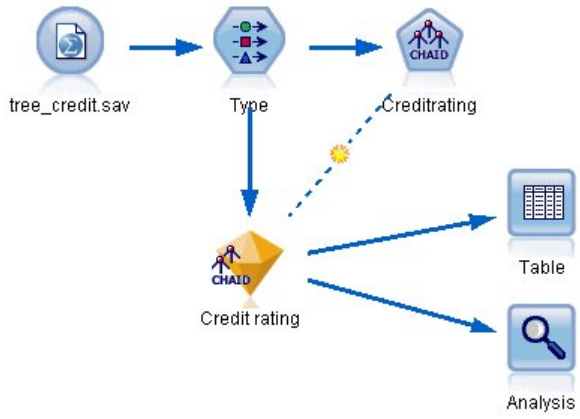
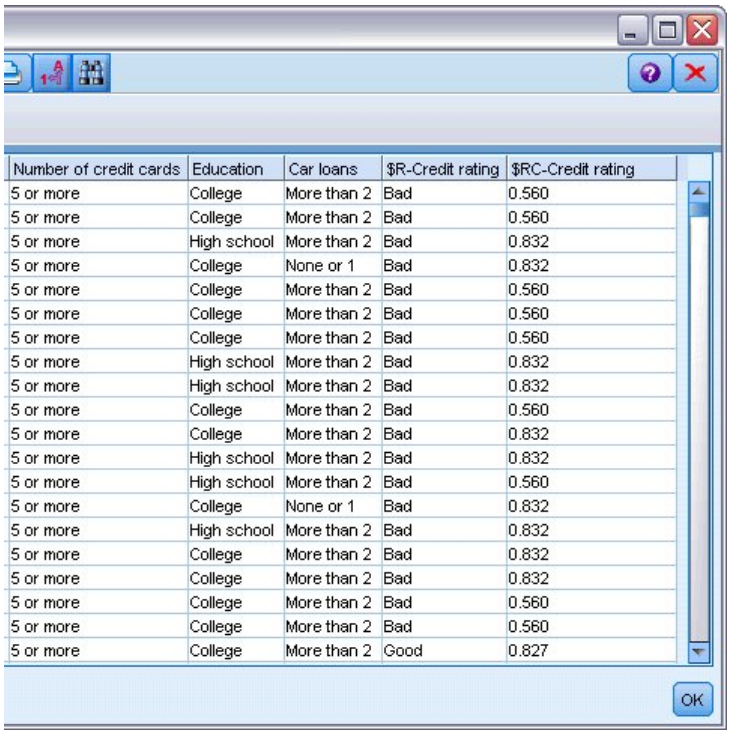


Figure 14. Lier le nugget de modèle au noeuds de sortie pour l'évaluation du modèle

1. Pour voir les scores ou les prédictions, attachez le noeud Table au nugget de modèle, double-cliquez sur le noeud Table et cliquez sur **Exécutez**.

   La table affiche les scores prédits dans un champ nommé *$R-Credit rating*, qui a été créé par le modèle. Nous pouvons comparer ces valeurs au champ *Conditions de crédit* d'origine qui contient les réponses réelles.

Par convention, les noms des champs générés au cours du scoring sont basés sur le champ cible, mais avec un préfixe standard. Les préfixes *$G* et *$GE* sont générés par le Modèle linéaire généralisé, *$R* est le préfixe utilisé pour la prévision générée par le modèle CHAID dans ce cas, *$RC* est utilisé pour les valeurs de confiance, *$X* est généralement utilisé en utilisant un ensemble, et *$XR*, *$XS* et *$XF* sont utilisés respectivement comme préfixes lorsque le champ cible est un champ de type Continu, Catégoriel, Ensemble ou Indicateur. Les types de modèles différents utilisent des ensembles de préfixes distincts. Une **valeur de confiance** est la propre estimation du modèle, sur une échelle de 0,0 à 1,0, de l'exactitude de chaque valeur prédite.



Number of credit cards	Education	Car loans	$R-Credit rating	$RC-Credit rating
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.832
5 or more	College	None or 1	Bad	0.832
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.832
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.832
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Bad	0.832
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.832
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	None or 1	Bad	0.832
5 or more	High school	More than 2	Bad	0.832
5 or more	College	More than 2	Bad	0.832
5 or more	College	More than 2	Bad	0.832
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Bad	0.560
5 or more	College	More than 2	Good	0.827

OK

Figure 15. Table affichant les scores générés et les valeurs de confiance

Comme prévu, la valeur prédite correspond aux réponses réelles pour de nombreux enregistrements mais pas pour tous. La raison à cela est que chaque noeud terminal CHAID comporte un ensemble de réponses. La prédiction correspond à la réponse la *plus courante*, mais elle sera fausse pour toutes les autres réponses de ce noeud. (Pensez à la minorité de 16% de clients à faible revenu qui ont remboursé leur prêt).

Pour éviter ceci, nous pouvons continuer à diviser l'arbre en branches de plus en plus petites, jusqu'à ce que chaque noeud soit pur à 100%, autrement dit qu'il ne comporte que des *Good* (Bonne) ou *Bad* (Mauvaise) sans réponses mixtes. Mais un tel modèle serait extrêmement compliqué et serait probablement difficile à étendre à d'autres jeux de données.

Pour connaître précisément le nombre de prévisions correctes, nous pouvons lire la table et compter le nombre d'enregistrements où la valeur du champ prédit *$R-Credit rating* correspond à la valeur des *Conditions de crédit*. Heureusement, il y a beaucoup plus simple : nous pouvons utiliser le noeud Analyse, qui effectue automatiquement cette opération.

2. Connectez le nugget de modèle au noeud Analyse.
3. Double-cliquez sur le noeud Analyse, puis cliquez sur **Exécuter**.

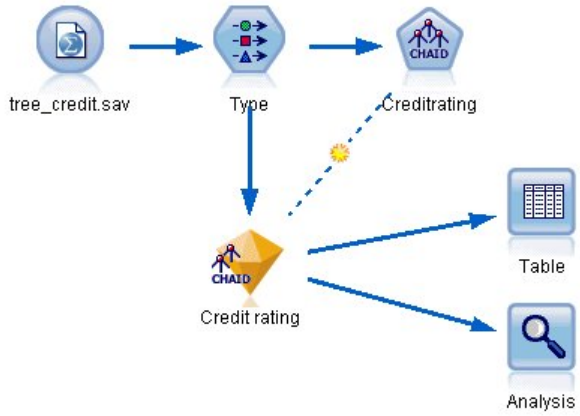


Figure 16. Ajout d'un noeud Analyse

L'analyse montre que pour 1899 enregistrements sur 2464 - un peu plus de 77% - la valeur prédite par le modèle correspondait à la réponse réelle.

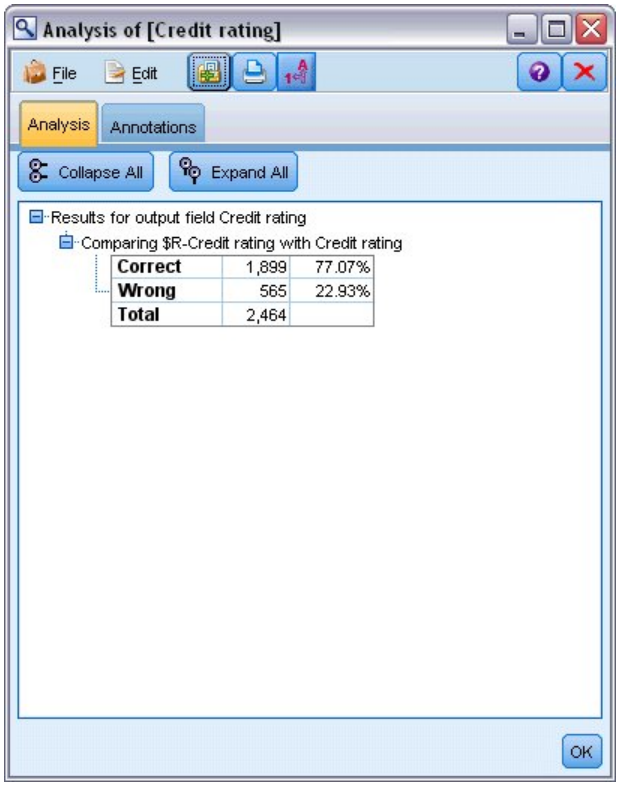


Figure 17. Résultats d'analyse comparant les réponses observées et les réponses prédites

Ce résultat est limité parce que les enregistrements auxquels un score est donné sont les mêmes que ceux utilisés pour évaluer le modèle. Dans la réalité, vous pourriez utiliser un noeud Partitionner pour diviser les données en échantillons distincts pour l'apprentissage et l'évaluation.

L'utilisation d'un échantillon de partition pour la génération du modèle et d'un autre échantillon pour le tester vous permet d'avoir une bien meilleure indication de la manière dont il peut s'étendre à d'autres jeux de données.

Le noeud Analyse nous permet de tester le modèle sur les enregistrements pour lesquels nous connaissons déjà le résultat réel. L'étape suivante illustre la façon dont nous pouvons utiliser le modèle pour évaluer les enregistrements dont nous ne connaissons pas le résultat. Par exemple, cela peut comprendre les gens qui ne sont pas des clients de la banque, mais qui sont des cibles potentielles pour un publipostage promotionnel.

Scoring des enregistrements

Auparavant, nous avons évalué les mêmes enregistrements utilisés pour estimer le modèle afin de connaître l'exactitude du modèle. A présent, nous allons voir comme évaluer un ensemble d'enregistrements différent de ceux utilisés pour créer le modèle. Il s'agit de l'objectif de la modélisation avec un champ cible : étudier les enregistrements pour lesquels vous connaissez le résultat pour identifier des schémas qui vous permettront de prédire les résultats que vous ne connaissez pas encore.

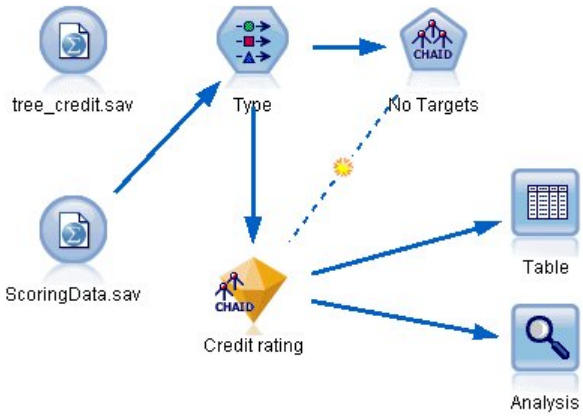


Figure 18. Association de nouvelles données pour le scoring

Vous pouvez mettre à jour le noeud source Statistics pour qu'il pointe vers un fichier de données différent ou vous pouvez ajouter un nouveau noeud source qui lit dans les données que vous voulez évaluer. Dans les deux méthodes, le nouveau jeu de données doit contenir les mêmes champs d'entrée utilisés par le modèle (*Age*, *Niveau de revenu*, *Education*, etc.) mais pas le champ cible *Conditions de crédit*.

Vous pouvez également ajouter le nugget de modèle à tout flux contenant les champs d'entrée attendus. Qu'il soit lu à partir d'un fichier ou d'une base de données, le type de source n'importe pas du moment que les noms et les types des champs correspondent à ceux utilisés par le modèle.

Vous pouvez également enregistrer le nugget de modèle en tant que fichier distinct, exporter le modèle au format PMML pour une utilisation avec d'autres applications qui prennent en charge ce format ou stocker le modèle dans un répertoire IBM SPSS Collaboration and Deployment Services, ce qui permet le déploiement, le scoring et la gestion des modèles à l'échelle de l'entreprise.

Quelque soit l'infrastructure utilisée, le modèle proprement dit fonctionne de la même manière.

Récapitulatif

Cet exemple décrit la procédure standard de création, d'évaluation et de scoring d'un modèle.

- Le noeud de modélisation estime le modèle en étudiant les enregistrements pour lesquels le résultat est connu et crée un nugget de modèle. On parle parfois d'apprentissage du modèle.
- Le nugget de modèle peut être ajouté à n'importe quel flux contenant les champs attendus pour évaluer les enregistrements. En effectuant le scoring des enregistrements pour lesquels vous connaissez déjà le résultat (les clients existants par exemple), vous pouvez évaluer la performance du modèle.
- Une fois que vous êtes satisfait de la performance du modèle, vous pouvez effectuer un scoring de nouvelles données (des clients potentiels par exemple) pour prédire leur réponse.
- Les données utilisées pour l'apprentissage ou l'estimation du modèle peuvent être appelées données analytiques ou historiques; les données de scoring peuvent également être appelées données opérationnelles.

Chapitre 3. Présentation de la modélisation

Présentation des noeuds modélisation

IBM SPSS Modeler propose différentes méthodes de modélisation issues des domaines de l'apprentissage automatique, de l'intelligence artificielle et des statistiques. Les méthodes disponibles dans la palette Modélisation vous permettent d'extraire de nouvelles informations de vos données et de développer des modèles prédictifs. Chaque méthode possède ses propres avantages et est donc plus adaptée à certains types de problème spécifiques.

Le manuel *IBM SPSS Modeler - Guide des applications* fournit des exemples pour nombreuses de ces méthodes, ainsi qu'une présentation générale du processus de modélisation. Ce guide est disponible en tant que tutoriel en ligne, ainsi qu'au format PDF. Pour plus d'informations, reportez-vous à la rubrique «Exemples d'application», à la page 4.

Les méthodes de modélisation sont divisées en plusieurs catégories :

- Supervisé
- Association
- Segmentation

Modèles supervisés

Les *modèles supervisés* utilisent les valeurs d'un ou de plusieurs champs d'**entrée** afin de prédire la valeur d'un ou de plusieurs champs de résultats ou **cibles**. Vous pouvez utiliser notamment les arbres de décisions (algorithmes d'arbre C&RT, QUEST, CHAID et C5.0), la régression (algorithmes linéaires, logistiques, linéaires généralisés et régression de Cox), les réseaux de neurones, les machines à vecteurs de prise en charge et les réseaux Bayésiens.

Les modèles supervisés permettent aux entreprises de prévoir un résultat connu, par exemple si un client va acheter ou ne pas acheter un produit, ou si une transaction entre dans le cadre d'une fraude connue. Les techniques de modélisation comprennent le processus d'apprentissage automatique, l'induction de règles, l'identification de sous-groupes, les méthodes statistiques et la génération de modèles multiples.

Noeuds supervisés

Le noeud Classificateur automatique crée et compare les résultats binaires de plusieurs modèles différents (oui ou non, avec ou sans attrition, etc.), ce qui vous permet de choisir la meilleure approche pour une analyse donnée. Plusieurs algorithmes de modélisation sont pris en charge. Vous pouvez alors sélectionner les méthodes que vous souhaitez utiliser, les options spécifiques pour chacune d'elles et le critère de comparaison des résultats. Le noeud génère un ensemble de modèles basé sur les options spécifiées et classe les meilleurs candidats en fonction des critères indiqués.

Le noeud Numérisation automatique évalue et compare des modèles pour des résultats d'intervalle numérique continus par le biais de différentes méthodes. Le noeud fonctionne de la même manière que le noeud Classificateur automatique, vous permettant ainsi de choisir les algorithmes à utiliser et à tester avec différentes combinaisons d'options en un seul passage de modélisation. Les algorithmes pris en charge comprennent les réseaux de neurones, l'algorithme d'arbre C&RT, CHAID, la régression linéaire, la régression linéaire généralisée et Support Vector Machines (SVM). Les modèles peuvent être comparés selon la corrélation, l'erreur relative ou le nombre de variables utilisées.

Le noeud Arbre Classification et Regression (C&RT) génère un arbre de décisions qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme "pur" si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud QUEST est une méthode de classification supervisée binaire permettant de créer des arbres de décisions, développée pour réduire le temps de traitement nécessaire aux analyses C&R Tree importantes, tout en limitant la tendance, observée parmi les méthodes d'arbre de classification, à favoriser les entrées autorisant un nombre supérieur de divisions. Les champs d'entrée peuvent être des intervalles numériques (continues) mais les champs cible doivent être catégoriels. Toutes les divisions sont binaires.

Le noeud CHAID génère des arbres de décisions à l'aide des statistiques du khi-deux pour identifier les séparations optimales. Contrairement aux noeuds Arbre C&RT et QUEST, CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

Le noeud C5.0 crée un arbre de décisions ou un ensemble de règles. Le fonctionnement de ce modèle repose sur un découpage de l'échantillon basé sur le champ qui fournit le gain d'informations le plus important à chaque niveau. Le champ cible doit être catégoriel. Les divisions multiples en plus de deux sous-groupes sont autorisées.

Le noeud Liste de décision identifie les sous-groupes, ou les segments, qui présentent une probabilité plus élevée ou plus faible d'un résultat binaire donné par rapport à la population globale. Vous pouvez, par exemple, rechercher les clients qui ont une faible probabilité d'attrition ou ceux qui ont une plus forte probabilité de répondre favorablement à une campagne. Vous pouvez incorporer vos connaissances métier dans le modèle en ajoutant vos propres segments personnalisés et en prévisualisant des modèles alternatifs côte à côte de façon à comparer les résultats. Les modèles Liste de décision se composent d'une liste de règles dans laquelle chaque règle présente une condition et un résultat. Les règles sont appliquées dans l'ordre et la première règle correspondante détermine le résultat.

Les modèles de régression linéaire prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

Le noeud ACP/Analyse factorielle propose des techniques de factorisation puissantes qui vous permettent de réduire la complexité de vos données. L'analyse en composantes principales (ACP) recherche les combinaisons linéaires des champs d'entrée qui permettent de capturer au mieux la variance dans l'ensemble de champs, où les composantes sont orthogonales (perpendiculaires) les unes par rapport aux autres. L'analyse factorielle a pour but d'identifier les facteurs sous-jacents qui expliquent la tendance des corrélations dans un ensemble de champs observés. Quelle que soit l'approche choisie, le but consiste à trouver un nombre limité de champs dérivés récapitulant les informations contenues dans l'ensemble de champs d'origine.

Le noeud Sélection de fonction filtre les champs d'entrée en vue de leur suppression, en fonction d'un ensemble de critères donné (tel que le pourcentage de valeurs manquantes) ; il classe ensuite les entrées restantes selon leur importance par rapport à la cible indiquée. Si l'on prend, par exemple, un de l'ensemble de données comportant des centaines d'entrées potentielles, quelles sont celles susceptibles d'être les plus utiles dans la modélisation des résultats de patients ?

L'analyse discriminante crée des hypothèses plus strictes que la régression logistique mais peut constituer une alternative ou un complément précieux à une analyse de régression logistique lorsque ces hypothèses sont réunies.

La régression logistique est une technique statistique de classification des enregistrements sur la base des valeurs des champs d'entrée. Excepté le fait qu'elle utilise un champ cible catégoriel et non pas numérique, cette régression est similaire à la régression linéaire.

La procédure Modèles linéaires généralisés développe le modèle linéaire général de sorte que la variable dépendante soit linéairement reliée aux facteurs et covariables via une fonction de lien précise. En outre, le modèle permet à la variable dépendante de suivre une distribution non normale. Il couvre les fonctionnalités d'un grand nombre de modèles statistiques, notamment le modèle de régression linéaire, le modèle de régression logistique, le modèle log-linéaire pour les données d'effectif et le modèle de survie avec censure par intervalle.

Un modèle mixte linéaire généralisé (MMLG) élargit le modèle linéaire de sorte que la cible puisse avoir une distribution non normale, qu'elle soit liée linéairement aux facteurs et covariables via une fonction de lien spécifiée, et que les observations puissent être corrélées. Les modèles mixtes linéaires généralisés couvrent une large variété de modèles, depuis les modèles de régression linéaire simple aux modèles multi-niveaux complexes destinés aux données longitudinales non normales.

Le noeud de régression de Cox vous permet de créer un modèle de survie pour les données de durée jusqu'à l'événement en présence d'enregistrements censurés. Ce modèle produit une fonction de survie qui prédit la probabilité que l'événement en question se soit produit à un moment (*t*) pour des valeurs données des variables d'entrée.

Le noeud Support Vector Machine (SVM) vous permet de classer les données dans l'un de deux groupes sans surajustement. SVM fonctionne bien avec les grands jeux de données, comme ceux qui disposent d'un très grand nombre de champs d'entrée.

Le noeud Réseau Bayésien permet de créer un modèle de probabilité en combinant les preuves observées et enregistrées avec les connaissances réelles pour établir la probabilité des occurrences. Le noeud est axé sur le Tree Augmented Naïve Bayes (TAN) et sur les réseaux Couverture de Markov qui servent principalement à la classification.

Le noeud Modèle de réponse en auto-apprentissage (SLRM) vous permet de créer un modèle dans lequel une nouvelle observation unique, ou un petit nombre de nouvelles observations, peuvent être utilisés pour réestimer un modèle sans qu'un recyclage de toutes les données soit nécessaire.

Le noeud Séries temporelles estime les modèles de lissage exponentiel, d'ARIMA (Autoregressive Integrated Moving Average) univariable et d'ARIMA multivariable (ou fonction de transfert) pour les données de séries temporelles et génère des prévisions d`une performance future. Ce noeud Séries temporelles est similaire au noeud Séries temporelles précédent rendu obsolète dans SPSS Modeler version 18. Toutefois, ce noeud Séries temporelles plus récent est conçu pour exploiter la puissance d'IBM SPSS Analytic Server afin de traiter les données volumineuses et d'afficher le modèle résultant dans l'afficheur de résultat ajouté dans SPSS Modeler version 17.

Le noeud *k*-Voisin le plus proche (KNN) associe une nouvelle observation à la catégorie ou à la valeur des objets *k* les plus proches dans l'espace du prédicteur, où *k* est un entier. Les observations semblables sont proches l'une de l'autre et les observations dissemblables sont éloignées l'une de l'autre.

Le noeud de prévisions spatio-temporelles (STP) utilise des données contenant des informations d'emplacement, des champs d'entrée pour la prévision (prédicteurs), une zone temporelle et une zone cible. Chaque emplacement correspond à plusieurs lignes dans les données correspondant aux valeurs de chaque prédicteur à chaque mesure. Une fois les données analysées, elles peuvent être utilisées pour anticiper des valeurs cibles à n'importe quel emplacement dans les données de forme utilisées dans l'analyse.

Modèles d'association

Les *modèles d'association* recherchent des modèles dans vos données où une ou plusieurs entités (telles que des événements, des achats ou des attributs) sont associées à une ou plusieurs autres entités. Les modèles établissent des ensembles de règles qui définissent ces relations. Ici, les champs au sein des données peuvent se comporter à la fois comme des entrées et comme des cibles. Vous ne pouvez pas découvrir ces associations manuellement, mais des algorithmes de règles font bien plus et plus rapidement, de sorte que vous êtes en mesure d'explorer des modèles plus complexes. Les modèles Apriori et Carma sont des exemples de l'utilisation de tels algorithmes. Un autre type de modèle d'association est un modèle de détection de séquences qui recherche des motifs séquentiels dans des données à structure temporelle.

Les modèles d'association sont particulièrement utiles pour prévoir des résultats multiples, par exemple, les clients qui ont acheté le produit X ont également acheté les produits Y et Z. Les modèles d'association associent une conclusion particulière (telle que la décision d'acheter un produit) à un ensemble de conditions. L'avantage des algorithmes de règles d'association par rapport aux algorithmes d'arbre décision standard (C5.0 et Arbre C&RT) est le fait qu'il puisse exister des associations entre tous les attributs. Un algorithme d'arbre décision peut construire une règle uniquement avec une seule conclusion. En revanche, les algorithmes d'association tentent d'en trouver plusieurs, chaque règle pouvant avoir une conclusion différente.

Noeuds Association

Le noeud Apriori extrait des données un ensemble de règles et retient les règles contenant la plus grande quantité d'informations. Le noeud Apriori fournit cinq méthodes de sélection de règles et utilise un modèle d'indexation sophistiqué pour traiter efficacement les volumes de données importants. Pour les problèmes importants, l'apprentissage du noeud Apriori est généralement plus rapide ; il n'existe aucune limite quant au nombre de règles pouvant être conservées et il peut prendre en charge des règles faisant l'objet de 32 pré-conditions. Le noeud Apriori exige que les champs d'entrée et de sortie soient tous catégoriels, mais fournit de meilleures performances car il est optimisé de ce type de données.

Le modèle CARMA extrait un ensemble de règles des données sans que vous ayez à définir les champs d'entrée ou les champs cible. Contrairement aux noeuds Apriori, le noeud CARMA offre des paramètres de création pour la prise en charge de la règle (à la fois pour les antécédents et les conséquences), et non une simple prise en charge d'antécédents. Cela signifie que les règles générées peuvent être utilisées dans un grand nombre d'applications, par exemple, pour rechercher une liste des produits ou des services (antécédents) dont la conséquence correspond à l'élément que vous souhaitez promouvoir à l'occasion de cette période de congés.

Le noeud Séquence recherche des règles d'association dans des données dotées d'une dimension temporelle. Une séquence est une liste de jeux d'éléments ayant tendance à survenir dans un ordre prévisible. Par exemple, un client qui achète un rasoir et une lotion après-rasage achètera vraisemblablement de la crème à raser. Le noeud Séquence est basé sur l'algorithme de règles d'association CARMA, qui utilise une méthode efficace de double lecture pour rechercher des séquences.

Le noeud Règles d'association est similaire au noeud Apriori ; toutefois, à la différence de celui-ci, il peut traiter les données de liste. Par ailleurs, le noeud Règles d'association peut être utilisé avec IBM SPSS Analytic Server pour traiter des données volumineuses et exploiter un traitement parallèle, lequel est plus rapide.

Modèles de segmentation

Les *modèles de segmentation* divisent les données en segments, ou clusters, d'enregistrement ayant des profils similaires de champs d'entrée. Comme ils ne s'occupent que des champs d'entrée, les modèles de segmentation n'ont aucun concept de champs de sortie ou cible. Parmi les exemples de modèles de segmentation, on trouve les réseaux Kohonen, la classification k moyennes, la classification en deux étapes et la détection d'anomalies.

Les modèles de Segmentation (appelés aussi « modèles de classification ») sont utiles dans les cas où le résultat précis est inconnu (par exemple, lorsque vous identifiez de nouveaux types de fraude ou lorsque vous identifiez des groupes d'intérêt dans votre clientèle). Les modèles de classification se chargent essentiellement d'identifier des groupes d'enregistrements similaires et de répertorier les enregistrements en fonction du groupe auquel ils appartiennent. Cette opération peut s'effectuer sans la connaissance préalable des groupes et de leurs caractéristiques, et distingue les modèles de classification non supervisée des autres techniques de modélisation par le fait qu'aucun champ de sortie ni champ cible n'est prédéfini pour le modèle à prévoir. Il n'y a pas de réponse vraie ou fausse pour ces modèles. Leur valeur est déterminée par leur capacité à capturer des groupements intéressants dans les données et ils fournissent des descriptions utiles de ces mêmes groupements. Les modèles de classification non supervisée sont souvent utilisés pour créer des clusters ou des segments qui sont ensuite utilisés en tant qu'entrées dans les analyses suivantes (par exemple, par la segmentation de clients potentiels dans des sous-groupes homogènes).

Noeuds Segmentation

Le noeud Cluster automatique évalue et compare les modèles de classification identifiant des groupes d'enregistrements ayant des caractéristiques similaires. Le noeud fonctionne de la même manière que les autres noeuds modélisation automatiques, vous permettant de tester plusieurs combinaisons d'options en une seule modélisation. Les modèles peuvent être comparés à l'aide de mesures de bases permettant d'essayer de filtrer et de classer l'utilité des modèles de classification et de fournir une mesure en fonction de l'importance de champs particuliers.

Le noeud k moyenne classe l'ensemble de données dans différents groupes (ou clusters). La méthode définit un nombre de clusters fixe, affecte à plusieurs reprises des enregistrements à des clusters et ajuste les centres de cluster, jusqu'à ce que le modèle ne puisse plus être amélioré. Au lieu de tenter de prédire un résultat, le modèle *k*-means utilise un processus connu sous le nom d'apprentissage non supervisé pour découvrir des tendances dans l'ensemble de champs d'entrée.

Le noeud Kohonen génère un type de réseau de neurones qui peut être utilisé pour classer les données en groupes distincts. Lorsque l'apprentissage du réseau est terminé, les enregistrements similaires doivent être regroupés dans la connexion de sortie, tandis que les enregistrements différents sont à l'opposé. Vous pouvez étudier le nombre d'observations capturées par chaque unité du nugget de modèle afin d'identifier les unités fortes. Vous pouvez ainsi vous faire une idée du nombre de clusters approprié.

Le noeud TwoStep utilise une méthode de classification non supervisée en deux étapes. La première étape consiste en une exploration des données visant à compresser les données d'entrée brutes en sous-clusters plus faciles à manipuler. Au cours de la seconde étape, l'utilisation d'une méthode de classification hiérarchique permet de fusionner progressivement les sous-clusters en clusters de plus en plus importants. La technique TwoStep a l'avantage d'évaluer automatiquement le nombre de clusters optimal pour les données d'apprentissage. Il peut prendre en charge de manière efficace des types de champ mixtes et des jeux de données volumineux.

Le noeud Détection des anomalies identifie les observations inhabituelles, ou valeurs extrêmes, qui ne se conforment pas aux motifs de données "normales". Il vous permet d'identifier les valeurs extrêmes même si celles-ci ne correspondent pas aux motifs connus précédemment et même si vous ne savez pas exactement ce que vous recherchez.

Exploration des bases de données des modèles

IBM SPSS Modeler prend en charge l'intégration des outils d'exploration de données et de modélisation disponibles auprès des fournisseurs de base de données, notamment Oracle Data Miner et Microsoft Analysis Services. Dans la base de données, vous pouvez créer, stocker et évaluer les modèles qui proviennent tous de l'application IBM SPSS Modeler. Pour plus d'informations, voir *IBM SPSS Modeler - Guide d'exploration de base de données*.

Modèles IBM SPSS Statistics

Si vous avez installé une copie sous licence de IBM SPSS Statistics sur votre ordinateur, vous pouvez accéder et exécuter certains programmes IBM SPSS Statistics depuis IBM SPSS Modeler pour créer et évaluer des modèles.

Création de modèles de scission

La modélisation de scission vous permet d'utiliser un flux unique pour créer des modèles séparés pour chaque valeur possible d'un champ d'entrée nominal, continu ou indicateur, les modèles obtenus étant tous accessibles à partir d'un nugget de modèle unique. Les valeurs possibles de ces champs d'entrée peuvent avoir des effets très différents sur le modèle. Avec la modélisation de scission, vous pouvez créer facilement le modèle le mieux adapté pour chaque valeur de champ possible dans une seule exécution du flux.

Notez que les sessions de modélisation interactives ne peuvent pas utiliser la scission. Avec la modélisation interactive, vous spécifiez chaque modèle individuellement. Par conséquent le scission, qui consiste à créer plusieurs modèles automatiquement, ne présente pas d'intérêt.

La modélisation de scission repose sur la désignation d'un champ d'entrée particulier comme champ de découpage. Pour ce faire, vous pouvez définir le rôle du champ sur **Scission** dans la spécification du type.

Vous ne pouvez désigner que des champs ayant un niveau de mesure **Indicateur**, **Nominal**, **Ordinal** ou **Continu** comme champs de division.

Vous pouvez affecter plusieurs champs d'entrée comme champ de découpage. Dans ce cas, toutefois, le nombre de modèles créés peut être considérablement augmenté. Un modèle est créé pour chaque combinaison de valeurs possible pour le champ de découpage sélectionné. Par exemple, si trois champs d'entrée, comportant chacun trois valeurs possibles, sont désignés comme champs de découpage, cela entraînera la création de 27 modèles différents.

Même après avoir affecté un ou plusieurs champs comme champs de découpage, vous pouvez toujours choisir de créer des modèles découpés ou un modèle unique, en sélectionnant ou non la case de la boîte de dialogue du noeud de modélisation.

Si des champs de découpage sont définis mais que la case n'est pas cochée, seul un modèle unique est généré. De la même manière, si la case est cochée mais qu'aucun champ de découpage n'est défini, le découpage est ignoré et un modèle unique est généré.

Lorsque vous exécutez le flux, des modèles séparés sont créés en arrière-plan pour chaque valeur possible du ou des champs de découpage, mais seul un nugget de modèle unique est placé dans la palette de modèles et dans l'espace du flux de travail. Un nugget de modèle de scission est signalé par le symbole de découpage : deux rectangles gris recouvrant l'image de nugget.

Lorsque vous accédez au nugget de modèle de scission, une liste de tous les modèles séparés qui ont été créés s'affiche.

Vous pouvez examiner un modèle individuel d'une liste en double-cliquant sur l'icône de son nugget dans le Visualiseur. Ceci ouvre une fenêtre de navigateur standard pour le modèle individuel. Lorsque le nugget est sur l'espace de travail, double-cliquer sur un graphique en miniature ouvre le graphique grandeur nature. Pour plus d'informations, voir «Visualiseur de modèle de scission», à la page 45.

Une fois qu'un modèle a été créé en tant que modèle découpé, vous ne pouvez pas supprimer le processus de découpage inhérent à ce modèle, ni annuler le découpage en aval d'un noeud ou d'un nugget de modélisation découpé.

Exemple. Un détaillant national souhaite estimer ses ventes par catégorie de produit dans chacun de ses magasins à l'échelle du pays. Au moyen de la modélisation découpée, il désigne le champ Magasin de ses données d'entrée comme champ de découpage, ce qui lui permet de créer des modèles séparés pour chaque catégorie de chaque magasin dans une seule opération. Il peut ensuite utiliser les informations obtenues pour contrôler les niveaux de stock de manière beaucoup plus précise qu'il ne le pourrait avec un modèle unique.

Scission et partitionnement

La scission possède quelques fonctions en commun avec le partitionnement, mais les deux sont utilisés de manières très différentes.

Le **partitionnement** divise l'ensemble de données au hasard en deux ou trois parties : formation, test et (en option) validation, et il sert à tester la performance d'un modèle unique.

La **scission** divise l'ensemble de données en autant de parties qu'il existe de valeurs possibles pour un champ de découpage, et sert à créer des modèles multiples.

Le partitionnement et la scission fonctionnent de manière complètement indépendante l'un de l'autre. Dans un noeud de modélisation, vous pouvez choisir l'une ou l'autre, les deux, ou aucune des deux.

Modèles de scission prenant en charge des noeuds modélisation

Plusieurs noeuds modélisation peuvent créer des modèles de scission. Les exceptions sont les noeuds Cluster automatique, Analyse factorielle/ACP, Sélection de fonction, MRAA, Random Trees, Tree-AS, Linear-AS, LSVM, les modèles d'association (Apriori, Carma et Séquence), les modèles de clustering (k moyenne, Kohonen, Two Step et Anomaly), les modèles Statistiques et les noeuds utilisés pour la modélisation de base de données.

Les noeuds modélisation qui prennent en charge la modélisation de scission sont les suivants :

Arbre C&RT

Bayes Net

Linéaire

QUEST

Modèles linéaires généralisés

GLMM

CHAID

KNN

STP

C5.0

Cox

SVM à classe unique

Réseau de neurones

Discriminant automatique

XGBoost Tree

Liste de décision

Numérisation automatique

XGBoost Linear

Régression

Logistique

HDBSCAN

Analyse discriminante

SVM

Séries temporelles

Fonctions affectées par la scission

L'utilisation de modèles de scission affecte plusieurs fonctions de IBM SPSS Modeler de différentes manières. Cette section fournit des directives sur l'utilisation de modèles de scission en association avec d'autres noeuds dans un flux.

Noeuds Ops sur lignes

Lorsque vous utilisez des modèles de scission dans un flux contenant un noeud Echantillon, stratifiez les enregistrements par le champ de découpage pour obtenir un échantillonnage apparié d'enregistrements. Cette option est disponible lorsque vous choisissez la méthode d'échantillonnage *Complexe*.

Si le flux contient un noeud Equilibrer, l'équilibrage s'applique à l'ensemble global d'enregistrements d'entrée, et non au sous-ensemble d'enregistrements dans un découpage.

Lors de l'agrégation d'enregistrements au moyen du noeud Agréger, définissez les champs de découpage comme les champs clés si vous souhaitez calculer des agrégats pour chaque découpage.

Noeuds Ops sur champs

Le noeud Type vous permet de spécifier le ou les champs à utiliser comme champs de découpage.

Remarque : Si le noeud Ensemble est utilisé pour combiner deux nuggets de modèle ou plus, il ne peut pas être utilisé pour annuler l'action de découpage, car les modèles découpés sont contenus dans un nugget de modèle unique.

Noeuds modélisation

Les modèles de scission ne prennent pas en charge le calcul de l'importance du prédicteur (l'importance relative des champs d'entrées de la valeur indépendante dans l'estimation du modèle). Les paramètres de l'importance du prédicteur sont ignorés lors de la création de modèles de scission.

Remarque : Les paramètres des scores de propension ajustée sont ignorés lors de l'utilisation d'un modèle de scission.

Le noeud KNN (agrégation suivant le saut minimum) prend en charge les modèles de scission uniquement s'il est défini pour prédire un champ cible. L'autre paramètre (uniquement identifier les agrégations suivant le saut minimum) ne crée pas de modèle. Si l'option **Sélectionner k automatiquement** est choisie, chacun des modèles de scission peut avoir un nombre différent d'agrégations suivant le saut minimum. Le modèle global a ainsi un nombre de colonnes générées égal au plus grand nombre d'agrégations suivant le saut minimum trouvées dans l'ensemble des modèles de scission. Pour les modèles de scission où le nombre d'agrégations suivant le saut minimum est inférieur à ce maximum, il existe un nombre correspondant de colonnes remplies avec les valeurs `$null`. Pour plus d'informations, voir «Noeud KNN», à la page 351.

Noeuds de modélisation de base de données

Les noeuds modélisation à l'intérieur des bases de données ne prennent pas en charge les modèles de scission.

Nuggets de modèle

L'**Exportation au format PMML** à partir d'un nugget de modèle de scission n'est pas possible, car le nugget contient plusieurs modèles et PMML ne prend pas en charge un tel regroupement. L'exportation au format texte ou HTML est possible.

Options de champs des noeuds modélisation

Tous les noeuds modélisation comportent un onglet Champs, vous permettant de spécifier les champs à utiliser lors de la construction du modèle.

Avant de construire un modèle, vous devez indiquer les champs à utiliser en tant que cibles et en tant qu'entrées. A quelques exceptions près, tous les noeuds modélisation utilisent les informations de champ d'un noeud type en amont. Si vous utilisez un noeud type pour sélectionner les champs d'entrée et les champs cible, vous n'avez aucune modification à apporter dans cet onglet. (Parmi ces exceptions figurent les noeuds Séquence et Extraction de texte, pour lesquels des paramètres de champ doivent être spécifiés dans le noeud de modélisation.)

Utiliser des paramètres de noeud type. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ à partir d'un noeud type en amont. Il s'agit de la valeur par défaut.

Utiliser des paramètres personnalisés. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ spécifiées ici, au lieu de celles fournies par un ou des noeuds Type en amont. Une fois cette option sélectionnée, renseignez les champs ci-dessous.

Remarque : Les champs ne sont pas tous affichés pour certains noeuds..

- **Utiliser le format transactionnel (noeuds Apriori, CARMA, Règles d'association MS, et Oracle Apriori uniquement).** Sélectionnez cette case si les données source sont au **format transactionnel**. Les enregistrements dans ce format ont deux champs, un pour l'ID et l'autre pour le contenu. Chaque enregistrement représente une transaction ou un élément unique, et les éléments associés sont liés par le biais du même ID. Décochez cette case si les données suivent un **format tabulaire**, sous lequel les éléments sont représentés par des indicateurs distincts, avec chaque zone d'indicateur dénotant la présence ou l'absence d'un élément spécifique et chaque enregistrement représentant un jeu complet d'éléments associés. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.
  - **ID.** Pour des données transactionnelles, sélectionnez un champ ID dans la liste. Vous pouvez utiliser un champ numérique ou symbolique en tant que champ ID. Chaque valeur unique de ce champ doit indiquer une unité d'analyse spécifique. Par exemple, dans une analyse de paniers du marché, chaque ID peut représenter un client. Dans une analyse de l'utilisation du Web, chaque ID peut représenter un ordinateur (adresse IP) ou un utilisateur (ID de connexion).
  - **Les ID sont contigus.** (Pour les noeuds Apriori et CARMA seulement) Si vos données sont prétriées de façon à ce que tous les enregistrements avec le même ID soient regroupés dans le flux de données, sélectionnez cette option pour accélérer le traitement. Si vos données ne sont pas pré-triées (ou si vous n'en êtes pas certain), ne sélectionnez pas cette option ; le noeud triera automatiquement les données.

    Remarque : Si vos données ne sont pas triées et que vous sélectionnez cette option, vous risquez d'obtenir des résultats incorrects dans votre modèle.
  - **Contenu.** Permet d'ajouter des informations aux champs d'analyse du modèle. Ces champs contiennent les éléments d'intérêt concernant la modélisation des associations. Vous pouvez définir plusieurs champs indicateurs (si les données sont au format tabulaire) ou un champ nominal unique (si les données sont au format transactionnel).
- **Cible.** Pour les modèles qui nécessitent un ou plusieurs champs cible, sélectionnez le ou les champs cible. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Cible* dans un noeud type
- **Evaluation.** (Uniquement pour des modèles de cluster automatique.) Aucune cible n'est spécifiée pour des modèles de cluster. Cependant, vous pouvez sélectionner un champ d'évaluation pour identifier son niveau d'importance. En outre, vous pouvez évaluer la façon dont les clusters différencient les valeurs de ce champ, ce qui à son tour indique si les clusters peuvent être utilisés pour prédire ce champ. *Remarque* Le champ d'évaluation doit être une chaîne contenant plus d'une valeur.
  - **Entrées**. Sélectionnez le ou les champs d'entrée. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Entrée* dans un noeud type
  - **Partition.** Ce champ permet d'indiquer un champ utilisé pour partitionner les données en échantillons distincts pour les étapes d'apprentissage, de test et de validation de la création d'un modèle. L'utilisation d'un échantillon pour la génération du modèle et d'un échantillon distinct pour le tester vous permet d'avoir une bonne indication de la manière dont le modèle peut se généraliser à des jeux de données plus importants, similaires aux données actuelles. Si plusieurs champs de partition sont définis via des noeuds types ou Partitionner, vous devez en sélectionner un seul dans l'onglet Champs de chaque noeud de modélisation ayant recours au partitionnement. (Dans le cas d'une seule partition, cette partition est automatiquement utilisée lorsque la fonction de partition est activée.) Notez également que, pour appliquer la partition sélectionnée à l'analyse, vous devez activer l'option de partitionnement dans l'onglet Options de modèle du noeud. (Désélectionnez cette option pour pouvoir désactiver la partition sans modifier les paramètres du champ.)

- **Scissions** Pour des modèles découpés, sélectionnez le ou les champs de division. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Division* dans un noeud type Vous ne pouvez désigner que des champs ayant un niveau de mesure **Indicateur**, **Nominal**, **Ordinal** ou **Continu** comme champs de division. Les champs sélectionnés comme champs de division ne peuvent pas être utilisés comme champs de cible, d'entrée, de partition, de fréquence ou de pondération. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.
- **Utiliser le champ de fréquence.** Cette option permet de sélectionner un champ en tant que pondération de fréquence. Utilisez cette option lorsque les enregistrements de vos données d'apprentissage représentent chacun plusieurs unités (c'est le cas si vos données sont agrégées). Les valeurs des champs doivent être égales au nombre d'unités représentées par chaque enregistrement. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Remarque : Si vous voyez le message d'erreur **Métadonnées non valides (dans les champs entrée/sortie)**, vérifiez que vous avez spécifié tous les champs requis, comme par exemple le champ de fréquence.

- **Utiliser le champ de pondération.** Cette option permet de sélectionner un champ en tant que pondération d'observation. Les pondérations d'observation sont utilisées pour représenter les différences de variance dans les niveaux du champ de résultat. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.
- **Conséquences.** Pour les noeuds d'induction de règles (Apriori), sélectionnez les champs à utiliser en tant que conséquences dans l'ensemble de règles généré. (il s'agit des champs dont le rôle est *Cible* ou *Les deux* dans un noeud type.
- **Antécédents.** Pour les noeuds d'induction de règles (Apriori), sélectionnez les champs à utiliser en tant qu'antécédents dans l'ensemble de règles généré. (il s'agit des champs dont le rôle est *Entrée* ou *Les deux* dans un noeud type.

Certains modèles disposent d'un onglet Champs différent de ceux décrits dans cette section.

- Pour plus d'informations, voir «Noeud Séquence - Options de champs», à la page 278.
- Pour plus d'informations, voir «Noeud CARMA - Options des champs», à la page 266.

Utilisation des champs de fréquence et de pondération

Les champs de fréquence et de pondération servent à donner une importance supplémentaire à certains enregistrements, par exemple, lorsque vous savez qu'une section de la population est sous représentée dans les données d'apprentissage (pondération) ou parce qu'un enregistrement représente plusieurs cas identiques (effectif).

- Les valeurs d'un champ de fréquence doivent être des entiers positifs. Les enregistrements dont la pondération de fréquence est nulle ou négative sont exclus du processus d'analyse. Si besoin est, les pondérations de fréquence sont arrondies de façon à atteindre des valeurs entières.
- Les pondérations d'observation doivent prendre des valeurs positives. Les enregistrements présentant une pondération d'observation nulle ou négative sont exclus du processus d'analyse.

Champs de fréquence et de pondération de scoring

Les champs de fréquence et de pondération sont utilisés dans les modèles d'apprentissage mais ne servent pas au scoring, car le score de chaque enregistrement est basé sur ses caractéristiques quel que soit le nombre de cas qu'il représente. Supposons, par exemple, que vous disposiez des données du tableau suivant :

Tableau 1. Exemple de données

Marié	**Réponse**
Oui	Oui
Oui	Oui
Oui	Oui

Tableau 1. Exemple de données (suite)	
Marié	**Réponse**
Oui	Non
Non	Oui
Non	Non
Non	Non

En fonction de cela, vous concluez que trois personnes mariées sur quatre répondent à la promotion, et que deux personnes non mariées sur trois n'ont pas répondu. Vous allez donc déterminer le score des nouveaux enregistrements en conséquence, comme indiqué dans le tableau suivant.

Tableau 2. Exemples d'enregistrements évalués		
Marié	**$-Réponse**	**$RP-Réponse**
Oui	Oui	0,75 (trois/quatre)
Non	Non	0,67 (deux/trois)

Vous pouvez également stocker vos données d'apprentissage de façon plus compacte en utilisant un champ de fréquence, comme illustré dans le tableau suivant.

Tableau 3. Exemples d'autres enregistrements évalués		
Marié	**Réponse**	**Effectif**
Oui	Oui	3
Oui	Non	1
Non	Oui	1
Non	Non	2

Comme cela représente exactement le même de l'ensemble de données, vous allez construire le même modèle et prédire des réponses uniquement en fonction du statut marital. Si vous avez dix personnes mariées dans vos données de scoring, vous prédirez *Oui* pour chacune, qu'elles soient présentées comme dix enregistrements séparés ou comme un enregistrement avec une valeur de fréquence de 10. La pondération, bien qu'elle ne soit généralement pas un entier, peut être considérée comme indiquant de manière similaire l'importance d'un enregistrement. C'est pourquoi les champs de fréquence et de pondération ne sont pas utilisés lors du scoring d'enregistrements.

Evaluation et comparaison de modèles

Certains types de modèles prennent en charge les champs de fréquence, certains prennent en charge des champs de pondération et certains les deux. Mais dans tous les cas où ils s'appliquent, ils servent uniquement à la construction de modèles et ne sont pas considérés comme des modèles d'évaluation utilisant un noeud Evaluation ou un noeud Analyse, ou lors du classement de modèles utilisant la plupart des méthodes prises en charge par les noeuds Classificateur automatique et Numérisation automatique.

- Lors de la comparaison de modèles (utilisant des graphiques Evaluation, par exemple) les valeurs de fréquence et de pondération sont ignorées. Cela permet une comparaison de niveau entre des modèles qui utilisent ces champs et des modèles qui ne les utilisent pas, mais cela signifie que pour une évaluation précise, un de l'ensemble de données qui représente précisément la population sans compter sur un champ de fréquence ou de pondération doit être utilisé. En termes pratiques, vous pouvez le faire en vous assurant que des modèles sont évalués en utilisant un échantillon de test dans lequel la valeur du champ de fréquence ou de pondération est toujours nulle ou vaut 1 (Cette restriction ne s'applique que lors de l'évaluation de modèles ; si les valeurs de fréquence ou de pondération valent

toujours 1 à la fois pour les échantillons d'apprentissage et de test, il n'y a aucune raison d'utiliser ces champs en premier lieu.)

- Si vous utilisez un Classificateur automatique, l'effectif peut être pris en compte si des modèles de classement sont basés sur le Profit, de sorte que cette méthode est recommandée dans ce cas.
- Si nécessaire, vous pouvez diviser les données en échantillons d'apprentissage et de test en utilisant un noeud Partitionner.

Options d'analyse des noeuds modélisation

De nombreux noeuds modélisation comprennent un onglet Analyser qui vous permet d'obtenir des informations concernant l'importance du prédicteur ainsi que des scores de propension brute et ajustée.

Evaluation de modèle

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance des prédicteurs peut prendre davantage de temps à être calculée pour certains modèles, en particulier si vous travaillez sur de plus grands jeux de données, et qu'elle est par conséquent désactivée par défaut pour certains modèles. L'importance des prédicteurs n'est pas disponible pour des modèles de liste de décision. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Scores de propension

Des scores de propension peuvent être établis dans le noeud de modélisation et dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle. Cette fonctionnalité n'est disponible que lorsque la cible sélectionnée est un champ indicateur. Pour plus d'informations, voir «Scores de propension», à la page 34.

Calculer les scores de propension brute. Les scores de propension brute sont calculés à partir du modèle uniquement en fonction des données d'apprentissage. Si le modèle prédit la valeur *true (vrai)* (que cette valeur va être la réponse), alors la propension est identique à P, où P est la probabilité de la prédiction. Si le modèle prédit la valeur false (faux), alors la propension est calculée sous la forme (1 - P).

- Si vous choisissez cette option lors de la construction du modèle, des scores de propension sont activés par défaut dans le nugget du modèle. Cependant, vous pouvez toujours choisir d'activer des scores de propension brute dans le nugget du modèle que vous les sélectionniez ou non dans le noeud de modélisation.
- Lors du scoring du modèle, des scores de propension brute seront ajoutés dans un champ avec les lettres *RP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RRP-churn*.

Calculer les scores de propension ajustée. Les propensions brutes sont uniquement basées sur des estimations données par le modèle, qui peut être surajusté, ce qui entraîne des estimations trop optimistes de la propension. Les propensions ajustées tentent de compenser en vérifiant comment le modèle se comporte sur des partitions de test ou de validation et en ajustant les propensions pour donner une meilleure estimation en conséquence.

- Ce paramètre nécessite qu'un champ de partition valide soit présent dans le flux.
- A la différence des scores de confiance brute, les scores de propension ajustée doivent être calculés lors de la construction du modèle ; sinon, ils ne seront pas disponibles lors du scoring du nugget du modèle.
- Lors du scoring du modèle, des scores de propension ajustée seront ajoutés dans un champ avec les lettres *AP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RAP-churn*. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles de régression logistique.
- Lors du calcul des scores de propension ajustée, la partition de test ou de validation utilisée pour le calcul ne doit pas avoir été équilibrée. Pour éviter cela, assurez-vous que l'option **Equilibrer**

uniquement les données d'apprentissage est sélectionnée dans tous les noeuds Equilibrer en amont. De plus, si un échantillon complexe a été pris en amont, cela invalide les scores de propension ajustée.

- Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles d'arbres "améliorés" et d'ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.

Basé sur. Pour que les scores de propension ajustée soient calculés, un champ de partition doit être présent dans le flux. Vous pouvez spécifier s'il faut utiliser la partition de test ou de validation pour ce calcul. Pour de meilleurs résultats, la partition de test ou de validation doit comprendre au moins autant d'enregistrements que la partition utilisée pour l'apprentissage du modèle original.

Scores de propension

Pour des modèles renvoyant une prédiction *oui* ou *non*, vous pouvez demander des scores de propension en plus des valeurs de prédiction et de confiance standard. Les scores de propension indiquent la probabilité d'une prévision ou d'une réponse particulière. Le tableau suivant contient un exemple.

Tableau 4. Scores de propension

Client	**Propension de réponse**
Joe Smith	35 %
Jane Smith	15 %

Les scores de propension sont disponibles uniquement pour des modèles avec des cibles de type indicateur, et indiquent la vraisemblance de la valeur *true (vraie)* définie pour le champ, comme spécifié dans un noeud source ou type.

Scores de propension / scores de confiance

Les scores de propension diffèrent des scores de confiance, qui s'appliquent à la prédiction actuelle, qu'elle soit *oui* ou *non*. Dans les cas où la prédiction est *non*, par exemple, une confiance élevée signifie en réalité une forte vraisemblance *de non* réponse. Les scores de propension contournent cette limite en autorisant une comparaison plus facile avec tous les enregistrements. Par exemple, une prédiction *non* avec une confiance de *0,85* se traduit par une propension brute de *0,15* (soit *1 moins 0,85*).

Tableau 5. Scores de confiance

Client	**Prévision**	**Confiance**
Joe Smith	Va répondre	0,35
Jane Smith	Ne va pas répondre	0,85

Obtention de score de propension

- Des scores de propension peuvent être établis dans l'onglet Analyser du noeud de modélisation ou dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle. Cette fonctionnalité n'est disponible que lorsque la cible sélectionnée est un champ indicateur. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options d'analyse des noeuds modélisation», à la page 33.
- Des scores de propension peuvent aussi être calculés par le noeud Ensemble, en fonction de la méthode d'ensemble utilisée.

Calcul de scores de propension ajustée

Les scores de propension ajustée sont calculés en tant que partie du processus de construction du modèle, et ne sont pas disponibles autrement. Une fois le modèle construit, son score est ensuite établi grâce à des données de la partition de test ou de validation, et un nouveau modèle est construit pour livrer des scores de propension ajustée en analysant les performances du modèle original sur cette partition. En fonction du type de modèle, une des deux méthodes peut être utilisée pour calculer les scores de propension ajustée.

- Pour les modèles de règles et d'arbres, les scores de propension ajustée sont générés en recalculant l'effectif de chaque catégorie à chaque noeud arbre (pour les modèles d'arbres) ou la prise en charge et la confiance de chaque règle (pour les modèles à règles). Cela entraîne un nouvel ensemble de règles ou modèle d'arbre qui est stocké dans le modèle original, pour être utilisé à chaque fois que des scores de propension ajustée sont nécessaires. A chaque fois que le modèle original est appliqué aux nouvelles données, le nouveau modèle peut être appliqué ultérieurement aux scores de propension brute pour générer les scores ajustés.
- Pour d'autres modèles, des enregistrements produits par le scoring du modèle original sur la partition de test ou de validation sont alors discrétisés par leur score de propension brute. Ensuite, un modèle de réseau de neurones est formé et définit une fonction non linéaire qui effectue un mappage de la propension brute moyenne dans chaque intervalle à la propension moyenne observée dans le même intervalle. Comme indiqué précédemment pour les modèles d'arbres, le modèle de réseau de neurones résultant est stocké avec le modèle original et peut être appliqué aux scores de propension brute à chaque fois que des scores de propension ajustée sont nécessaires.

Précautions concernant les valeurs manquantes dans la partition de test. Le traitement des valeurs manquantes dans la partition de test/de validation varie selon le modèle (reportez-vous aux algorithmes d'évaluation de modèles individuels pour plus de détails). Le modèle C5 ne peut pas calculer la propension ajustée lorsqu'il existe des valeurs manquantes.

Coûts de classification erronée

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

A l'exception des modèles C5.0, les coûts d'une classification erronée ne s'appliquent lorsque vous évaluez un modèle et ne sont pas pris en compte lors du classement ou de la comparaison de modèles par le biais d'un noeud Classificateur automatique, d'un graphique Evaluation ou d'un noeud Analyse. Il se peut qu'un modèle comprenant des coûts ne produise pas moins d'erreurs qu'un modèle n'en comprenant pas et ne classe pas de façon maximale en termes d'exactitude générale. En revanche, il est probable, qu'en pratique, ses performances soient meilleures du fait qu'il dispose de biais intégrés rendant les erreurs *moins coûteuses*.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Remarque : Seul le modèle d'arbre de décisions permet d'indiquer les coûts au moment de la création.

Nuggets de modèle

Figure 19. Nugget de modèle

Un nugget de modèle est un conteneur destiné à un modèle, c'est-à-dire l'ensemble des règles, des formules et des équations qui représentent les résultats des opérations de construction de votre modèle dans SPSS Modeler. L'objectif principal d'un nugget est le scoring de données afin de générer des prédictions ou de permettre une analyse ultérieure des propriétés du modèle. L'ouverture d'un nugget de modèle sur l'écran vous permet de consulter plusieurs détails concernant le modèle, tels que l'importance relative dans le champ d'entrée de la création du modèle. Pour afficher les prévisions, vous devez attacher et exécuter un noeud d'exécution ou de sortie. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Utilisation de nuggets de modèle dans les flux», à la page 46.

Figure 20. Lien de modèle entre un noeud de modélisation et un nugget de modèle

Lorsque vous êtes parvenu à exécuter un noeud de modélisation, un nugget de modèle correspondant est placé dans l'espace de travail du flux, où il est représenté par une icône en forme de diamant doré (d'où le nom « nugget » (pépite en français)). Dans l'espace de travail du flux, le nugget est affiché avec une connexion (ligne pleine) au noeud approprié le plus proche précédant le noeud de modélisation et un lien (ligne en pointillé) au noeud de modélisation même.

Le nugget est aussi placé dans la palette Modèles dans le coin supérieur droit de la fenêtre de IBM SPSS Modeler. Il est possible de sélectionner et de parcourir les nuggets à partir de ces emplacements afin d'afficher les détails du modèle.

Les nuggets sont toujours placés dans la palette Modèles lorsqu'un de modélisation est exécuté avec succès. Vous pouvez définir une option utilisateur afin de vérifier si le nugget est en outre placé dans l'espace du travail du flux.

Les rubriques suivantes fournissent des informations sur l'utilisation des nuggets de modèle dans IBM SPSS Modeler. Pour mieux comprendre les algorithmes utilisés, consultez le *guide des algorithmes IBM SPSS Modeler*, disponible sous forme de fichier PDF avec le téléchargement de votre produit.

Liens de modèle

Par défaut, un nugget est affiché dans l'espace de travail avec un lien pointant vers le noeud de modélisation qui l'a créé. Ceci est particulièrement utile avec des flux complexes comportant plusieurs nuggets, et vous permet d'identifier le nugget qui sera mis à jour par chaque noeud de modélisation. Chaque lien contient un symbole qui indique si le modèle est remplacé lorsque le noeud de modélisation est exécuté. Pour plus d'informations, voir «Remplacement d'un modèle», à la page 38.

Définition et suppression de liens de modèle

Vous pouvez définir et supprimer manuellement des liens dans l'espace de travail Lorsque vous définissez un nouveau lien, le curseur change et devient un curseur de lien.

Figure 21. Curseur de lien

Définition d'un nouveau lien (menu contextuel)

1. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur le noeud de modélisation à partir duquel vous souhaitez que le lien commence.
2. Sélectionnez **Définir un lien de modèle** dans le menu contextuel.
3. Cliquez sur le nugget où vous souhaitez que le lien se termine.

Définition d'un nouveau lien (menu principal)

1. Cliquez sur le noeud de modélisation à partir duquel vous souhaitez que le lien commence.

2. Dans le menu principal, sélectionnez :

   Editer > **Noeud** > **Définir un lien de modèle**

3. Cliquez sur le nugget où vous souhaitez que le lien se termine.

Suppression d'un lien existant (menu contextuel)

1. Cliquez avec le bouton droit sur le nugget à l'extrémité du lien.
2. Sélectionnez **Supprimer un lien de modèle** dans le menu contextuel.

Sinon :

1. Cliquez avec le bouton droit sur le symbole situé au milieu du lien.
2. Sélectionnez **Supprimer un lien** dans le menu contextuel.

Suppression d'un lien existant (menu principal)

1. Cliquez sur le noeud ou sur le nugget de modélisation à partir duquel vous souhaitez supprimer le lien.
2. Dans le menu principal, sélectionnez :

   Editer > **Noeud** > **Supprimer le lien de modèle**

Copier et coller des liens de modèle

Si vous copiez un nugget qui possède des liens sans son noeud de modélisation, et que vous le collez dans le même flux, le nugget est collé avec un lien pointant sur le noeud de modélisation. Le nouveau lien possède le même statut de remplacement de modèle (reportez-vous à «Remplacement d'un modèle», à la page 38) que son lien d'origine.

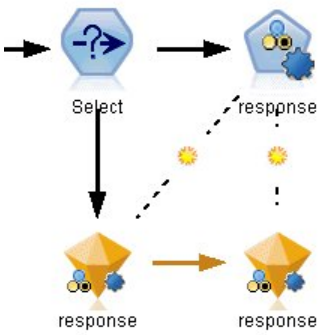


Figure 22. Copier et coller un nugget qui possède un lien

Si vous copiez et collez un nugget avec son noeud de modélisation qui possède un lien, le lien est conservé, que les objets soient collés dans le même flux ou dans un nouveau flux.

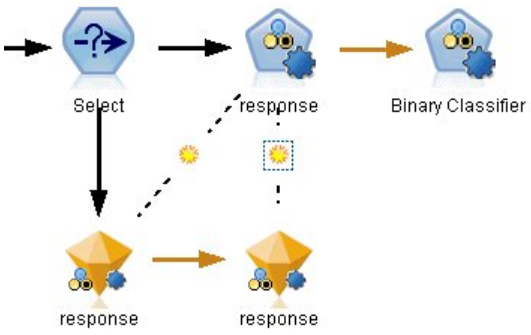


Figure 23. Copier et coller un nugget qui possède un lien

Remarque : Si vous copiez un nugget qui possède un lien sans son noeud de modélisation, et que vous collez le nugget dans un nouveau flux (ou dans un super noeud qui ne contient pas le noeud de modélisation), le lien est brisé et seul le nugget est collé.

Liens de modèle et super noeuds

Si vous définissez un super noeud pour inclure soit le noeud de modélisation soit le nugget de modèle d'un modèle qui possède un lien (mais pas les deux), le lien est brisé. Le développement du super noeud ne restaure pas le lien ; vous ne pouvez réaliser ceci qu'en annulant la création du super noeud.

Remplacement d'un modèle

Vous pouvez choisir de remplacer (c'est-à-dire de mettre à jour) un nugget existant lors de la réexécution du noeud de modélisation qui a créé le nugget. Si vous désactivez l'option de remplacement, un nouveau nugget est créé lorsque vous réexécutez le noeud de modélisation.

Chaque lien à partir d'un noeud de modélisation vers un nugget contient un symbole qui indique si le modèle est remplacé lorsque le noeud de modélisation est réexécuté.

Figure 24. Lien de modèle lorsque le remplacement de modèle est activé

A l'origine, le lien est affiché avec le remplacement de modèle activé, indiqué par le petit symbole de soleil levant dans le lien. Dans cet état, la réexécution du noeud de modélisation à une extrémité du lien met simplement à jour le nugget à l'autre extrémité.

Figure 25. Lien de modèle lorsque le remplacement de modèle est désactivé

Si le remplacement de modèle est désactivé, le symbole du lien est remplacé par un point gris. Dans cet état, la réexécution du noeud de modélisation à une extrémité du lien ajoute une nouvelle version mise à jour du nugget dans l'espace de travail.

Dans les deux cas, dans la palette Modèles, le nugget existant est mis à jour ou un nouveau nugget est ajouté, selon la configuration de l'option du système **Remplacer le modèle précédent**.

Ordre d'exécution

Lorsque vous exécutez un flux ayant plusieurs branches contenant des nuggets de modèle, le flux est d'abord évalué afin de vérifier qu'une branche dont le remplacement de modèle est activé est exécutée avant tout autre branche qui utilise le nugget de modèle résultant.

Si vos exigences sont plus complexes, vous pouvez définir l'ordre d'exécution manuellement via la fonction de création de script.

Modification des paramètres de remplacement de modèle

1. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur le symbole du lien.
2. Sélectionnez **(Dés)activer le remplacement de modèle** selon votre choix.

Remarque : Le paramètre de remplacement de modèle sur un lien de modèle remplace le paramètre de l'onglet Notifications de la boîte de dialogue Options utilisateur (Outils > Options > Options utilisateur).

Palette Modèles

La palette de modèles (dans l'onglet Modèles de la fenêtre des gestionnaires) met à votre disposition différents moyens pour utiliser, examiner et modifier des nuggets de modèle.

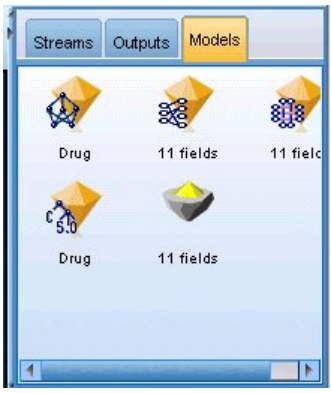


Figure 26. Palette Modèles

Cliquer avec le bouton droit de la souris sur un nugget de modèle dans la palette de modèles permet d'ouvrir un menu contextuel avec les options suivantes :

- **Ajouter au flux.** Ajoute le nugget de modèle généré au flux actif. Si un noeud est sélectionné dans le flux, le nugget de modèle est relié au noeud sélectionné si une connexion est possible, sinon au noeud possible le plus proche. Le nugget est affiché avec un lien au noeud de modélisation qui a créé le modèle, si ce noeud se trouve encore dans le flux.
- **Parcourir :** Ouvre le navigateur de modèle du nugget.
- **Renommer et annoter.** Permet de renommer le nugget de modèle et/ou de modifier l'annotation du nugget.
- **Générer le noeud de modélisation.** Si vous souhaitez modifier ou mettre à jour l'un de vos nuggets de modèle et que le flux utilisé pour créer le modèle n'est pas disponible, vous pouvez utiliser cette option pour recréer un noeud de modélisation avec les options qui avaient servi à créer le modèle d'origine.
- **Enregistrer le modèle, Enregistrer le modèle sous.** Enregistre le nugget de modèle dans un fichier binaire de modèle généré (.gm) externe.
- **Stocker le modèle.** Stocke le nugget de modèle dans le IBM SPSS Collaboration and Deployment Services Repository.
- **Exporter PMML.** Permet d'exporter le nugget de modèle sous la forme d'un fichier en langage de balisage de modèle de prévision (PMML), qui peut ensuite être utilisé pour évaluer de nouvelles données en dehors de IBM SPSS Modeler. **Exporter PMML** est disponible pour tous les noeuds de modèle générés.
- **Ajouter au projet.** Enregistre le nugget de modèle et l'ajoute au projet en cours. Dans l'onglet Classes, le nugget est ajouté au dossier Modèles générés. Dans l'onglet CRISP-DM, il est ajouté à la phase du projet par défaut.
- **Supprimer.** Supprime le nugget de modèle de la palette.

Cliquer avec le bouton droit de la souris sur une zone libre de la palette de modèles permet d'ouvrir un menu contextuel contenant les options suivantes :

- **Ouvrir un modèle.** Charge un nugget de modèle créé dans IBM SPSS Modeler.
- **Extraire le modèle.** Extrait un modèle stocké d'un référentiel IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.
- **Charger la palette.** Charge une palette de modèles enregistrée depuis un fichier externe.
- **Extraire la palette.** Extrait une palette de modèles stockée d'un référentiel IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.

- **Enregistrer la palette.** Enregistre le contenu complet de la palette de modèles dans un fichier de palette de modèles générée (.gen) externe.
- **Stocker la palette.** Stocke l'intégralité du contenu de la palette de modèles dans un référentiel IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.
- **Effacer la palette.** Supprime tous les nuggets de la palette.
- **Ajouter une palette au projet.** Enregistre la palette de modèles et l'ajoute au projet en cours. Dans l'onglet Classes, le nugget est ajouté au dossier Modèles générés. Dans l'onglet CRISP-DM, il est ajouté à la phase du projet par défaut.
- **Importer PMML.** Charge un modèle depuis un fichier externe. Vous pouvez ouvrir, parcourir et déterminer le score de modèles PMML créés par IBM SPSS Statistics ou d'autres applications qui prennent en charge ce format. Pour plus d'informations, voir «Importation et exportation de modèles au format PMML», à la page 47.

Exploration des nuggets de modèle

Les navigateurs de nuggets de modèle vous permettent d'examiner et d'utiliser les résultats de vos modèles. Depuis le navigateur, vous pouvez enregistrer, imprimer ou exporter le modèle généré, examiner le récapitulatif du modèle, et afficher ou modifier les annotations du modèle. Pour certains types de nuggets de modèle, vous pouvez également générer de nouveaux noeuds, comme les noeuds Filtrer ou Jeu de règles. Pour certains modèles, vous pouvez également afficher les paramètres du modèle, comme les règles ou les centres de clusters. Pour certains types de modèle (modèles en arborescence et modèles de cluster), il est possible d'afficher une représentation graphique de la structure du modèle. Les commandes permettant d'utiliser les navigateurs de nugget de modèle sont décrites ci-dessous.

Menus

Menu Fichier. Tous les nuggets de modèle disposent d'un menu Fichier contenant un sous-ensemble des options suivantes :

- **Enregistrer le noeud.** Enregistre le nugget de modèle dans un fichier de noeud (.nod).
- **Stocker le noeud.** Stocke le nugget de modèle dans un référentiel IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.
- **En-tête et pied de page.** Permet d'éditer l'en-tête et le pied de page d'impression à partir du nugget.
- **Mise en page.** Permet de changer la mise en page pour l'impression à partir du nugget.
- **Aperçu avant impression.** Affiche un aperçu de l'aspect du nugget une fois imprimé. Sélectionnez les informations à afficher à partir du sous-menu.
- **Imprimer.** Imprime le contenu du nugget. Sélectionnez les informations à imprimer à partir du sous-menu.
- **Imprimer la vue** Imprime la vue actuelle ou toutes les vues.
- **Exporter texte.** Exporte le contenu du nugget dans un fichier texte. Sélectionnez les informations à exporter à partir du sous-menu.
- **Exporter HTML.** Exporte le contenu du nugget dans un fichier HTML. Sélectionnez les informations à exporter à partir du sous-menu.
- **Exporter PMML.** Exporte le modèle au format PMML (langage de balisage de modèle de prévision) qui peut être utilisé avec d'autres logiciels compatibles PMML. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Importation et exportation de modèles au format PMML», à la page 47.
- **Exporter SQL.** Exporte le modèle au format SQL (Structured Query Language), que vous pouvez éditer et utiliser dans d'autres bases de données.

  Remarque : La fonctionnalité d'exportation SQL n'est disponible qu'avec les modèles suivants : C5, C&RT, CHAID, QUEST, Régression linéaire, Régression logistique, Réseau de neurones, ACP/Facteur et Liste de décision. .
- **Publier pour l'adaptateur de scoring de serveur.** Publie le modèle dans une base de données qui contient un adaptateur de scoring ce qui permet d'exécuter le scoring du modèle dans la base de

données. Pour plus d'informations, voir «Publication des modèles pour un adaptateur de scoring», à la page 49.

Menu Générer. La plupart des nuggets de modèle disposent également d'un menu Générer. Il vous permet de générer de nouveaux noeuds sur la base du nugget de modèle. Les options disponibles dans ce menu dépendent du type de modèle que vous explorez. Reportez-vous à la section consacrée au type de nugget de modèle qui vous intéresse pour savoir ce que ce modèle vous permet de générer.

Menu Vue. Dans l'onglet Modèle d'un nugget, ce menu vous permet d'afficher ou de masquer les diverses barres d'outils de visualisation disponibles dans le mode en cours. Pour accéder à l'ensemble complet des barres d'outils, sélectionnez Mode d'édition (icône du pinceau) dans la barre d'outils Général.

Bouton Aperçu. Certains nuggets de modèles disposent d'un bouton Aperçu, qui vous permet d'afficher un échantillon des données de modèle, y compris les champs supplémentaires créés par le processus de modélisation. Le nombre de lignes affichées par défaut est de 10, mais vous pouvez le modifier dans les propriétés du flux.

Bouton Ajouter au projet en cours. Enregistre le nugget de modèle et l'ajoute au projet en cours. Dans l'onglet Classes, le nugget est ajouté au dossier Modèles générés. Dans l'onglet CRISP-DM, il est ajouté à la phase du projet par défaut.

Récapitulatif /Informations sur les nuggets de modèle

L'onglet Récapitulatif ou la vue Informations d'un nugget de modèle affiche des informations sur les champs, les paramètres de création et le processus d'estimation du modèle. Les résultats sont présentés dans une vue d'arbre que vous pouvez développer ou réduire en cliquant sur des éléments précis.

Analyse. Affiche des informations sur le modèle. Les détails varient par type de modèle (reportez-vous aux sections correspondant à chaque nugget de modèle). En outre, si vous exécutez un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figurent également dans cette section.

Champs. Répertorie les champs utilisés comme cibles et entrées lors de la création du modèle. Pour les modèles découpés, répertorie également les champs qui ont déterminé les découpages.

Remarque : Dans la vue Informations des réseaux de neurones, des réseaux linéaires et des autres modèles avec des modes boosting ou bagging, l'icône affichée est la même (icône nominale), que le type soit un indicateur, nominal ou ordinal.

Paramètres / options de création. Contient des informations sur les paramètres utilisés lors de la création du modèle.

Récapitulatif de l'apprentissage. Indique le type du modèle, le flux utilisé pour le créer, l'utilisateur qui l'a créé, ainsi que sa date et sa durée de création. Notez que le temps consacré à la construction du modèle n'est disponible que dans l'onglet Récapitulatif, et non dans la vue Informations.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

L'importance des prédicteurs est disponible pour des modèles qui produisent une mesure statistique appropriée de l'importance, y compris des réseaux de neurones, arbres de décisions (Arbre C&RT, C5.0, CHAID, et QUEST), réseaux Bayésiens, discriminant, SVM, et modèles MRAA, régressions linéaire et logistique, modèles linéaires généralisés et modèles d'agrégation suivant le saut minimum (KNN). Pour la plupart de ces modèles, l'importance des prédicteurs peut être activée dans l'onglet Analyser du noeud de modélisation. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options d'analyse des noeuds modélisation», à la page 33. Pour les modèles KNN, reportez-vous à «Voisins», à la page 353.

Remarque : L'importance des prédicteurs n'est pas prise en charge par les modèles de scission. Les paramètres de l'importance du prédicteur sont ignorés lors de la création de modèles de scission. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Le calcul de l'importance des prédicteurs peut prendre un temps considérablement plus long que la construction de modèle, en particulier lors de l'utilisation de grands jeux de données. Ce calcul est plus long pour les modèles SVM et de régression logistique que pour d'autres modèles et il est désactivé par défaut pour ces modèles. Si vous utilisez un de l'ensemble de données possédant un grand nombre de prédicteurs, un filtrage initial utilisant un noeud Sélection de fonction peut donner des résultats plus rapides (voir la section ci-dessous).

- L'importance du prédicteur est calculée à partir de la partition de test, si elle est disponible. Sinon les données d'apprentissage sont utilisées.
- Pour les modèles MRAA, l'importance du prédicteur est disponible mais elle est calculée par l'algorithme MRAA. Pour plus d'informations, voir «Nuggets de modèle MRAA», à la page 339.
- Vous pouvez utiliser les outils de graphiques de IBM SPSS Modeler pour interagir, modifier et enregistrer le graphique.
- Vous pouvez éventuellement générer un noeud Filtrer en fonction des informations du graphique d'importance du prédicteur. Pour plus d'informations, voir «Filtrage de variables en fonction de l'importance», à la page 42.

Importance du prédicteur et sélection de fonction

Le graphique d'importance du prédicteur affiché dans un nugget de modèle peut sembler donner des résultats similaires au noeud Sélection de fonction dans certains cas. Alors que la sélection de fonction classe chaque champ d'entrée en fonction de l'intensité de sa relation avec la cible spécifiée, indépendamment des autres entrées, le graphique d'importance du prédicteur indique l'importance relative de chaque entrée pour *ce* modèle particulier. Ainsi la sélection de fonction devient plus conservatrice pour le filtrage des entrées. Par exemple, si l'*intitulé de poste* et la *catégorie de poste* sont tous deux fortement liés au salaire, alors la sélection de fonction indique que les deux sont importants. Mais dans la modélisation, les interactions et les corrélations sont aussi prises en considération. Ainsi vous pouvez trouver qu'une seule entrée parmi deux entrées est utilisée si toutes deux contiennent en grande partie des informations identiques. Dans la pratique, la sélection de fonction est plus utile pour le filtrage préliminaire, particulièrement avec de grands jeux de données comportant un grand nombre de variables, et l'importance du prédicteur est plus utile pour affiner le modèle.

Différences d'importance des prédicteurs entre les modèles uniques et les noeuds modélisation automatisés

Selon que vous créez un modèle unique à partir d'un noeud individuel ou que vous utilisez un noeud de modélisation automatisé pour générer des résultats, de légères différences peuvent apparaître concernant l'importance des prédicteurs. Ces différences d'implémentation sont dues à des restrictions techniques.

Par exemple, avec des discriminants uniques comme CHAID, le calcul applique une règle d'arrêt et utilise les valeurs de probabilité pour calculer les valeurs d'importance. En revanche, le discriminant automatique n'utilise pas de règle d'arrêt mais des libellés prévus directement dans le calcul. Ces différences peuvent signifier que si vous produisez un modèle unique à l'aide du discriminant automatique, la valeur d'importance peut être considérée comme étant une estimation approximative comparée à celle calculée pour un discriminant unique. Pour obtenir des valeurs d'importance des prédicteurs les plus précises, il est recommandé d'utiliser un noeud unique à la place de noeuds modélisation automatisés.

Filtrage de variables en fonction de l'importance

Vous pouvez éventuellement générer un noeud Filtrer en fonction des informations du graphique d'importance du prédicteur.

Marquez les prédicteurs que vous souhaitez inclure sur le graphique, s'il y a lieu, et, dans les menus, choisissez :

Générer > **Noeud filtre (Importance des prédicteurs)**

OU

> **Sélection des champs (Importance des prédicteurs)**

Plus grand nombre de variables. Inclut ou exclut les prédicteurs les plus importants jusqu'au nombre spécifié.

Importance supérieure à. Inclut ou exclut tous les prédicteurs dont l'importance relative est supérieure à la valeur spécifiée.

Visualiseur d'ensemble

Modèles d'ensembles

Le modèle d'un ensemble fournit des informations sur les modèles de composants de l'ensemble et les performances de l'ensemble en général.

La barre d'outils principale (indépendante de la vue) vous permet de choisir d'évaluer l'ensemble ou un modèle de référence. Si l'ensemble est utilisé pour l'évaluation, vous pouvez aussi sélectionner la règle de combinaison. Ces changements ne nécessitent pas de nouvelle exécution du modèle. Cependant, ces choix sont enregistrés dans le (nugget) de modèle pour une évaluation et/ou pour une évaluation du modèle en aval. Ils ont aussi une influence sur le PMML exporté à partir du Visualiseur d'ensemble.

Règle de combinaison. Lors de l'évaluation d'un ensemble, il s'agit de la règle utilisée pour combiner les valeurs prédites à partir des modèles de base pour calculer la valeur de score d'un ensemble.

- Les valeurs prédites d'ensemble pour des cibles **catégorielles** peuvent être combinées au moyen du vote, de la probabilité la plus élevée ou de la probabilité de moyenne la plus élevée. Le **vote** sélectionne la catégorie qui a la plus forte probabilité le plus souvent sur les mêmes modèles de base. La **probabilité la plus élevée** sélectionne la catégorie qui atteint la probabilité la plus élevée sur tous les modèles de base. La **probabilité de moyenne la plus élevée** sélectionne la catégorie dont la valeur est la plus élevée lorsqu'est effectué la moyenne des probabilités de catégorie sur les modèles de base.
- Des valeurs prédites d'ensemble pour des cibles **continues** peuvent être combinées à l'aide de la moyenne ou de la médiane des valeurs prédites à partir des modèles de base.

La valeur par défaut provient des spécifications réalisées lors de la génération du modèle. Une modification de la règle de combinaisons recalcule la précision du modèle et met à jour toutes les vues de la précision du modèle. Le graphique d'importance du prédicteur est aussi mis à jour. Ce contrôle est désactivé si le modèle de référence est sélectionné pour l'évaluation.

Afficher toutes les règles de combinaison. Lorsque cette option est sélectionnée, les résultats de toutes les règles de combinaisons disponibles sont affichés dans le graphique de qualité du modèle. Le graphique de précision du modèle de composants est aussi mis à jour afin d'afficher les lignes de référence pour chaque méthode de vote.

Récapitulatif de modèle

La vue Récapitulatif du modèle est un instantané, permettant de consulter en un seul coup d'oeil la qualité et la diversité de l'ensemble.

Qualité. Le graphique affiche l'exactitude du modèle final, comparé à un modèle de référence et à un modèle Naïve. L'exactitude est présentée dans un format plus grand et meilleur. Le "meilleur" modèle dispose de l'exactitude la plus élevée. Pour une cible catégorielle, la précision est tout simplement le pourcentage des enregistrements pour lesquels la valeur de prédiction correspond à la valeur observée. Pour une cible continue, la précision est égale à 1 moins le rapport de l'erreur moyenne absolue en prédiction (la moyenne des valeurs absolues des valeurs prédites moins les valeurs observées) de la plage des valeurs prédites (la valeur prédite maximale moins la valeur prédite minimale).

Pour les ensembles de bagging, le modèle de référence est un modèle standard construit sur l'intégralité de la partition de formation. Pour les ensembles boostés, le modèle de référence est le premier modèle de composant.

Le modèle Naïve représente la précision si aucun modèle n'était construit, et attribue tous les enregistrements à la catégorie modale. Le modèle Naïve n'est pas calculé pour des cibles continues.

Diversité. Le graphique affiche la "diversité d'opinions" parmi les modèles de composants utilisés pour construire l'ensemble, présenté dans un format plus grand et plus varié. Il s'agit d'une mesure indiquant la variation des prédictions parmi les modèles de base. La diversité n'est pas disponible pour les modèles d'ensemble boostés et elle n'est pas non plus affichée pour les cibles continues.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

L'importance des prédicteurs n'est pas disponible pour tous les modèles d'ensemble. L'ensemble des prédicteurs peuvent varier parmi les modèles de composants, mais l'importance doit être calculée pour les prédicteurs utilisés dans au moins un modèle de composant.

Fréquence des prédicteurs

L'ensemble des prédicteurs peut varier parmi les modèles de composants selon le choix de la méthode de modélisation ou de la sélection des prédicteurs. Le tracé de la fréquence des prédicteurs est un tracé de points qui affiche la distribution des prédicteurs parmi les modèles de composants dans l'ensemble. Chaque point représente un ou plusieurs modèles de composants qui contient le prédicteur. Les prédicteurs sont tracés sur l'axe y et sont triées en ordre décroissant de fréquence ; par conséquent, le prédicteur le plus haut est celui utilisé dans le plus grand nombre de modèles de composants, et le prédicteur le plus bas est celui utilisé dans le moins grand nombre de modèles de composants. Les 10 prédicteurs les plus hauts sont affichés.

Les prédicteurs qui apparaissent le plus fréquemment sont généralement les plus importants. Ce tracé n'est pas pratique pour les méthodes dans lesquelles l'ensemble des prédicteurs ne peut pas varier parmi les modèles de composants.

Précision d'un modèle de composant

Le graphique est un tracé de points du pouvoir prédictif des modèles de composants. Chaque point représente un ou plusieurs modèles de composants avec le niveau de précision tracé sur l'axe y. Passez la souris sur un point pour obtenir des informations sur le modèle de composant individuel correspondant.

Lignes de référence. Le tracé affiche des lignes codées par couleur pour l'ensemble, ainsi que le modèle de référence et les modèles naïve. Une coche s'affiche en regard de la ligne correspondant au modèle qui sera utilisé pour l'évaluation.

Interactivité. Le graphique est mis à jour si vous modifiez la règle de combinaison.

Ensembles boostés. Un graphique à courbes s'affiche pour les ensembles boostés.

Détails d'un modèle de composant

Le tableau affiche des informations sur les modèles de composants, répertoriés par ligne. Par défaut, les modèles de composants sont triés dans l'ordre croissant des numéros de modèle. Vous pouvez trier les lignes par ordre croissant ou décroissant des valeurs de n'importe quelle colonne.

Modèle : Nombre représentant l'ordre séquentiel dans lequel le modèle de composants a été créé.

Exactitude. Exactitude globale sous forme de pourcentage.

Méthode. Méthode de modélisation.

Prédicteurs. Nombre de prédicteurs utilisés dans le modèle de composant.

Taille du modèle. La taille du modèle dépend de la méthode de modélisation : pour les arbres, elle correspond au nombre de noeuds de l'arbre ; pour les modèles linéaires, elle correspond au nombre de coefficients ; pour les réseaux de neurones, elle correspond au nombre de synapses.

Enregistrements. Nombre pondéré d'enregistrements d'entrée de l'échantillon d'apprentissage.

Préparation automatique des données

Cette vue affiche des informations concernant les champs qui ont été exclus et la façon dont les champs transformés ont été dérivés dans l'étape de préparation automatique des données (ADP). Pour chaque champ transformé ou exclu, le tableau répertorie le nom du champ, son rôle au sein de l'analyse et l'action entreprise par l'étape ADP. Les champs sont triés selon l'ordre alphabétique croissant des noms de champ.

L'action **Enlever les valeurs extrêmes**, lorsqu'elle est affichée, indique que les valeurs de prédicteurs continus qui sont situées au-delà d'une valeur de césure (écart type de 3 par rapport à la moyenne) sont définies sur la valeur de césure.

Nuggets de modèle pour les modèles découpés

Le nugget de modèle pour un modèle découpé permet d'accéder à tous les modèles séparés créés par les découpages.

Un nugget de modèle découpé contient :

- une liste de tous les modèles découpés créés, ainsi qu'un ensemble de statistiques sur chaque modèle
- informations sur le modèle global

Dans la liste des modèles découpés, vous pouvez ouvrir des modèles individuels pour les examiner de manière plus approfondie.

Visualiseur de modèle de scission

L'onglet Modèle répertorie tous les modèles contenus dans le nugget et fournit des statistiques sous différentes formes sur les modèles découpés. Il peut avoir deux formes générales, en fonction du noeud de modélisation.

Trier par. Utilisez cette liste pour choisir l'ordre d'apparition des modèles. Vous pouvez trier la liste en fonction des valeurs de l'une des colonnes de l'affichage, dans l'ordre croissant ou décroissant. Vous pouvez également cliquer sur l'en-tête d'une colonne en fonction de laquelle réaliser le tri. La présentation par défaut est l'ordre décroissant de l'exactitude globale.

Menu Afficher/masquer les colonnes. Cliquez sur ce bouton pour afficher un menu dans lequel vous pouvez choisir des colonnes individuelles à afficher ou à masquer.

Vue. Si vous utilisez le partitionnement, vous pouvez afficher les résultats des données d'apprentissage ou de test.

Pour chaque découpage, les informations présentées sont les suivantes :

Graphique. Miniature indiquant la distribution des données pour ce modèle. Lorsque le nugget est sur l'espace de travail, double-cliquez sur la miniature pour ouvrir le graphique grandeur nature.

Modèle. Icône du type de modèle. Double-cliquez sur l'icône pour ouvrir le nugget de modèle pour ce découpage spécifique.

Champs de découpage. Champs désignés dans le noeud de modélisation comme champs de découpage, avec leurs différentes valeurs possibles.

Nbre d'enregistrements dans le découpage. Le nombre d'enregistrements impliqués dans ce découpage spécifique.

Nbre de champs utilisés. Classe les modèles de scission en fonction du nombre de champs d'entrée utilisés.

Exactitude globale (%). Pourcentage d'enregistrements correctement prévus par le modèle de scission par rapport au nombre total d'enregistrements dans ce découpage.

Scission. Le titre de colonne affiche les champs utilisés pour créer des découpages, et les cellules sont les valeurs de découpage. Cliquez deux fois sur une scission pour ouvrir un Visualiseur de modèle pour le modèle créé pour cette scission.

Exactitude. Exactitude globale sous forme de pourcentage.

Taille du modèle. La taille du modèle dépend de la méthode de modélisation : pour les arbres, elle correspond au nombre de noeuds de l'arbre ; pour les modèles linéaires, elle correspond au nombre de coefficients ; pour les réseaux de neurones, elle correspond au nombre de synapses.

Enregistrements. Nombre pondéré d'enregistrements d'entrée de l'échantillon d'apprentissage.

Utilisation de nuggets de modèle dans les flux

Les nuggets de modèles sont placés dans des flux afin de vous permettre de déterminer les scores des nouvelles données et de générer de nouveaux noeuds. La détermination des **scores** des données vous permet d'utiliser les informations que vous avez pu rassembler lors de la création de modèles pour générer des prévisions pour de nouveaux enregistrements. Pour consulter les résultats de scoring, vous devez attacher un noeud terminal (c'est-à-dire à un noeud d'exécution ou de sortie) au nugget et exécuter le noeud terminal.

Pour certains modèles, les nuggets de modèle peuvent également vous fournir des informations sur la qualité de la prévision, telles que les degrés de confiance et les distances par rapport au centre des clusters. En générant de nouveaux noeuds, vous pouvez facilement créer des noeuds basés sur la structure du modèle généré. Par exemple, la plupart des modèles qui effectuent une sélection des champs d'entrée vous permettent de générer des noeuds Filtrer qui transmettront uniquement les champs d'entrée que le modèle a identifié comme importants.

Remarque : Les scores affectés à une observation peuvent accuser des différences mineures lors d'une exécution par un modèle donné dans des versions différentes d'IBM SPSS Modeler. Ceci est généralement dû à des améliorations du logiciel d'une version à l'autre.

Pour utiliser un nugget de modèle destiné au scoring des données

1. Connectez le nugget de modèle à une source de données ou à un flux qui lui transmettra des données.
2. Ajoutez ou connectez un ou plusieurs noeuds de traitement ou de sortie (un noeud Table ou Analyse, par exemple) au nugget de modèle.
3. Exécutez l'un des noeuds situés en aval du nugget de modèle.

Remarque : Vous pouvez utiliser des noeuds Règle non affinée pour le scoring des données. Pour déterminer les scores des données en fonction d'un modèle de règle d'association, utilisez le noeud Règle non affinée pour générer un nugget Jeu de règles et utilisez ce dernier pour le scoring. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association», à la page 273.

Pour utiliser un nugget de modèle destiné à générer des noeuds de traitement

1. Dans la palette, parcourez le modèle, ou éditez ce dernier dans le canevas de flux.
2. Sélectionnez le type de noeud voulu dans le menu Générer du navigateur de nugget de modèle. Les options disponibles varient en fonction du type de nugget de modèle. Reportez-vous à la section consacrée au type de nugget de modèle qui vous intéresse pour savoir ce que ce modèle vous permet de générer.

Régénération d'un noeud de modélisation

Si vous souhaitez modifier ou mettre à jour l'un de vos nuggets de modèle et que le flux utilisé pour créer le modèle n'est pas disponible, vous pouvez régénérer un noeud de modélisation avec les options qui avaient servi à créer le modèle d'origine.

Pour recréer un modèle, cliquez avec le bouton droit de la souris sur le modèle avec le bouton droit de la souris dans la palette des modèles, puis sélectionnez **Générer le noeud de modélisation**.

Sinon, lorsque vous parcourez un modèle, choisissez **Générer un noeud de modélisation** dans le menu Générer.

Le noeud de modélisation régénéré est fonctionnellement identique à celui que vous aviez utilisé pour créer le modèle d'origine, dans la plupart des cas.

- Dans le cas des modèles Arbre de décisions, des paramètres supplémentaires définis lors de la session interactive peuvent également être stockés avec le noeud. L'option **Utiliser les directives d'arbre** est activée dans le noeud de modélisation régénéré.
- Dans le cas des modèles Liste de décision, l'option **Utiliser les informations de session interactive enregistrées** est activée. Pour plus d'informations, voir «Options du modèle Liste de décision», à la page 152.
- Dans le cas des modèles de séries temporelles, l'option **Poursuivre l'estimation à l'aide du ou des modèles existants** est activée, ce qui vous permet de régénérer le modèle précédent avec les données actuelles.

Importation et exportation de modèles au format PMML

PMML (Predictive Model Markup Language - langage de balisage de modèle de prévision) est un format XML permettant de décrire les modèles d'exploration de données et de statistiques, notamment les entrées des modèles, les transformations utilisées pour la préparation des données pour l'exploration de données et les paramètres définissant les modèles eux-mêmes. IBM SPSS Modeler peut importer et exporter le format PMML, et permet ainsi de partager des modèles avec d'autres applications qui prennent en charge ce format (par exemple,IBM SPSS Statistics).

Pour plus d'informations sur le langage PMML, reportez-vous au site Web de Data Mining Group (*http://www.dmg.org*).

Pour exporter un modèle

L'exportation PMML est prise en charge pour la plupart des types de modèle générés dans IBM SPSS Modeler. Pour plus d'informations, voir «Types de modèle prenant en charge le format PMML», à la page 48.

1. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur un nugget de modèle dans la palette des modèles. (Vous pouvez aussi double-cliquer sur un nugget de modèles dans l'espace de travail et sélectionner le menu Fichier.)
2. Dans le menu, cliquez sur **Exporter PMML**.
3. Dans la boîte de dialogue Exporter (ou Enregistrer), choisissez un répertoire cible et un nom unique pour le modèle.

Remarque :

Vous pouvez modifier les options d'exportation PMML dans la boîte de dialogue Options utilisateur. Dans le menu principal, cliquez sur :

Outils > **Options** > **Options utilisateur**

et cliquez sur l'onglet PMML.

Pour importer un modèle enregistré au format PMML

Les modèles exportés au format PMML à partir de IBM SPSS Modeler ou d'une autre application peuvent être importés dans la palette de modèles. Pour plus d'informations, voir «Types de modèle prenant en charge le format PMML», à la page 48.

1. Cliquez avec le bouton droit de la souris sur cette palette, puis sélectionnez **Importer PMML** dans le menu.

2. Sélectionnez le fichier à importer et indiquez les options requises pour les libellés de variables.
3. Cliquez sur **Ouvrir**.

Utiliser les libellés de variable s'ils figurent dans le modèle. Le langage PMML (Predictive Model Markup Language) permet de spécifier les noms et les libellés (par exemple, ID Référence pour *IDRéf*) des variables du dictionnaire de données. Sélectionnez cette option pour utiliser des libellés de variables s'ils apparaissent dans le langage PMML initialement exporté.

Si vous avez sélectionné l'option de libellé de variable alors que le langage PMML ne contient pas de libellé de variable, le nom des variables est utilisé.

Types de modèle prenant en charge le format PMML

Exportation en PMML

Modèles IBM SPSS Modeler. Les modèles suivants créés dans IBM SPSS Modeler peuvent être exportés au format PMML 4.0 :

- Arbre C&RT
- QUEST
- CHAID
- Réseau de neurones
- C5.0
- Régression logistique
- Genlin
- SVM
- Apriori
- Carma
- K moyenne
- Kohonen
- TwoStep
- TwoStep-AS
- GLMM (le format PMML est exporté pour tous les modèles GLMM, mais il comporte des effets fixes uniquement)
- Liste de décision
- Cox
- Séquence (l'évaluation pour les modèles Sequence PMML n'est pas prise en charge)
- Random Trees
- Tree-AS
- Linéaire
- Linear-AS
- Régression
- Logistique
- GLE
- LSVM
- Détection des anomalies
- KNN
- Règles d'association

Modèles natifs de base de données. Pour les modèles générés à l'aide d'algorithmes natifs de base de données, l'exportation PMML n'est pas disponible. Les modèles créés avec Analysis Services de Microsoft ou Oracle Data Miner ne peuvent pas être exportés.

Importation de PMML

IBM SPSS Modeler peut importer et évaluer les modèles PMML générés par les versions actuelles de tous les produits IBM SPSS Statistics, y compris les modèles exportés depuis IBM SPSS Modeler, et les modèles ou transformations PMML générés par IBM SPSS Statistics17.0 ou une version ultérieure. En d'autres termes, il s'agit de tout PMML que le moteur de scoring peut évaluer, à l'exception des éléments suivants :

- Les modèles Apriori, CARMA, Détection des anomalies, Séquence et Règles d'association ne peuvent pas être importés.
- Les modèles PMML ne seront peut-être pas parcourus après importation dans IBM SPSS Modeler, même s'ils peuvent être utilisés pour le scoring. (Notez que cela inclut les modèles qui ont été exportés à l'origine de IBM SPSS Modeler. Pour contourner cet obstacle, exportez le modèle au format de fichier de modèle généré [`*.gm`] plutôt qu'au format PMML.)
- La validation limitée se produit lors de l'importation, mais la validation complète s'effectue lors du scoring du modèle. Par conséquent, il est possible que l'importation réussisse mais que le scoring échoue ou produise des résultats incorrects.

Remarque : Dans le cas de PMML tiers importé dans IBM SPSS Modeler, IBM SPSS Modeler tente d'affecter un score au PMML valide pouvant être reconnu et recevoir un score. Il n'est cependant pas garanti que tout le PMML reçoive un score et que celui-ci soit le même que l'application qui l'a généré.

Publication des modèles pour un adaptateur de scoring

Vous pouvez publier des modèles dans un serveur de base de données contenant un adaptateur de scoring. Un adaptateur de scoring permet d'exécuter le scoring du modèle dans la base de données en utilisant les capacités de fonction définie par l'utilisateur (UDF) de la base de données. Exécuter le scoring dans la base de données permet de ne pas avoir besoin d'extraire les données avant le scoring. La publication d'un adaptateur de scoring génère également un exemple de SQL pour exécuter l'UDF.

Pour publier un adaptateur de scoring

1. Faites un double clic sur le nugget de modèle pour l'ouvrir.
2. Depuis le menu du nugget de modèle, choisissez :

   Fichier > **Publier pour l'adaptateur de scoring de serveur**
3. Remplissez les champs appropriées de la boîte de dialogue et cliquez sur **OK**.

Connexion à la base de données. Les informations de connexion de la base de données à utiliser pour le modèle.

ID de publication. (Db2 pour bases de données z/OS uniquement) Un identifiant du modèle. Si vous recréez le même modèle et que vous utilisez le même ID de publication, le SQL généré reste le même, par conséquent, il est possible de recréer un modèle sans avoir à modifier l'application qui utilise le SQL généré précédemment. (Pour les autres bases de données, le SQL généré est unique au modèle).

Générer un exemple de SQL. Si cette option est sélectionnée, l'exemple de SQL est généré dans le fichier spécifié dans le champ **Fichier**.

Modèles bruts

Un modèle brut comporte des informations extraites des données, mais n'est pas conçu pour générer des prévisions de manière directe. Cela signifie qu'il ne peut pas être ajouté à des flux. Les modèles bruts apparaissent sous forme de "diamants à l'état brut" dans la palette des modèles générés.

Figure 27. Icône de modèle brut

Pour obtenir des informations sur le modèle de règle non affinée, cliquez avec le bouton droit de la souris sur le modèle et choisissez **Parcourir** dans le menu contextuel. Comme les autres modèles générés dans IBM SPSS Modeler, les divers onglets fournissent des informations récapitulatives et de règle sur le modèle créé.

Génération de noeuds. Le menu Générer vous permet de créer des noeuds sur la base de règles.

- **Noeud Sélectionner.** Génère un noeud Sélectionner pour sélectionner les enregistrements auxquels la règle sélectionnée s'applique. Lorsqu'aucune règle n'est sélectionnée, cette option est désactivée.
- **Jeu de règles.** Génère un noeud Jeu de règles pour prévoir les valeurs d'un seul champ cible. Pour plus d'informations, voir «Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association», à la page 273.

Chapitre 4. Modèles de filtrage

Filtrage des champs et des enregistrements

Plusieurs noeuds modélisation peuvent être utilisés au cours des phases préliminaires d'une analyse ; ils permettent en effet de rechercher les champs et les enregistrements les plus intéressants pour une modélisation. Vous pouvez utiliser le noeud Sélection de fonction pour filtrer et classer les champs par ordre d'importance. Le noeud Détection des anomalies permet, quant à lui, de repérer les enregistrements inhabituels qui ne se conforment pas aux motifs de données "normales" connus.

Le noeud Sélection de fonction filtre les champs d'entrée en vue de leur suppression, en fonction d'un ensemble de critères donné (tel que le pourcentage de valeurs manquantes) ; il classe ensuite les entrées restantes selon leur importance par rapport à la cible indiquée. Si l'on prend, par exemple, un de l'ensemble de données comportant des centaines d'entrées potentielles, quelles sont celles susceptibles d'être les plus utiles dans la modélisation des résultats de patients ?

Le noeud Détection des anomalies identifie les observations inhabituelles, ou valeurs extrêmes, qui ne se conforment pas aux motifs de données "normales". Il vous permet d'identifier les valeurs extrêmes même si celles-ci ne correspondent pas aux motifs connus précédemment et même si vous ne savez pas exactement ce que vous recherchez.

La détection d'anomalies identifie les observations ou enregistrements inhabituels par le biais d'une analyse des clusters appliquée à l'ensemble de champs sélectionné dans le modèle, et ce, sans prendre en compte aucun champ (dépendant) cible spécifique, que ces champs soient pertinents ou non pour le motif sur lequel porte la prévision. C'est pourquoi il peut paraître utile d'associer la détection d'anomalies à la sélection de fonction ou à toute autre technique permettant de filtrer et de classer les champs. Vous pouvez, par exemple, utiliser la sélection de fonction pour identifier les champs les plus importants pour une cible donnée, puis exécuter la détection d'anomalies afin de repérer les enregistrements les plus inhabituels concernant ces champs. (Une autre approche consiste à créer un modèle d'arbre de décisions, puis à examiner tous les enregistrements qui n'ont pas été correctement classés afin de détecter des anomalies potentielles. Toutefois, cette méthode est plus difficile à répliquer et à automatiser à grande échelle.)

Noeud Sélection de fonction

L'un des problèmes de l'exploration de données réside dans le fait que des centaines, voire des milliers de champs peuvent servir de champs d'entrée. Vous pouvez ainsi passer beaucoup de temps à déterminer les champs ou variables à inclure dans le modèle. Il est possible de réduire le choix grâce à l'algorithme Sélection de fonction qui permet d'identifier les champs les plus importants pour une analyse donnée. Par exemple, si vous essayez de prévoir les résultats relatifs à des patients en fonction d'un certain nombre de facteurs, il convient de répondre à une question : quels facteurs semblent être les plus importants ?

La sélection de fonction se déroule en trois étapes :

- **Filtrage.** Supprime les entrées (et les enregistrements ou observations) non significatives et problématiques, telles que les champs d'entrée comportant un trop grand nombre de valeurs manquantes ou présentant une variation trop ou pas assez importante pour être utiles.
- **Classement.** Trie les entrées restantes et leur affecte un rang en fonction de leur importance.
- **Sélection.** Identifie le sous-ensemble de fonctions à utiliser dans les modèles suivants (en ne conservant, par exemple, que les entrées les plus importantes, et en filtrant ou en excluant toutes les autres).

Alors que bon nombre d'entreprises croulent aujourd'hui sous une quantité excessive de données, la sélection de fonction, en simplifiant et en accélérant le processus de modélisation, peut s'avérer très bénéfique. Concentrez-vous rapidement sur les champs présentant le plus grand intérêt, et réduisez ainsi le nombre de calculs requis ; repérez plus facilement des relations ténues mais importantes qui auraient sinon pu être ignorées et, enfin, obtenez des modèles plus simples, plus précis et plus facilement explicables. En restreignant le nombre de champs utilisés dans le modèle, vous pouvez réduire le nombre de scorings, ainsi que la quantité de données collectées dans les futures itérations.

Exemple. Un opérateur de téléphonie possède un entrepôt de données contenant des informations concernant les réponses données par 5 000 clients de l'entreprise à une promotion spéciale. Ces données incluent un grand nombre de champs comprenant l'âge, la profession et les revenus des clients, ainsi que les statistiques d'utilisation de leur téléphone. Trois champs cible indiquent si le client a répondu à chacune des trois offres. L'opérateur souhaite utiliser ces données pour connaître les clients les plus susceptibles de répondre à des offres similaires à l'avenir.

Conditions requises. Un champ de cible unique (dont le rôle est configuré sur *Cible*), avec plusieurs champs d'entrée que vous souhaitez filtrer ou classer par rapport à la cible. Les champs cible et d'entrée ont un niveau de mesure *Continu* (intervalle numérique) ou *Catégoriel*.

Paramètres des modèles Sélection de fonction

Les paramètres affichés dans l'onglet Modèle incluent des options de modèle standard, ainsi que des paramètres qui vous permettent d'affiner les critères de filtrage des champs d'entrée.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Filtrage des champs d'entrée

Le filtrage procède à la suppression des entrées ou des observations qui n'ajoutent aucune information utile quant à la relation entrée/cible. Les options de filtrage reposent sur les attributs du champ concerné et ne tiennent pas compte de la puissance de prévision relative au champ cible sélectionné. Les champs filtrés sont exclus des calculs utilisés pour classer les entrées ; ils peuvent également être filtrés ou supprimés dans les données servant à la modélisation.

Le filtrage des champs peut reposer sur les critères suivants :

- **Pourcentage maximal de valeurs manquantes.** Filtre les champs comportant trop de valeurs manquantes, exprimées sous forme d'un pourcentage du nombre total d'enregistrements. Les champs présentant un fort pourcentage de valeurs manquantes n'offrent que peu d'informations prévisionnelles.
- **Pourcentage maximal d'enregistrements dans une catégorie unique.** Filtre les champs qui comportent, par rapport au nombre total d'enregistrements, trop d'enregistrements relatifs à une même catégorie. Supposons, par exemple, que 95 % des clients de la base de données conduisent le même type de voiture ; cette information n'est pas pertinente pour différencier un client d'un autre. Tous les champs qui dépassent le nombre maximal indiqué sont filtrés. Cette option s'applique aux champs catégoriels uniquement.
- **Nombre maximal de catégories comme pourcentage d'enregistrements.** Filtre les champs comportant trop de catégories par rapport au nombre total d'enregistrements. Si un pourcentage élevé des catégories ne contient qu'une seule observation, le champ peut présenter un intérêt limité. Supposons, par exemple, que chaque client porte un chapeau différent ; cette information a peu de chance d'être utile pour la modélisation de motifs de comportements. Cette option s'applique aux champs catégoriels uniquement.
- **Coefficient de variation minimal.** Filtre les champs dont le coefficient de variance est inférieur ou égal à la valeur minimale indiquée. Cette mesure correspond au rapport entre l'écart type et la moyenne du champ d'entrée. Une valeur proche de zéro indique une faible variabilité entre les valeurs de la variable. Cette option s'applique aux champs continus (intervalle numérique) uniquement.
- **Ecart type minimal.** Filtre les champs dont l'écart type est inférieur ou égal à la valeur minimale indiquée. Cette option s'applique aux champs continus (intervalle numérique) uniquement.

Enregistrements contenant des données manquantes. Les enregistrements ou observations présentant des valeurs manquantes pour le champ cible ou pour l'ensemble des entrées sont exclus automatiquement de tous les calculs utilisés dans les classements.

Options de sélection de fonction

L'onglet Options vous permet d'indiquer les paramètres par défaut pour la sélection et l'exclusion des champs d'entrée du nugget de modèle. Vous pouvez ensuite ajouter le modèle à un flux afin de sélectionner un sous-ensemble de champs, en vue de futures opérations de création de modèles. Il est également possible d'ignorer ces paramètres en sélectionnant ou désélectionnant d'autres champs dans le navigateur du modèle généré. Toutefois, les paramètres par défaut permettent d'appliquer, sans autres modifications, le nugget de modèle ; cela peut s'avérer particulièrement utile pour la création de script.

Pour plus d'informations, voir «Résultats du modèle Sélection de fonction», à la page 54.

Les options suivantes sont disponibles :

Tous les champs classés. Sélectionne les champs en fonction de leur classement et les indique comme étant *Important*, *Marginal* ou *Non significatif*. Vous pouvez éditer le libellé de chaque classement, ainsi que les valeurs de césure utilisées pour affecter les enregistrements à un rang ou un autre.

Plus grand nombre de champs. Sélectionne les *n* premiers champs en termes d'importance.

Importance supérieure à. Sélectionne tous les champs présentant une importance supérieure à la valeur indiquée.

Le champ cible est toujours conservé quelle que soit la sélection.

Options de classement en fonction de l'importance

Toutes de type catégoriel. Lorsque toutes les entrées et la cible sont de type catégoriel, l'importance peut être triée en fonction de l'une des quatre mesures suivantes :

- **Khi-carré de Pearson.** Tests d'indépendance de la cible et de l'entrée, sans indication de la force et de la direction des relations existantes.
- **Khi-deux du rapport de vraisemblance.** Semblable au khi-carré de Pearson, mais teste également l'indépendance cible/entrée.
- **V de Cramer.** Mesure d'association fondée sur des statistiques de khi-carré de Pearson. Les valeurs sont comprises entre 0 (ce qui signifie qu'aucune association n'est présente) et 1 (ce qui désigne une association parfaite).
- **Lambda.** Mesure d'association reflétant la réduction proportionnelle d'erreurs lorsque la variable est utilisée pour la prévision de la valeur cible. Une valeur de 1 indique que le champ d'entrée offre une prévision parfaite de la cible ; la valeur 0 signifie, quant à elle, que l'entrée ne fournit aucune information utile sur la cible.

Certaines de type catégoriel. Lorsque certaines entrées, mais pas toutes, sont de type catégoriel et que la cible est du même type, l'importance peut être triée par Pearson ou par rapport de vraisemblance khi-carré. (Les mesures *V* de Cramer et lambda ne sont disponibles que si les toutes les entrées sont de type catégoriel.)

Type catégoriel/Type continu. Lors du classement d'une entrée de type catégoriel par rapport à une cible continue, ou inversement (l'une ou l'autre est catégorielle mais pas les deux), les statistiques *F* sont utilisées.

Type continu uniquement. Lors du classement d'une entrée continue par rapport à une cible continue, les statistiques *T* basées sur le coefficient de corrélation sont utilisées.

Nuggets de modèles Sélection de fonction

Les nuggets de modèles Sélection de fonction affichent l'importance de chaque entrée pour une cible sélectionnée, en fonction du classement du noeud Sélection de fonction. Les champs ayant été filtrés

avant la réalisation du classement sont également répertoriés. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Sélection de fonction», à la page 51.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèles Sélection de fonction, ce dernier agit comme un filtre qui ne conserve que les entrées sélectionnées, en fonction de la sélection effectuée dans l'onglet Modèle. Par exemple, vous pouvez sélectionner tous les champs classés comme importants (l'une des options par défaut) ou sélectionner manuellement un sous-ensemble de champs dans l'onglet Modèle. Le champ cible est également conservé quelle que soit la sélection. Tous les autres champs sont exclus.

Le filtrage est basé sur les noms de champ uniquement ; par exemple, si vous sélectionnez *âge* et *revenu*, tout champ portant l'un de ces deux noms est conservé. Le modèle ne met pas à jour les classements de champs en fonction des nouvelles données ; il se contente de filtrer les champs sur la base des noms sélectionnés. Par conséquent, soyez vigilant lorsque vous appliquez le modèle à des données nouvelles ou mises à jour. Si vous avez des doutes, il est recommandé de régénérer le modèle.

Résultats du modèle Sélection de fonction

L'onglet Modèle correspondant à un nugget de modèles Sélection de fonction affiche le classement et l'importance de toutes les entrées dans le panneau supérieur. Il vous permet également de sélectionner les champs de filtrage en cochant les cases situées dans la colonne de gauche. Lorsque vous exécutez le flux, seuls les champs sélectionnés sont conservés. Les autres champs sont ignorés. Les sélections par défaut dépendent des options indiquées dans le noeud création de modèle, mais vous pouvez sélectionner ou désélectionner d'autres champs, comme souhaité.

Le panneau inférieur répertorie les entrées qui ont été exclues des classements en fonction du pourcentage de valeurs manquantes ou d'autres critères définis dans le noeud de modélisation. Tout comme dans le cas des champs classés, vous pouvez décider d'inclure ou d'exclure ces champs en cochant les cases de la colonne de gauche. Pour plus d'informations, voir «Paramètres des modèles Sélection de fonction», à la page 52.

- Pour trier la liste par rang, nom de champ, importance ou toute autre colonne affichée, cliquez sur l'en-tête de colonne souhaité. Vous pouvez également utiliser la barre d'outils pour sélectionner l'élément souhaité dans la liste Trier par, et utiliser les flèches vers le haut ou vers le bas pour changer le sens du tri.
- Dans la barre d'outils, vous pouvez sélectionner ou désélectionner tous les champs, et accéder à la boîte de dialogue Sélectionner les champs pour sélectionner les champs par rang ou importance. Vous pouvez également étendre la sélection en maintenant les touches Maj et Ctrl enfoncées et en cliquant sur les champs souhaités, et utiliser la barre d'espacement pour activer ou désactiver un groupe de fichiers sélectionnés. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Sélection des champs en fonction de leur importance», à la page 54.
- Les valeurs de seuil permettant de classer les entrées comme étant importantes, marginales ou non significatives sont affichées dans la légende apparaissant sous le tableau. Ces valeurs sont définies dans le noeud de modélisation. Pour plus d'informations, voir «Options de sélection de fonction», à la page 53.

Sélection des champs en fonction de leur importance

Lors du scoring de données à l'aide d'un nugget de modèles Sélection de fonction, tous les champs sélectionnés dans la liste des champs classés ou filtrés (c'est-à-dire comportant une coche dans la colonne de gauche) sont conservés. Les autres champs sont ignorés. Pour modifier la sélection, utilisez la barre d'outils pour accéder à la boîte de dialogue Sélectionner les champs, et sélectionnez les champs par rang ou importance.

Tous les champs marqués. Sélectionne tous les champs indiqués comme étant importants, marginaux ou non significatifs.

Plus grand nombre de champs. Permet de sélectionner les *n* premiers champs en termes d'importance.

Importance supérieure à. Sélectionne tous les champs présentant une importance supérieure au seuil indiqué.

Génération d'un filtre à partir d'un modèle Sélection de fonction

A partir des résultats d'un modèle Sélection de fonction, vous pouvez utiliser la boîte de dialogue Générer un filtre à partir de la sélection de fonction pour générer un ou plusieurs noeuds filtre qui incluent ou excluent des sous-ensembles de champs en fonction de leur importance par rapport à la cible indiquée. Alors que le nugget de modèle peut également servir de filtre, cette opération vous permet de bénéficier de la souplesse nécessaire pour tester différents sous-ensembles de champs sans avoir à copier ni modifier le modèle. Le champ cible reste conservé par le filtre, que vous ayez choisi l'opération d'inclusion ou d'exclusion.

Inclusion/Exclusion. Vous pouvez choisir d'inclure ou d'exclure des champs. Il est ainsi possible d'inclure les 10 premiers champs ou d'exclure tous les champs indiqués comme étant non significatifs.

Champs sélectionnés. Inclut ou exclut tous les champs actuellement sélectionnés dans le tableau.

Tous les champs marqués. Sélectionne tous les champs indiqués comme étant importants, marginaux ou non significatifs.

Plus grand nombre de champs. Permet de sélectionner les *n* premiers champs en termes d'importance.

Importance supérieure à. Sélectionne tous les champs présentant une importance supérieure au seuil indiqué.

Noeud Détection des anomalies

Les modèles de détection des anomalies permettent d'identifier les valeurs extrêmes (ou les cas inhabituels) au sein des données. Contrairement aux méthodes de modélisation qui contiennent des règles portant sur les observations inhabituelles, les modèles de détection des anomalies stockent des informations relatives à ce que doit être un comportement normal. Ils permettent ainsi d'identifier les valeurs extrêmes, et ce, même si ces dernières ne correspondent pas à un motif connu ; ils trouvent toute leur utilité dans la détection de fraudes où de nouveaux motifs apparaissent sans cesse. La détection d'anomalies est une méthode non supervisée, ce qui signifie qu'elle ne requiert comme point de départ aucun de l'ensemble de données d'apprentissage contenant des cas de fraude connus.

Si les méthodes traditionnelles d'identification des valeurs extrêmes prennent en compte une ou deux variables à la fois, la détection d'anomalies peut analyser un grand nombre de champs afin d'identifier les clusters ou les groupes d'homologues contenant des enregistrements semblables. Chaque enregistrement peut ensuite être comparé aux autres enregistrements du groupe d'homologues en vue de déceler des anomalies possibles. Plus une observation s'éloigne du point central défini comme étant normal, plus il y a de chances qu'elle soit inhabituelle. Par exemple, l'algorithme peut répartir les enregistrements dans trois clusters distincts et signaler ceux qui se trouvent les plus éloignés du centre de chaque cluster.

Chaque enregistrement se voit affecter un index d'anomalies, qui correspond au rapport entre l'index d'écart du groupe et la moyenne du cluster à laquelle l'observation appartient. Plus la valeur de l'index est élevée, plus l'observation s'écarte de la moyenne. En règle générale, les observations comportant des valeurs d'index d'anomalies inférieures à 1, voire à 1,5, ne sont pas considérées comme des anomalies car l'écart est quasi identique (ou légèrement supérieur) à la moyenne. Toutefois, les observations dont la valeur d'index est supérieure à 2 ont de fortes chances d'être anormales puisque l'écart correspond à plus du double de la moyenne.

La détection d'anomalies est une méthode exploratoire conçue pour détecter rapidement les observations ou enregistrements inhabituels qui doivent faire l'objet d'une analyse plus poussée. Il convient de parler ici d'anomalies *suspectées* ; en effet, à la suite d'un examen approfondi, elles peuvent s'avérer réelles ou non. Il se peut qu'un enregistrement soit parfaitement valide mais que vous décidiez de le filtrer à partir des données, à des fins de création de modèle. En outre, si l'algorithme renvoie à plusieurs reprises de fausses anomalies, cela peut être le résultat d'une erreur ou d'un artefact dans le processus de collecte des données.

La détection d'anomalies identifie les observations ou enregistrements inhabituels par le biais d'une analyse des clusters appliquée à l'ensemble de champs sélectionné dans le modèle, et ce, sans prendre en compte aucun champ (dépendant) cible spécifique, que ces champs soient pertinents ou non pour le

motif sur lequel porte la prévision. C'est pourquoi il peut paraître utile d'associer la détection d'anomalies à la sélection de fonction ou à toute autre technique permettant de filtrer et de classer les champs. Vous pouvez, par exemple, utiliser la sélection de fonction pour identifier les champs les plus importants pour une cible donnée, puis exécuter la détection d'anomalies afin de repérer les enregistrements les plus inhabituels concernant ces champs. (Une autre approche consiste à créer un modèle d'arbre de décisions, puis à examiner tous les enregistrements qui n'ont pas été correctement classés afin de détecter des anomalies potentielles. Toutefois, cette méthode est plus difficile à répliquer et à automatiser à grande échelle.)

Exemple. En filtrant les subventions pour le développement agricole dans le but d'y détecter d'éventuels cas de fraude, la détection des anomalies peut être utilisée pour découvrir les écarts par rapport à la norme, en mettant en relief les enregistrements non conformes et qui méritent des recherches supplémentaires. Vous vous intéressez en particulier aux demandes de subvention qui semblent requérir une somme trop élevée (ou trop faible) pour le type et la taille de la ferme concernée.

Conditions requises. Au moins un champ d'entrée. Seuls les champs dont le rôle est paramétré sur **Entrée** et utilisant un noeud source ou type peuvent être utilisés comme entrées. Les champs cible (dont le rôle se voit affecter la valeur **Cible** ou **Les deux**) sont ignorés.

Puissance. En signalant les observations *non* conformes à un ensemble de règles plutôt que celles conformes, les modèles Détection des anomalies permettent d'identifier les observations inhabituelles, et ce même si celles-ci n'obéissent pas à des motifs précédents connus. Associée à la sélection de fonction, la détection d'anomalies permet de filtrer de grandes quantités de données afin d'identifier relativement rapidement les enregistrements présentant le plus grand intérêt.

Options des modèles Détection des anomalies

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Déterminer la valeur de césure de l'anomalie en fonction de. Indique la méthode utilisée pour déterminer la valeur de césure associée au signalement des anomalies. Les options suivantes sont disponibles :

- **Niveau d'index minimal des anomalies.** Indique la valeur de césure limite pour le signalement des anomalies. Les enregistrements qui atteignent ou dépassent ce seuil sont signalés.
- **Pourcentage des enregistrements les plus irréguliers des données d'apprentissage.** Définit automatiquement le seuil sur un niveau permettant de signaler le pourcentage d'enregistrements indiqué dans les données d'apprentissage. La césure ainsi déterminée est incluse en tant que paramètre dans le modèle. Cette option permet de définir la valeur de césure et *non* le pourcentage réel d'enregistrements à signaler au cours du scoring. Les résultats de scoring réels peuvent varier en fonction des données.
- **Nombre des enregistrements les plus irréguliers des données d'apprentissage.** Définit automatiquement le seuil sur un niveau permettant de signaler le nombre d'enregistrements indiqué dans les données d'apprentissage. Le seuil ainsi déterminé est inclus en tant que paramètre dans le modèle. Cette option permet de définir la valeur de césure et *non* le nombre d'enregistrements donné à signaler au cours du scoring. Les résultats de scoring réels peuvent varier en fonction des données.

Remarque : Quel que soit son mode de détermination, la valeur de césure n'a aucune incidence sur la valeur d'index d'anomalies sous-jacente indiquée pour chaque enregistrement. Elle définit simplement le seuil de signalement des enregistrements jugés comme irréguliers au cours de l'estimation ou du scoring du modèle. Si, par la suite, vous souhaitez étudier un nombre plus grand ou plus petit d'enregistrements, utilisez un noeud Sélectionner pour définir un sous-ensemble d'enregistrements sur la base de la valeur de l'index des anomalies (`$0-AnomalyIndex > X`).

Nombre de champs d'anomalies à reporter. Définit le nombre de champs à signaler, afin d'indiquer la raison pour laquelle un enregistrement donné est marqué comme étant anormal. Les champs les plus irréguliers sont indiqués et définis comme étant ceux présentant le plus grand écart par rapport à la valeur normale de champ du cluster auquel est affecté l'enregistrement.

Options expert de détection d'anomalies

Afin d'indiquer des options pour les valeurs manquantes, ainsi que pour d'autres paramètres, définissez le mode **Expert** dans l'onglet Expert.

Coefficient d'ajustement. Valeur utilisée pour équilibrer la pondération relative attribuée aux champs continus (intervalle numérique) et aux champs catégoriels pour les calculs de distance. Les valeurs élevées augmentent l'influence des champs continus. Il doit s'agir d'une valeur différente de zéro.

Calculer automatiquement le nombre de groupes d'homologues. La détection d'anomalies peut analyser rapidement un grand nombre de solutions possibles afin de déterminer le nombre optimal de groupes d'homologues pour les données d'apprentissage. Vous pouvez élargir ou réduire l'intervalle en définissant un nombre minimal et maximal de groupes d'homologues. Les valeurs élevées permettent au système d'explorer un plus grand intervalle de solutions possibles, mais induisent un temps de traitement plus long.

Spécifier le nombre de groupes d'homologues. Si vous connaissez le nombre de clusters à inclure dans votre modèle, sélectionnez cette option et entrez le nombre de groupes d'homologues. La sélection de cette option améliore généralement les performances du système.

Niveau de bruit et Rapport de bruit. Ces paramètres déterminent la façon dont les valeurs extrêmes sont traitées lors d'une classification non supervisée en deux étapes. Lors de la première étape, un arbre des fonctions de cluster (CF) est utilisé pour condenser les données d'un très grand nombre d'enregistrements individuels en un nombre de clusters plus facile à gérer. L'arbre est créé à partir de mesures de similarité et lorsqu'un noeud de l'arbre contient trop d'enregistrements, il se divise en noeuds enfant. Lors de la seconde étape, la classification non supervisée hiérarchique commence sur les noeuds terminaux de l'arbre CF. La gestion du bruit est activée lors du premier passage de données et désactivée lors du second. Les observations figurant dans le cluster de bruit issu du premier passage de données sont affectées aux clusters standard lors du second passage.

- **Niveau de bruit.** Indiquez une valeur comprise entre 0 et 0,5. Ce paramètre n'est pertinent que si l'arbre CF se remplit lors de l'étape de développement ; cela signifie qu'il ne peut accepter aucune autre observation dans un noeud feuille et qu'aucun noeud feuille ne peut être divisé.

  Si l'arbre CF se remplit et que le niveau de bruit est paramétré sur 0, le seuil est augmenté et l'arbre CF redéveloppé à partir de toutes les observations. Après la classification finale, les valeurs ne pouvant être affectées à un cluster deviennent des valeurs extrêmes étiquetées. Le cluster des valeurs extrêmes se voit attribuer le numéro d'identification -1. Il n'est pas inclus dans le décompte du nombre de clusters ; autrement dit, si vous définissez *n* clusters et la gestion du bruit, l'algorithme génère les *n* clusters, plus un cluster de bruit. En pratique, vous pouvez augmenter cette valeur afin de donner à l'algorithme davantage de latitude pour intégrer des enregistrements inhabituels dans l'arbre plutôt que de les affecter à un cluster de valeurs extrêmes distincte.

  Si l'arbre CF se remplit et que le niveau de bruit est supérieur à 0, l'arbre CF se redéveloppe après avoir déplacé les données des feuilles sporadiques vers leur propre feuille de bruit. Une feuille est considérée comme étant sporadique si le rapport entre le nombre d'observations contenues dans la feuille sporadique et le nombre d'observations contenues dans la plus grande feuille est inférieur au niveau de bruit. Une fois l'arbre redéveloppé, les valeurs extrêmes sont placées dans l'arbre CF lorsque cela s'avère possible. Sinon, elles sont ignorées pour la seconde étape de classification non supervisée.
- **Rapport de bruit.** Indique la quantité de mémoire allouée au composant qui doit être utilisée pour la mise en mémoire tampon du bruit. Cette valeur est comprise entre 0,0 et 0,5. Si l'insertion d'une observation particulière dans une feuille de l'arbre entraîne un manque de place inférieur au seuil, la feuille n'est pas divisée. Si le manque de place dépasse le seuil, la feuille est divisée et un autre cluster de petite taille est ajouté à l'arbre CF. D'un point de vue pratique, si vous augmentez la valeur de ce paramètre, l'algorithme peut s'orienter plus rapidement vers un arbre plus simple.

Attribuer les valeurs manquantes. Pour les champs continus, remplace toute valeur manquante par la valeur moyenne des champs. Pour les champs catégoriels, les catégories manquantes sont combinées et traitées comme une catégorie valide. Si cette option est désélectionnée, tous les enregistrements comportant des valeurs manquantes sont exclus de l'analyse.

Nuggets de modèles Détection des anomalies

Les nuggets de modèles Détection des anomalies contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle Détection des anomalies, ainsi que des informations sur les données d'apprentissage et le processus d'estimation.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèles Détection des anomalies, un certain nombre de nouveaux champs est ajouté au flux, en fonction de la sélection effectuée dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Paramètres des modèles Détection des anomalies», à la page 58. Le nom des nouveaux champs est composé du nom du modèle, précédé de *$O*, comme le récapitule le tableau suivant.

Tableau 6. Génération de nouveau nom de champ

Nom de champ	Description
$O-Anomaly	Champ indicateur indiquant si l'enregistrement est irrégulier.
$O-AnomalyIndex	Valeur d'index d'anomalies de l'enregistrement.
$O-PeerGroup	Indique le groupe d'homologues auquel l'enregistrement est affecté.
$O-Field-n	Nom des *n* champs les plus irréguliers en termes d'écart par rapport à la norme du cluster.
$O-FieldImpact-n	Index d'écart de variable du champ. Cette valeur mesure l'écart par rapport à la norme du champ pour le cluster auquel l'enregistrement est affecté.

Vous pouvez éventuellement supprimer les scores des enregistrements réguliers afin de rendre les résultats plus lisibles. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Paramètres des modèles Détection des anomalies», à la page 58.

Détails relatifs aux modèles de détection des anomalies

L'onglet Modèle d'un modèle Détection des anomalies affiche des informations sur les groupes d'homologues de ce modèle.

Notez que la taille et les statistiques signalées pour les groupes d'homologues sont évaluées sur la base des données d'apprentissage ; elles peuvent différer légèrement des résultats de scoring réels, et ce même si elles sont obtenues à partir des mêmes données.

Le **Résidu des motifs non consignés** correspond à 1 moins la somme des valeurs d'index d'anomalie pour chaque colonne d'anomalie des enregistrements identifiés comme étant des anomalies. Ce pourcentage peut être utilisé comme indicateur de la proportion d'anomalie expliquée par les champs consignés. Cela peut vous servir de guide pour déterminer le nombre de champs d'anomalie à consigner.

Récapitulatif du modèle Détection des anomalies

L'onglet Récapitulatif relatif à un nugget de modèle Détection des anomalies affiche des informations sur les champs, les paramètres de création et le processus d'estimation. Le nombre de groupes d'homologues est également fourni, ainsi que la valeur de césure utilisée pour signaler les enregistrements comme étant anormaux.

Paramètres des modèles Détection des anomalies

Utilisez l'onglet Paramètres pour indiquer des options pour le scoring du nugget de modèle.

Indiquer les enregistrements irréguliers avec Indique le mode de traitement des enregistrements anormaux dans la sortie.

- **Indicateur et index** Crée un champ indicateur paramétré sur *True(vrai)* pour tous les enregistrements qui dépassent la valeur de césure incluse dans le modèle. L'index d'anomalies est également fourni dans un champ distinct pour chaque enregistrement. Pour plus d'informations, voir «Options des modèles Détection des anomalies», à la page 56.
- **Indicateur uniquement** Crée un champ indicateur mais ne fournit pas l'index d'anomalies pour chaque enregistrement.
- **Index uniquement** Fournit l'index d'anomalies sans créer de champ indicateur.

Nombre de champs d'anomalies à reporter Définit le nombre de champs à signaler, afin d'indiquer la raison pour laquelle un enregistrement donné est marqué comme étant anormal. Les champs les plus irréguliers sont indiqués et définis comme étant ceux présentant le plus grand écart par rapport à la valeur normale de champ du cluster auquel est affecté l'enregistrement.

Supprimer les enregistrements Sélectionnez cette option pour supprimer du flux tous les enregistrements **Réguliers** ; il est ainsi plus facile de se concentrer sur les anomalies potentielles survenues dans les noeuds en aval. Vous pouvez également ignorer tous les enregistrements **Anormaux** afin de limiter l'analyse suivante aux enregistrements qui ne sont pas signalés comme présentant éventuellement des anomalies, en fonction du modèle défini.

Remarque : Compte tenu des légères différences d'arrondi, le nombre réel d'enregistrements signalés au cours du scoring risque d'être différent de celui trouvé lors de l'apprentissage du modèle, et ce même si les mêmes données sont exploitées.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Chapitre 5. Noeuds de modélisation automatisés

Les noeuds de modélisation automatisés permettent d'estimer et de comparer un certain nombre de méthodes de modélisation différentes, ce qui vous permet d'essayer une variété d'approches dans une seule exécution de modélisation. Vous pouvez sélectionner les algorithmes de modélisation à utiliser et les options spécifiques pour chacun d'eux, y compris les combinaisons qui autrement seraient mutuellement exclusives. Par exemple, plutôt que de choisir entre les méthodes rapides, dynamiques ou élaguées pour un réseau de neurones, vous pouvez tous les essayer. Le noeud explore toutes les combinaisons possibles d'options, classe chaque modèle de candidat en fonction de la mesure que vous spécifiez et enregistre le meilleur pour une utilisation dans la notation ou une analyse plus approfondie.

Vous pouvez choisir parmi trois noeuds de modélisation automatisés, en fonction des besoins de votre analyse:

Le noeud Classificateur automatique crée et compare les résultats binaires de plusieurs modèles différents (oui ou non, avec ou sans attrition, etc.), ce qui vous permet de choisir la meilleure approche pour une analyse donnée. Plusieurs algorithmes de modélisation sont pris en charge. Vous pouvez alors sélectionner les méthodes que vous souhaitez utiliser, les options spécifiques pour chacune d'elles et le critère de comparaison des résultats. Le noeud génère un ensemble de modèles basé sur les options spécifiées et classe les meilleurs candidats en fonction des critères indiqués.

Le noeud Numérisation automatique évalue et compare des modèles pour des résultats d'intervalle numérique continus par le biais de différentes méthodes. Le noeud fonctionne de la même manière que le noeud Classificateur automatique, vous permettant ainsi de choisir les algorithmes à utiliser et à tester avec différentes combinaisons d'options en un seul passage de modélisation. Les algorithmes pris en charge comprennent les réseaux de neurones, l'algorithme d'arbre C&RT, CHAID, la régression linéaire, la régression linéaire généralisée et Support Vector Machines (SVM). Les modèles peuvent être comparés selon la corrélation, l'erreur relative ou le nombre de variables utilisées.

Le noeud Cluster automatique évalue et compare les modèles de classification identifiant des groupes d'enregistrements ayant des caractéristiques similaires. Le noeud fonctionne de la même manière que les autres noeuds modélisation automatiques, vous permettant de tester plusieurs combinaisons d'options en une seule modélisation. Les modèles peuvent être comparés à l'aide de mesures de bases permettant d'essayer de filtrer et de classer l'utilité des modèles de classification et de fournir une mesure en fonction de l'importance de champs particuliers.

Les meilleurs modèles sont enregistrés dans un nugget de modèle composite unique, ce qui vous permet de parcourir et de comparer ces modèles et de choisir les modèles à utiliser dans la notation.

- Pour les cibles binaires, nominales et numériques, vous pouvez uniquement sélectionner plusieurs modèles d'évaluation et combiner les scores dans un ensemble de modèles unique. En combinant les prévisions à partir de modèles multiples, les limites de chaque modèle peuvent être évitées, ce qui se traduit souvent par une précision d'ensemble supérieure à celle qui peut être obtenue à partir de n'importe lequel des modèles.
- En option, vous pouvez choisir d'explorer en aval les résultats et générer des noeuds de modélisation ou des nuggets de modèle pour l'un des modèles individuels que vous souhaitez utiliser ou explorer davantage.

Modèles et temps d'exécution

Selon le jeu de données et le nombre de modèles, les noeuds de modélisation automatisés peuvent prendre des heures ou même plus de temps à exécuter. Lors de la sélection des options, prêtant attention au nombre de modèles en cours de production. Lorsque cela est pratique, vous pouvez planifier des exécutions de modélisation pendant les nuits ou les week-ends lorsque les ressources système sont moins susceptibles d'être en demande.

- Si nécessaire, un noeud Partition ou Echantillon peut être utilisé pour réduire le nombre d'enregistrements inclus dans la passe de formation initiale. Une fois que vous avez réduit les choix à quelques modèles candidats, le jeu de données complet peut être restauré.
- Pour réduire le nombre de zones d'entrée, utilisez la fonction Sélection de fonction. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Sélection de fonction», à la page 51 . Vous pouvez également utiliser vos exécutions de modélisation initiales pour identifier les champs et les options qui méritent d'être explorations. Par exemple, si vos modèles les plus performants semblent tous utiliser les mêmes trois champs, cela indique clairement que ces champs valent la peine d'être utilisés.
- Vous pouvez également limiter le temps passé à estimer un modèle et spécifier les mesures d'évaluation utilisées pour l'affichage et le classement des modèles.

Noeud de modélisation automatisé - Paramètres d'algorithme

Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut pour chaque type de modèle ou sélectionner des options pour chaque type de modèle. Les options sont semblables à celles proposées pour chaque noeud de modélisation, à la seule différence qu'au lieu de choisir un paramètre, vous pouvez en choisir autant que vous le souhaitez à appliquer à la grande majorité des cas. Ainsi, si vous comparez les modèles de réseau de neurones, vous pouvez choisir différentes méthodes d'apprentissage et essayez chaque méthode, avec ou sans valeur de départ aléatoire. Toutes les combinaisons possibles des options sélectionnées seront utilisées, facilitant ainsi la génération des différents modèles dans un seul passage. Faites preuve de prudence car choisir plusieurs paramètres peut entraîner une multiplication rapide du nombre de modèles.

Pour choisir des options pour chaque type de modèle

1. Dans le noeud de modélisation automatique, sélectionnez l'onglet **Expert**.
2. Cliquez dans la colonne **Paramètres du modèle** pour le type de modèle.
3. Dans le menu déroulant, sélectionnez la commande **Spécifier**.
4. Dans la boîte de dialogue **Paramètres d'algorithme**, sélectionnez des options dans la colonne **Options**.

Remarque : D'autres options sont disponibles dans l'onglet Expert de la boîte de dialogue **Paramètres d'algorithme**.

Noeuds de modélisation automatisés - Règles d'arrêt

Les règles d'arrêt définies pour les noeuds modélisation automatisée s'appliquent à l'exécution du noeud entier et non aux différents modèles créés par le noeud.

Restreindre le temps d'exécution global à. Arrête l'exécution après un nombre d'heures spécifié (pour les modèles réseau de neurones, k moyennes, Kohonen, TwoStep, SVM, KNN, réseau Bayes et arbre C&RT uniquement). Tous les modèles générés jusqu'à ce moment-là sont inclus dans le nugget de modèle, mais aucun autre modèle n'est ensuite généré.

Arrêter dès que des modèles valides sont générés. Arrête l'exécution lorsqu'un modèle transmet tous les critères définis dans l'onglet Supprimer (pour le noeud Classificateur automatique ou Cluster automatique) ou dans l'onglet Modèle (pour le noeud Numérisation automatique). Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Classificateur automatique - Options de suppression», à la page 69. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classification - Options de suppression», à la page 78.

Noeud Classificateur automatique

Le noeud Classificateur automatique évalue et compare des modèles pour des cibles nominales (ensemble) ou binaires (oui/non) à l'aide de plusieurs méthodes différentes, vous permettant de tester diverses approches dans une seule passe de modélisation. Vous pouvez sélectionner les algorithmes à utiliser et tester diverses combinaisons d'options. Par exemple, plutôt que de choisir entre la fonction de base radiale ou les méthodes Polynomiale, Sigmoïde ou Linéaire pour un SVM, vous pouvez les essayer toutes. Le noeud explore toutes les combinaisons d'options possibles, classe chaque modèle candidat en fonction de la mesure que vous spécifiez et enregistre les meilleurs modèles à utiliser dans le scoring ou une analyse supplémentaire. Pour plus d'informations, voir Chapitre 5, «Noeuds de modélisation automatisés», à la page 61.

Exemple

Une société possède des données historiques sur les offres faites à des clients spécifiques lors des campagnes passées. Cette société souhaite réaliser des résultats plus rentables en adaptant l'offre à chaque client.

Conditions requises

Un champ cible avec un niveau de mesure *Nominal* ou *Indicateur* (dont le rôle est défini comme **Cible**), et au moins un champ d'entrée (dont le rôle est défini comme **Entrée**). Pour un champ indicateur, la valeur *Vrai* définie pour le champ cible est considérée comme une correspondance lors du calcul des profits, du Lift et des statistiques connexes. Les champs d'entrée peuvent avoir un niveau de mesure *Continu* ou *Catégoriel*, avec les limites impliquant que certaines entrées peuvent ne pas être appropriées à certains types de modèles. Par exemple, les champs ordinaux utilisés comme entrées dans les modèles Arbre C&RT, CHAID et QUEST doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne), et seront ignorés par ces modèles si indication contraire. De la même manière, dans certains cas, les champs d'entrée continus peuvent être discrétisés. Les exigences sont les mêmes que pour les noeuds modélisation individuels ; par exemple, un modèle du réseau Bayes fonctionne de la même façon s'il est généré à partir du noeud du réseau Bayes ou du noeud Classificateur automatique.

Champs de fréquence et de pondération

La fréquence et la pondération sont utilisées pour donner plus d'importance à certains enregistrements ; par exemple, l'utilisateur sait que l'ensemble de données de création sous-représente une section de la population parent (Pondération) ou parce qu'un enregistrement représente un nombre d'observations identiques (Fréquence). S'il cela est indiqué, un champs de fréquence peut être utilisé par les modèles de réseau C&RT, CHAID, QUEST, Liste de décision et Bayes. Un champs de pondération peut être utilisé par les modèles C&RT, CHAID et C5.0. Les autres types de modèles ignoreront ces champs et créeront les modèles de toute façon. Les champs de fréquence et de pondération sont utilisés uniquement pour la création de modèles et ne sont pas pris en compte lors de l'évaluation des modèles. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Préfixes

Si vous associez un noeud table au nugget pour le noeud Classificateur automatique, plusieurs nouvelles variables figurent dans le tableau avec des noms commençant par le préfixe $.

Les noms des champs générés lors du scoring sont basés sur le champ cible, mais avec un préfixe standard. Les différents types de modèles utilisent des ensembles de préfixes distincts.

Par exemple, les préfixes $G, $R, $C sont utilisés comme préfixes des prédictions générées par le modèle linéaire généralisé, le modèle CHAID et le modèle C5.0, respectivement. $X est habituellement généré en utilisant un ensemble, et $XR, $XS et $XF sont utilisés comme préfixes lorsque le champ cible est respectivement de type Continu, Catégoriel ou Indicateur.

$.Les préfixes .C sont utilisés pour la confiance de prévision d'une cible catégorielle ou indicateur ; par exemple, $XFC est utilisé comme préfixe de confiance de prévision de cible d'indicateur d'un ensemble. $RC et $CC sont les préfixes d'une prédiction de niveau de fiabilité pour les modèles CHAID et C5.0, respectivement.

Types de modèle pris en charge

Les types de modèles pris en charge sont Réseau de neurones, Arbre C&RT, QUEST, CHAID, C5.0, Régression logistique, Liste de décision, Bayes Net, Discriminant, Agrégation suivant le saut minimum, SVM, XGBoost Tree et XGBoost-AS. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classificateur automatique - Options expert», à la page 65.

Apprentissage automatique continu

Un inconvénient de la modélisation est que les modèles deviennent obsolètes à la suite des modifications apportées à vos données au fil du temps. Ce phénomène est communément appelé *dérive des modèles* ou *dérive conceptuelle*. Pour y remédier, SPSS Modeler offre une fonction d'apprentissage automatique continu. Cette dernière est disponible pour le noeud Discriminant automatique et les nuggets de modèle de noeud Numérisation automatique.

Noeud Classificateur automatique - Options du modèle

L'onglet Modèle du noeud Classificateur automatique vous permet de préciser le nombre de modèles à créer, ainsi que les critères utilisés pour comparer les modèles.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Effectuer la validation croisée. La validation croisée fournit au modèle un fichier de *données connues* sur lequel effectuer la formation (fichier de formation), et un fichier de *données inconnues* pour tester le modèle (fichier de validation ou fichier de test). L'objectif de la validation croisée est de tester la capacité du modèle à prévoir de nouvelles données qui n'ont pas été utilisées pour l'estimation, afin de mettre en évidence des problèmes tels que le surajustement ou le biais de sélection.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Classer les modèles par. Indique les critères utilisés pour comparer et classer des modèles. Les options comprennent : exactitude générale, zone sous la courbe ROC, profit, Lift et nombre de champs. Notez que toutes ces mesures seront disponibles dans le rapport récapitulatif, quelle que soit la sélection.

Remarque : Pour une cible nominale (ensemble), le classement est limité à **Exactitude globale** ou **Nombre de champs**.

Lors du calcul des profits, du Lift et des statistiques connexes, la valeur *Vrai* définie pour le champ cible est considérée comme une correspondance.

- **Exactitude globale.** Pourcentage d'enregistrements correctement prévus par le modèle par rapport au nombre total d'enregistrements.
- **Zone sous la courbe ROC.** La courbe ROC fournit un index des performances d'un modèle. Plus la courbe se trouve au-dessus de la ligne de référence, plus le test est précis.
- **Profit (Cumulatif).** Somme des profits des centiles cumulatifs (classés selon le degré de confiance de la prévision), calculés en fonction des critères de coût, de recette et de pondération indiqués. En général, le profit démarre autour de zéro pour le centile le plus élevé, augmente régulièrement, puis diminue. Dans un modèle pertinent, les profits affichent un pic bien défini, indiqué avec le centile à l'endroit où il se produit. Si le modèle ne fournit aucune information, la courbe des profits est relativement droite et peut augmenter, diminuer ou se stabiliser en fonction de la structure coût/revenu utilisée.
- **Lift (Cumulatif).** Rapport entre les correspondances des quantiles cumulatifs et l'échantillon global (où les quantiles sont classés selon le degré de confiance de la prévision). Par exemple, une valeur de lift de 3 pour le quantile supérieur indique un taux de correspondance trois fois plus important que pour l'échantillon global. Dans un modèle pertinent, le lift devrait commencer bien au-dessus de 1,0 pour les

quantiles supérieurs, puis chuter autour de cette valeur pour les quantiles inférieurs. Dans un modèle ne fournissant aucune information, le lift reste autour de 1,0.

- **Nombre de champs.** Classe les modèles en fonction du nombre de champs d'entrée utilisés.

Classer les modèles avec. Lorsque vous utilisez une partition, vous pouvez indiquer si les rangs doivent être basés sur le jeu de données d'apprentissage ou sur l'ensemble de test. Lorsque les jeux de données sont volumineux, utiliser une partition pour le filtrage préliminaire des modèles permet d'améliorer considérablement les performances.

Nombre de modèles à utiliser. Indique le nombre maximal de modèles à répertorier dans le nugget de modèle généré par le noeud. Les modèles situés en tête de classement seront répertoriés conformément au critère de classement indiqué. Les performances peuvent être moindres si vous augmentez cette limite. La valeur maximum autorisée est 100.

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance du prédicteur peut augmenter la durée nécessaire pour calculer certains modèles et ce n'est pas recommandé si vous souhaitez effectuer uniquement une large comparaison entre les différents modèles. Elle est plus utile une fois que vous avez réduit votre analyse à quelques modèles que vous souhaitez analyser plus en détail. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Critères de profit. Uniquement pour les cibles indicateur. Le profit est égal au revenu de chaque enregistrement moins le coût de l'enregistrement. Les profits d'un quantile correspondent à la somme des profits de tous ses enregistrements. Les profits sont supposés ne s'appliquer qu'aux correspondances, mais les coûts s'appliquent à tous les enregistrements.

- **Coûts.** Précisez le coût associé à chaque enregistrement. Vous pouvez sélectionner **Fixe** ou **Variable**. Pour les coûts fixes, précisez la valeur du coût. Pour les coûts variables, cliquez sur le sélecteur de champs pour sélectionner un champ comme champ de coût. (L'option **Coûts** n'est pas disponible pour les graphiques ROC.)
- **Recette.** Précisez le revenu associé à chaque enregistrement représentant une occurrence. Vous pouvez sélectionner **Fixe** ou **Variable**. Pour les revenus fixes, précisez la valeur du revenu. Pour les revenus variables, cliquez sur le sélecteur de champs pour sélectionner un champ comme champ de revenu. (L'option **Recette** n'est pas disponible pour les graphiques ROC.)
- **Pondération.** Si les enregistrements de vos données représentent plusieurs unités, vous pouvez utiliser les pondérations de fréquence pour ajuster les résultats. Indiquez la pondération associée à chaque enregistrement, à l'aide des options **Fixe** ou **Variable**. Pour une pondération fixe, précisez la valeur de la pondération (nombre d'unités par enregistrement). Pour une pondération variable, cliquez sur le sélecteur de champs pour sélectionner un champ comme champ de pondération. (L'option **Pondération** n'est pas disponible pour les graphiques ROC.)

Critères de lift. Uniquement pour les cibles indicateur. Indique l'utilisation du centile dans les calculs de lift (augmentation). Vous pouvez également modifier cette valeur lorsque vous comparez les résultats. Pour plus d'informations, voir «Nuggets de modèle automatisés», à la page 78.

Noeud Classificateur automatique - Options expert

L'onglet Expert du noeud Classificateur automatique vous permet d'appliquer une partition (si elle existe), de sélectionner les algorithmes à utiliser et de définir les règles d'arrêt.

Sélectionnez des modèles. Par défaut, tous les modèles sont sélectionnés pour la génération ; cependant, si vous disposez d'Analytic Server, vous pouvez choisir de restreindre les modèles à ceux qui peuvent s'exécuter sur Analytic Server et de les prédéfinir de sorte qu'il génèrent des modèles de scission ou qu'ils soient prêts pour le traitement de jeux de données très volumineux.

Remarque : La génération locale de modèles Analytic Server dans le noeud Classificateur automatique n'est pas prise en charge.

Modèles utilisés. Dans la colonne de gauche, cochez les cases correspondant aux types de modèle (algorithmes) à inclure dans la comparaison. Plus vous sélectionnez de types, plus un nombre important de modèles sont créés et plus le traitement est long.

Type de modèle. Répertorie les algorithmes disponibles (voir ci-dessous).

Paramètres de modèle. Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut pour chaque type de modèle ou sélectionner **Spécifier** pour choisir des options pour chaque type de modèle. Les options sont semblables à celles proposées pour chaque noeud de modélisation. Cependant, vous pouvez sélectionner ici plusieurs options ou combinaisons. Par exemple, si vous comparez des modèles Réseau de neurones, vous pouvez choisir toutes les méthodes d'apprentissage pour apprendre six modèles en une seule étape au lieu de sélectionner chaque méthode indépendamment.

Nombre de modèles. Indique le nombre de modèles générés pour chaque algorithme en fonction des paramètres actuels. Lorsque vous combinez des options, le nombre de modèles peut augmenter rapidement. Il est donc fortement recommandé de surveiller ce nombre, en particulier si vous utilisez des jeux de données volumineux.

Restreindre le temps maximal passé à créer un seul modèle. (Pour les modèles k moyenne, Kohonen, TwoStep, SVM, KNN, Bayes Net et Liste de décision) Définit une limite de temps maximale pour un modèle donné. Par exemple, si l'apprentissage d'un modèle donné prenait un temps particulièrement long du fait d'une interaction complexe, vous ne voudriez pas qu'il ralentisse l'exécution de la modélisation complète.

Remarque : Si la cible est un champ nominal (ensemble), l'option Liste de décision n'est pas disponible.

Algorithmes pris en charge

Le noeud Support Vector Machine (SVM) vous permet de classer les données dans l'un de deux groupes sans surajustement. SVM fonctionne bien avec les grands jeux de données, comme ceux qui disposent d'un très grand nombre de champs d'entrée.

Le noeud *k*-Voisin le plus proche (KNN) associe une nouvelle observation à la catégorie ou à la valeur des objets *k* les plus proches dans l'espace du prédicteur, où *k* est un entier. Les observations semblables sont proches l'une de l'autre et les observations dissemblables sont éloignées l'une de l'autre.

L'analyse discriminante crée des hypothèses plus strictes que la régression logistique mais peut constituer une alternative ou un complément précieux à une analyse de régression logistique lorsque ces hypothèses sont réunies.

Le noeud Réseau Bayésien permet de créer un modèle de probabilité en combinant les preuves observées et enregistrées avec les connaissances réelles pour établir la probabilité des occurrences. Le noeud est axé sur le Tree Augmented Naïve Bayes (TAN) et sur les réseaux Couverture de Markov qui servent principalement à la classification.

Le noeud Liste de décision identifie les sous-groupes, ou les segments, qui présentent une probabilité plus élevée ou plus faible d'un résultat binaire donné par rapport à la population globale. Vous pouvez, par exemple, rechercher les clients qui ont une faible probabilité d'attrition ou ceux qui ont une plus forte probabilité de répondre favorablement à une campagne. Vous pouvez incorporer vos connaissances métier dans le modèle en ajoutant vos propres segments personnalisés et en prévisualisant des modèles alternatifs côte à côte de façon à comparer les résultats. Les modèles Liste de décision se composent d'une liste de règles dans laquelle chaque règle présente une condition et un résultat. Les règles sont appliquées dans l'ordre et la première règle correspondante détermine le résultat.

La régression logistique est une technique statistique de classification des enregistrements sur la base des valeurs des champs d'entrée. Excepté le fait qu'elle utilise un champ cible catégoriel et non pas numérique, cette régression est similaire à la régression linéaire.

Le noeud CHAID génère des arbres de décisions à l'aide des statistiques du khi-deux pour identifier les séparations optimales. Contrairement aux noeuds Arbre C&RT et QUEST, CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

Le noeud QUEST est une méthode de classification supervisée binaire permettant de créer des arbres de décisions, développée pour réduire le temps de traitement nécessaire aux analyses C&R Tree importantes, tout en limitant la tendance, observée parmi les méthodes d'arbre de classification, à favoriser les entrées autorisant un nombre supérieur de divisions. Les champs d'entrée peuvent être des intervalles numériques (continues) mais les champs cible doivent être catégoriels. Toutes les divisions sont binaires.

Le noeud Arbre Classification et Regression (C&RT) génère un arbre de décisions qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme "pur" si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud C5.0 crée un arbre de décisions ou un ensemble de règles. Le fonctionnement de ce modèle repose sur un découpage de l'échantillon basé sur le champ qui fournit le gain d'informations le plus important à chaque niveau. Le champ cible doit être catégoriel. Les divisions multiples en plus de deux sous-groupes sont autorisées.

Le noeud R. neurones est un modèle simplifié de la manière dont le cerveau humain traite les informations. Le fonctionnement de ce modèle repose sur la simulation d'un grand nombre d'unités de traitement simples interconnectées, qui sont en quelque sorte des versions abstraites de nos neurones. Les réseaux de neurones sont de puissants estimateurs de fonctions qui ne requièrent qu'une connaissance limitée en matière de statistiques ou de mathématiques.

Les modèles de régression linéaire prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

Le noeud Linear Support Vector Machine (LSVM) vous permet de classer les données dans l'un de deux groupes sans surajustement. LSVM est linéaire et fonctionne bien avec les grands jeux de données, comme ceux qui disposent d'un très grand nombre d'enregistrements.

Le noeud Random Trees est similaire au noeud C&RT existant ; toutefois, le noeud Random Trees a été conçu pour traiter les données volumineuses afin de créer un arbre unique et affiche le modèle généré dans le Visualiseur de sortie qui a été ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud de l'arbre Random Trees génère un arbre décision qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme *pur* si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud Tree-AS est similaire au schéma existant du noeud existant CHAID. Toutefois, le noeud Tree-AS Forest est conçu pour traiter des données volumineuses afin de créer un arbre unique, et affiche le modèle obtenu dans l'afficheur des résultats ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud génère un arbre décision à l'aide des statistiques du khi-deux (CHAI) pour identifier les séparations optimales. CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

XGBoost Tree est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle d'arbre comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost Tree fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost Tree de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est mis en oeuvre dans Python.

XGBoost© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost-AS de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est implémenté en Spark.

Remarque : Si vous sélectionnez Tree-AS pour l'exécuter sur Analytic Server, il ne parvient pas à générer un modèle s'il existe un noeud Partition en amont. Dans ce cas, pour que le noeud Classificateur automatique fonctionne avec les autres noeuds modélisation sur Analytic Server, désélectionnez le type de modèle Tree-AS.

Coûts de mauvaise réaffectation

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

A l'exception des modèles C5.0, les coûts d'une classification erronée ne s'appliquent lorsque vous évaluez un modèle et ne sont pas pris en compte lors du classement ou de la comparaison de modèles par le biais d'un noeud Classificateur automatique, d'un graphique Evaluation ou d'un noeud Analyse. Il se peut qu'un modèle comprenant des coûts ne produise pas moins d'erreurs qu'un modèle n'en comprenant pas et ne classe pas de façon maximale en termes d'exactitude générale. En revanche, il est probable, qu'en pratique, ses performances soient meilleures du fait qu'il dispose de biais intégrés rendant les erreurs *moins coûteuses*.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Noeud Classificateur automatique - Options de suppression

L'onglet Supprimer du noeud Classificateur automatique vous permet de supprimer automatiquement les modèles qui ne répondent pas à certains critères. Ces modèles ne sont pas répertoriés dans le rapport récapitulatif.

Vous pouvez spécifier un seuil minimal pour l'exactitude globale et un seuil maximal pour le nombre de variables utilisées dans le modèle. En outre, pour les cibles de type indicateur, vous pouvez spécifier un seuil minimal de lift (augmentation), de profit et de zone sous la courbe ; le Lift et le profit sont déterminés comme spécifiés dans l'onglet Modèle. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classificateur automatique - Options du modèle», à la page 64.

Vous pouvez également configurer le noeud pour qu'il interrompe son exécution dès qu'un modèle remplissant tous les critères définis est généré. Pour plus d'informations, voir «Noeuds de modélisation automatisés - Règles d'arrêt», à la page 62.

Noeud Classificateur automatique - Options des paramètres

L'onglet Paramètres du noeud Classificateur automatique permet de préconfigurer les options de temps de score disponibles sur le nugget.

Filtrer des champs générés par des modèles combinés. Supprime de la sortie tous les champs supplémentaires générés par les modèles individuels qui sont intégrés au noeud Ensemble. Cochez cette case si seul le score combiné de tous les modèles d'entrée vous intéresse. Assurez-vous que cette option est désélectionnée si, par exemple, vous voulez utiliser un noeud Analyse ou Evaluation pour comparer la précision du score combiné avec chacun des modèles d'entrée individuels.

Noeud Numérisation automatique

Le noeud Numérisation automatique évalue et compare les résultats d'intervalle numérique connu des modèles à l'aide de plusieurs méthodes différentes, vous permettant de tester diverses approches dans une seule passe de modélisation. Vous pouvez sélectionner les algorithmes à utiliser et tester diverses combinaisons d'options. Par exemple, vous pouvez prévoir des valeurs immobilières par le biais des modèles de réseau de neurones, de régression linéaire, de C&RT et de CHAID et voir les meilleurs résultats. Vous pouvez également essayer différentes combinaisons de méthodes de régression Pas à pas, Ascendante et Descendante. Le noeud explore toutes les combinaisons d'options possibles, classe chaque modèle candidat en fonction de la mesure que vous spécifiez et enregistre le meilleur à utiliser dans le scoring ou une analyse supplémentaire. Pour plus d'informations, voir Chapitre 5, «Noeuds de modélisation automatisés», à la page 61.

Exemple

Une municipalité souhaite pouvoir évaluer de façon plus précise les taxes immobilières et ajuster les valeurs de certaines propriétés sans avoir à vérifier toutes les propriétés. Par le biais du noeud Numérisation automatique, l'analyste va pouvoir générer et comparer des modèles qui prévoient les valeurs de propriétés selon le type de construction, le voisinage, la taille et d'autres facteurs connus.

Conditions requises

Un champ cible unique (dont le rôle est défini comme **Cible**), et au moins un champ d'entrée (dont le rôle est défini comme **Entrée**). La cible doit être un champ continu (intervalle numérique), tel que *âge* ou *revenu*. Les champs d'entrée peuvent être des champs continus ou des champs catégoriels. Néanmoins, certaines entrées peuvent ne pas être adaptées à certains types de modèles. Par exemple, les modèles d'arbre C&RT peuvent utiliser des champs catégoriels de type chaîne comme entrées, tandis que les modèles de régression linéaire ne peuvent utiliser ces champs et les ignoreront selon l'indication. Les conditions requises sont les mêmes que celles des noeuds modélisation individuels. Par exemple, un modèles CHAID fonctionne de la même manière s'il est généré à partir d'un noeud CHAID ou d'un noeud Numérisation automatique.

Champs de fréquence et de pondération

La fréquence et la pondération sont utilisées pour donner plus d'importance à certains enregistrements ; par exemple, l'utilisateur sait que l'ensemble de données de création sous-représente une section de la population parent (Pondération) ou parce qu'un enregistrement représente un nombre d'observations identiques (Fréquence). Si cela est indiqué, les algorithmes CHAID et d'arbre C&RT peuvent utiliser un champ de fréquence. Un champs de pondération peut être utilisé par les algorithmes C&RT, CHAID, de régression et GenLin. Les autres types de modèles ignoreront ces champs et créeront les modèles de toute façon. Les champs de fréquence et de pondération sont utilisés uniquement pour la création de modèles et ne sont pas pris en compte lors de l'évaluation des modèles. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Préfixes

Si vous associez un noeud table au nugget pour le noeud Numérisation automatique, plusieurs nouvelles variables figurent dans le tableau avec des noms commençant par le préfixe $.

Les noms des champs générés lors du scoring sont basés sur le champ cible, mais avec un préfixe standard. Les différents types de modèles utilisent des ensembles de préfixes distincts.

Par exemple, les préfixes $G, $R, $C sont utilisés comme préfixes des prédictions générées par le modèle linéaire généralisé, le modèle CHAID et le modèle C5.0, respectivement. $X est habituellement généré en utilisant un ensemble, et $XR, $XS et $XF sont utilisés comme préfixes lorsque le champ cible est respectivement de type Continu, Catégoriel ou Indicateur.

$.Les préfixes .E sont utilisés pour la confiance de prévision d'une cible continue ; par exemple, $XRE est utilisé pour la confiance de prévision de cible continue d'un ensemble. $GE est le préfixe du niveau de fiabilité d'une prédiction pour un modèle linéaire généralisé.

Types de modèle pris en charge

Les types de modèles pris en charge sont Réseau de neurones, Arbre C&RT, CHAID, Régression, GenLin, Agrégation suivant le saut minimum, SVM, XGBoost Linear, GLE et XGBoost-AS. Pour plus d'informations, voir «Noeud Numérisation automatique - Options expert», à la page 72.

Apprentissage automatique continu

Un inconvénient de la modélisation est que les modèles deviennent obsolètes à la suite des modifications apportées à vos données au fil du temps. Ce phénomène est communément appelé *dérive des modèles* ou *dérive conceptuelle*. Pour y remédier, SPSS Modeler offre une fonction d'apprentissage automatique continu. Cette dernière est disponible pour le noeud Discriminant automatique et les nuggets de modèle de noeud Numérisation automatique.

Options de modèle du noeud Numérisation automatique

L'onglet Modèle du noeud Numérisation automatique vous permet de préciser le nombre de modèles à enregistrer, ainsi que les critères utilisés pour comparer les modèles.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Effectuer la validation croisée. La validation croisée fournit au modèle un fichier de *données connues* sur lequel effectuer la formation (fichier de formation), et un fichier de *données inconnues* pour tester le modèle (fichier de validation ou fichier de test). L'objectif de la validation croisée est de tester la capacité du modèle à prévoir de nouvelles données qui n'ont pas été utilisées pour l'estimation, afin de mettre en évidence des problèmes tels que le surajustement ou le biais de sélection.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Classer les modèles par. Indique les critères utilisés pour comparer des modèles.

- **Corrélation.** La corrélation de Pearson entre la valeur observée pour chaque enregistrement et la valeur prédite par le modèle. La corrélation est une mesure d'association linéaire entre deux variables, avec des valeurs plus proches de 1 indiquant une relation plus forte. (Les valeurs de corrélation sont comprises entre -1, pour une relation négative parfaite, et +1, pour une relation positive parfaite. La valeur 0 indique qu'il n'existe aucune relation linéaire, tandis qu'un modèle affectée d'une corrélation négative se trouvera au rang le plus bas).
- **Nombre de champs.** Le nombre de champs utilisés comme prédicteurs dans le modèle. Choisir des modèles qui utilisent moins de champs peut simplifier la préparation des données voire améliorer les performances dans certains cas.
- **Erreur relative.** L'erreur relative est le rapport entre la variance des valeurs observées à partir des valeurs prédites par le modèle et la variance des valeurs observées à partir de la moyenne. En pratique, il compare les performances du modèle par rapport à un modèle **à valeur nulle** ou **à constantes** qui renvoie simplement la valeur moyenne du champ cible comme prévision. Pour un modèle performant, cette valeur doit être inférieure à 1, indiquant que le modèle est plus précis que le modèle à valeur nulle. Un modèle comportant une erreur relative supérieure à 1 est moins précis que le modèle à valeur nulle et il est donc moins utile. Dans le cas des modèles de régression linéaire, l'erreur relative est égale au carré de la corrélation et n'ajoute aucune information nouvelle. Dans le cas des modèles non linéaires, l'erreur relative n'est pas liée à la corrélation et fournit une mesure supplémentaire pour évaluer les performances du modèle.

Classer les modèles avec. Lorsque vous utilisez une partition, vous pouvez indiquer si les rangs doivent être basés sur l'ensemble de données d'apprentissage ou sur une partition de tests. Lorsque les jeux de données sont volumineux, utiliser une partition pour le filtrage préliminaire des modèles permet d'améliorer considérablement les performances.

Nombre de modèles à utiliser. Indique le nombre maximal de modèles à afficher dans le nugget de modèle généré par le noeud. Les modèles situés en tête de classement seront répertoriés conformément au critère de classement indiqué. Augmenter cette limite vous permet de comparer des résultats pour plusieurs modèles mais peut ralentir les performances. La valeur maximum autorisée est 100.

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance du prédicteur peut augmenter la durée nécessaire pour calculer certains modèles et ce n'est pas recommandé si vous souhaitez effectuer uniquement une large comparaison entre les différents modèles. Elle est plus utile une fois que vous avez réduit votre analyse à quelques modèles que vous souhaitez analyser plus en détail. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Ne pas conserver les modèles si. Indique les valeurs de seuil pour la corrélation, l'erreur relative et le nombre de champs. Les modèles qui ne correspondent pas à ces critères seront supprimés et ne seront pas répertoriés dans le rapport récapitulatif.

- **Corrélation inférieure à.** La corrélation minimum (en termes de valeur absolue) pour un modèle à inclure dans le rapport récapitulatif.
- **Le nombre de champs est supérieur à.** Le nombre maximum de champs à utiliser par un modèle à inclure.
- **L'erreur relative est supérieure à.** L'erreur relative maximum d'un modèle à inclure.

Vous pouvez également configurer le noeud pour qu'il interrompe son exécution dès qu'un modèle remplissant tous les critères définis est généré. Pour plus d'informations, voir «Noeuds de modélisation automatisés - Règles d'arrêt», à la page 62.

Noeud Numérisation automatique - Options expert

L'onglet Expert du noeud Numérisation automatique vous permet de sélectionner les algorithmes et les options à utiliser pour déterminer les règles d'arrêt.

Sélectionnez des modèles. Par défaut, tous les modèles sont sélectionnés pour la génération ; cependant, si vous disposez d'Analytic Server, vous pouvez choisir de restreindre les modèles à ceux qui peuvent s'exécuter sur Analytic Server et de les prédéfinir de sorte qu'il génèrent des modèles de scission ou qu'ils soient prêts pour le traitement de jeux de données très volumineux.

Remarque : La génération locale de modèles Analytic Server dans le noeud Numérisation automatique n'est pas prise en charge.

Modèles utilisés. Dans la colonne de gauche, cochez les cases correspondant aux types de modèle (algorithmes) à inclure dans la comparaison. Plus vous sélectionnez de types, plus un nombre important de modèles sont créés et plus le traitement est long.

Type de modèle. Répertorie les algorithmes disponibles (voir ci-dessous).

Paramètres de modèle. Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut pour chaque type de modèle ou sélectionner **Spécifier** pour choisir des options pour chaque type de modèle. Les options sont semblables à celles proposées pour chaque noeud de modélisation. Cependant, vous pouvez sélectionner ici plusieurs options ou combinaisons. Par exemple, si vous comparez des modèles Réseau de neurones, vous pouvez choisir toutes les méthodes d'apprentissage pour apprendre six modèles en une seule étape au lieu de sélectionner chaque méthode indépendamment.

Nombre de modèles. Indique le nombre de modèles générés pour chaque algorithme en fonction des paramètres actuels. Lorsque vous combinez des options, le nombre de modèles peut augmenter rapidement. Il est donc fortement recommandé de surveiller ce nombre, en particulier si vous utilisez des jeux de données volumineux.

Restreindre le temps maximal passé à créer un seul modèle. (Pour les modèles k moyenne, Kohonen, TwoStep, SVM, KNN, Bayes Net et Liste de décision) Définit une limite de temps maximale pour un modèle donné. Par exemple, si l'apprentissage d'un modèle donné prenait un temps particulièrement

long du fait d'une interaction complexe, vous ne voudriez pas qu'il ralentisse l'exécution de la modélisation complète.

Algorithmes pris en charge

Le noeud R. neurones est un modèle simplifié de la manière dont le cerveau humain traite les informations. Le fonctionnement de ce modèle repose sur la simulation d'un grand nombre d'unités de traitement simples interconnectées, qui sont en quelque sorte des versions abstraites de nos neurones. Les réseaux de neurones sont de puissants estimateurs de fonctions qui ne requièrent qu'une connaissance limitée en matière de statistiques ou de mathématiques.

Le noeud Arbre Classification et Regression (C&RT) génère un arbre de décisions qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme "pur" si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud CHAID génère des arbres de décisions à l'aide des statistiques du khi-deux pour identifier les séparations optimales. Contrairement aux noeuds Arbre C&RT et QUEST, CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

La régression linéaire est une technique statistique couramment utilisée dans le domaine de la synthèse de données et de la prévision. Cette technique établit une ligne droite ou une surface afin de réduire les écarts entre les valeurs de sortie prévues et observées.

La procédure Modèles linéaires généralisés développe le modèle linéaire général de sorte que la variable dépendante soit linéairement reliée aux facteurs et covariables via une fonction de lien précise. En outre, le modèle permet à la variable dépendante de suivre une distribution non normale. Il couvre les fonctionnalités d'un grand nombre de modèles statistiques, notamment le modèle de régression linéaire, le modèle de régression logistique, le modèle log-linéaire pour les données d'effectif et le modèle de survie avec censure par intervalle.

Le noeud *k*-Voisin le plus proche (KNN) associe une nouvelle observation à la catégorie ou à la valeur des objets *k* les plus proches dans l'espace du prédicteur, où *k* est un entier. Les observations semblables sont proches l'une de l'autre et les observations dissemblables sont éloignées l'une de l'autre.

Le noeud Support Vector Machine (SVM) vous permet de classer les données dans l'un de deux groupes sans surajustement. SVM fonctionne bien avec les grands jeux de données, comme ceux qui disposent d'un très grand nombre de champs d'entrée.

Les modèles de régression linéaire prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

Le noeud Linear Support Vector Machine (LSVM) vous permet de classer les données dans l'un de deux groupes sans surajustement. LSVM est linéaire et fonctionne bien avec les grands jeux de données, comme ceux qui disposent d'un très grand nombre d'enregistrements.

Le noeud Random Trees est similaire au noeud C&RT existant ; toutefois, le noeud Random Trees a été conçu pour traiter les données volumineuses afin de créer un arbre unique et affiche le modèle généré dans le Visualiseur de sortie qui a été ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud de l'arbre Random Trees génère un arbre décision qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme *pur* si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud Tree-AS est similaire au schéma existant du noeud existant CHAID. Toutefois, le noeud Tree-AS Forest est conçu pour traiter des données volumineuses afin de créer un arbre unique, et affiche le modèle obtenu dans l'afficheur des résultats ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud génère un arbre décision à l'aide des statistiques du khi-deux (CHAI) pour identifier les séparations optimales. CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

XGBoost Linear© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle linéaire comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. Le noeud XGBoost Linear de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python.

Un GLE élargit le modèle linéaire de sorte que la cible puisse avoir une distribution non normale, qu'elle soit liée linéairement aux facteurs et covariables via une fonction de lien spécifiée, et que les observations puissent être corrélées. Les modèles mixtes linéaires généralisés couvrent une large variété de modèles, depuis les modèles de régression linéaire simple aux modèles multi-niveaux complexes destinés aux données longitudinales non normales.

XGBoost© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost-AS de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est implémenté en Spark.

Noeud Numérisation automatique - Options des paramètres

L'onglet Paramètres du noeud Numérisation automatique vous permet de préconfigurer les options de temps de score disponibles sur le nugget.

Filtrer des champs générés par des modèles combinés. Supprime de la sortie tous les champs supplémentaires générés par les modèles individuels qui sont intégrés au noeud Ensemble. Cochez cette case si seul le score combiné de tous les modèles d'entrée vous intéresse. Assurez-vous que cette option est désélectionnée si, par exemple, vous voulez utiliser un noeud Analyse ou Evaluation pour comparer la précision du score combiné avec chacun des modèles d'entrée individuels.

Calculer l'erreur standard. Pour une cible continue (intervalle numérique), un calcul d'erreur standard est exécuté par défaut pour calculer la différence entre les valeurs mesurées ou estimées et les valeurs réelles, et pour montrer la correspondance proche de ces évaluations.

Noeud cluster automatique

Le noeud Cluster automatique évalue et compare les modèles de classification identifiant des groupes d'enregistrement ayant des caractéristiques similaires. Le noeud fonctionne de la même manière que les autres noeuds modélisation automatiques, vous permettant de tester plusieurs combinaisons d'options en une seule passe de modélisation. Les modèles peuvent être comparés à l'aide de mesures de bases permettant d'essayer de filtrer et de classer l'utilité des modèles de classification et de fournir une mesure en fonction de l'importance de champs particuliers.

Les modèles de classification sont souvent utilisés pour identifier les groupes pouvant être utilisés comme entrées dans des analyses ultérieures. Par exemple, vous voulez peut-être cibler des groupes de clients en fonction de caractéristiques démographiques telles que le revenu, ou des services qu'ils ont acheté dans le passé. Ceci peut être effectué sans connaître auparavant les groupes et leurs caractéristiques -- vous ne savez peut-être pas combien de groupes rechercher ou quelles fonctions utiliser dans leur définition. Les modèles de classification sont souvent appelés modèles d'apprentissage non supervisé car ils n'utilisent pas de champ cible et ne renvoient pas de prédiction spécifique pouvant être évaluée comme vraie ou fausse. La valeur d'un modèle de classification est déterminée par sa capacité à capturer des groupements intéressants dans les données et à fournir des descriptions utiles de ces mêmes groupements. Pour plus d'informations, voir Chapitre 11, «Modèles de classification», à la page 239.

Conditions requises. Un ou plusieurs champs définissant des caractéristiques intéressantes. Les modèles de classification n'utilisent pas de champs cibles de la même manière que d'autres modèles car ils ne font pas de prédictions spécifiques pouvant être évaluées comme vraies ou fausses. Ils sont plutôt utilisés pour identifier des groupes d'observations pouvant être liés. Par exemple, vous ne pouvez pas utiliser un modèle de classification pour prédire si un client donné refusera ou répondra à une offre. Mais vous pouvez utiliser un modèle de classification pour attribuer des clients à des groupes en fonction de leur tendance à faire cela. Les champs de pondération et de fréquence ne sont pas utilisés.

Champs d'évaluation. Quand aucune cible n'est utilisée, vous pouvez facultativement spécifier un ou plusieurs champs d'évaluation à utiliser pour comparer les modèles. L'utilité d'un modèle de classification peut être évaluée en mesurant la qualité (ou la mauvaise qualité) avec laquelle les clusters différencient ces champs.

Types de modèle pris en charge

Les types de modèle pris en charge comprennent TwoStep, k moyenne, Kohonen, SVM à classe unique et K moyenne AS.

Noeud Classification - Options du modèle

L'onglet Modèle du noeud Cluster automatique vous permet de préciser le nombre de modèles à enregistrer, ainsi que les critères utilisés pour comparer les modèles.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Classer les modèles par. Indique les critères utilisés pour comparer et classer des modèles.

- **Silhouette.** Index mesurant la cohésion et la séparation des clusters. Reportez-vous à *Mesure de classement de la silhouette* ci-dessous pour plus d'informations.
- **Nombre de clusters.** Le nombre de clusters utilisées dans le modèle.
- **Taille du plus petit cluster.** La plus petite taille de cluster.
- **Taille du plus grand cluster.** La plus grande taille de cluster.
- **Plus petit / plus grand cluster.** Rapport de la taille du plus petit cluster sur le plus grand cluster.
- **Importance.** L'importance du champ **Evaluation** sur l'onglet **Champs**. Remarque : cela ne peut être calculé que si un champ **Evaluation** a été spécifié.

Classer les modèles avec. Lorsque vous utilisez une partition, vous pouvez indiquer si les rangs doivent être basés sur l'ensemble de données d'apprentissage ou sur l'ensemble de test. Lorsque les jeux de données sont volumineux, utiliser une partition pour le filtrage préliminaire des modèles permet d'améliorer considérablement les performances.

Nombre de modèles à conserver. Indique le nombre maximal de modèles à répertorier dans le nugget généré par le noeud. Les modèles situés en tête de classement seront répertoriés conformément au critère de classement indiqué. Les performances peuvent être moindres si vous augmentez cette limite. La valeur maximum autorisée est 100.

Mesure de classement de la silhouette

La mesure de classement par défaut, Silhouette, possède une valeur par défaut de 0 car une valeur inférieure à 0 (c.à.d. négative) indique que la distance moyenne entre une observation et des points dans son cluster attribué est supérieure à la distance moyenne minimale aux points dans un autre cluster. Par conséquent, des modèles ayant une silhouette négative peuvent être supprimés en toute sécurité.

La mesure du classement est en réalité un coefficient de silhouette modifié, qui combine les concepts de cohésion de cluster (favorisant des modèles qui contiennent des clusters étroitement cohérents) et de séparation de cluster (favorisant des modèles qui contiennent des clusters largement séparés). Le coefficient de silhouette moyen représente simplement la moyenne de toutes les observations du calcul suivant pour chaque observation individuelle :

$(B - A) / \max(A, B)$

où A représente la distance de l'observation au centre de gravité du cluster auquel l'observation appartient ; et où B représente la distance minimale de l'observation au centre de gravité de chacun des autres clusters.

Le coefficient de silhouette (et sa moyenne) est compris entre -1 (indiquant un modèle médiocre) et 1 (indiquant un excellent modèle). La moyenne peut être effectuée au niveau de la totalité des observations (ce qui donne la silhouette complète) ou au niveau des clusters (ce qui donne la silhouette de cluster). Les distances peuvent être calculées à l'aide des distances euclidiennes.

Noeud Classification - Options expert

L'onglet Expert du noeud Cluster automatique vous permet d'appliquer une partition (si elle existe), de sélectionner les algorithmes à utiliser et de définir les règles d'arrêt.

Sélectionnez des modèles. Par défaut, tous les modèles sont sélectionnés pour la génération ; cependant, si vous disposez d'Analytic Server, vous pouvez choisir de restreindre les modèles à ceux qui peuvent s'exécuter sur Analytic Server et de les prédéfinir de sorte qu'il génèrent des modèles de scission ou qu'ils soient prêts pour le traitement de jeux de données très volumineux.

Remarque : La génération locale de modèles Analytic Server dans le noeud Cluster automatique n'est pas prise en charge.

Modèles utilisés. Dans la colonne de gauche, cochez les cases correspondant aux types de modèle (algorithmes) à inclure dans la comparaison. Plus vous sélectionnez de types, plus un nombre important de modèles sont créés et plus le traitement est long.

Type de modèle. Répertorie les algorithmes disponibles (voir ci-dessous).

Paramètres de modèle. Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut pour chaque type de modèle ou sélectionner **Spécifier** pour choisir des options pour chaque type de modèle. Les options sont semblables à celles proposées pour chaque noeud de modélisation. Cependant, vous pouvez sélectionner ici plusieurs options ou combinaisons. Par exemple, si vous comparez des modèles Réseau de neurones, vous pouvez choisir toutes les méthodes d'apprentissage pour apprendre six modèles en une seule étape au lieu de sélectionner chaque méthode indépendamment.

Nombre de modèles. Indique le nombre de modèles générés pour chaque algorithme en fonction des paramètres actuels. Lorsque vous combinez des options, le nombre de modèles peut augmenter rapidement. Il est donc fortement recommandé de surveiller ce nombre, en particulier si vous utilisez des jeux de données volumineux.

Restreindre le temps maximal passé à créer un seul modèle. (Pour les modèles k moyenne, Kohonen, TwoStep, SVM, KNN, Bayes Net et Liste de décision) Définit une limite de temps maximale pour un modèle donné. Par exemple, si l'apprentissage d'un modèle donné prenait un temps particulièrement long du fait d'une interaction complexe, vous ne voudriez pas qu'il ralentisse l'exécution de la modélisation complète.

Algorithmes pris en charge

Le noeud k moyenne classe l'ensemble de données dans différents groupes (ou clusters). La méthode définit un nombre de clusters fixe, affecte à plusieurs reprises des enregistrements à des clusters et ajuste les centres de cluster, jusqu'à ce que le modèle ne puisse plus être amélioré. Au lieu de tenter de prédire un résultat, le modèle *k*-means utilise un processus connu sous le nom d'apprentissage non supervisé pour découvrir des tendances dans l'ensemble de champs d'entrée.

Le noeud Kohonen génère un type de réseau de neurones qui peut être utilisé pour classer les données en groupes distincts. Lorsque l'apprentissage du réseau est terminé, les enregistrements similaires doivent être regroupés dans la connexion de sortie, tandis que les enregistrements différents sont à l'opposé. Vous pouvez étudier le nombre d'observations capturées par chaque unité du nugget de modèle afin d'identifier les unités fortes. Vous pouvez ainsi vous faire une idée du nombre de clusters approprié.

Le noeud TwoStep utilise une méthode de classification non supervisée en deux étapes. La première étape consiste en une exploration des données visant à compresser les données d'entrée brutes en sous-clusters plus faciles à manipuler. Au cours de la seconde étape, l'utilisation d'une méthode de classification hiérarchique permet de fusionner progressivement les sous-clusters en clusters de plus en plus importants. La technique TwoStep a l'avantage d'évaluer automatiquement le nombre de clusters optimal pour les données d'apprentissage. Il peut prendre en charge de manière efficace des types de champ mixtes et des jeux de données volumineux.

Le noeud SVM à classe unique utilise un algorithme d'apprentissage non supervisé dédié principalement à la détection des nouveautés. Il détecte la limite douce d'un ensemble d'échantillons donné, pour ensuite classifier les nouveaux points comme appartenant à cet ensemble ou pas. Ce noeud de modélisation SVM à classe unique de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`.

K moyenne est l'un des algorithmes de cluster les plus couramment utilisés. Il regroupe des points de données au sein d'un certain nombre de clusters prédéfinis. Le noeud K moyenne AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark. Pour plus d'informations sur les algorithmes K moyenne, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/ml-clustering.html. Notez que le noeud K moyenne AS effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

Noeud Classification - Options de suppression

L'onglet Supprimer du noeud Cluster automatique vous permet de supprimer automatiquement les modèles qui ne répondent pas à certains critères. Ces modèles ne sont pas répertoriés dans le nugget de modèle.

Vous pouvez spécifier la valeur minimale de la silhouette, le nombre de clusters, la taille des clusters et l'importance du champ d'évaluation utilisé dans le modèle. La silhouette, le numéro et la taille des clusters sont déterminés comme spécifié dans le noeud de modélisation. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classification - Options du modèle», à la page 75.

Vous pouvez également configurer le noeud pour qu'il interrompe son exécution dès qu'un modèle remplissant tous les critères définis est généré. Pour plus d'informations, voir «Noeuds de modélisation automatisés - Règles d'arrêt», à la page 62.

Nuggets de modèle automatisés

Quand un noeud de modélisation automatisé est exécuté, le noeud évalue des modèles candidats pour toutes les combinaisons d'options possibles, classe chaque modèle candidat en fonction de la mesure que vous spécifiez et enregistre les meilleurs modèles dans un nugget de modèle automatisé composite. Ce nugget de modèle contient un ensemble d'un ou plusieurs modèles générés par le noeud, pouvant être parcourus ou sélectionnés individuellement pour une utilisation dans un scoring. Le type de modèle et le moment de création sont répertoriés pour chaque modèle, ainsi que plusieurs autres mesures adaptées au type de modèle. Vous pouvez trier le tableau en fonction de n'importe laquelle de ces colonnes pour identifier rapidement les modèles les plus intéressants.

- Pour rechercher l'un des nuggets de modélisation individuels, double-cliquez sur l'icône du nugget. Vous pouvez alors générer un noeud de modélisation pour ce modèle dans le canevas de flux ou une copie du nugget de modèle dans la palette des modèles.
- Les graphiques en miniature proposent une évaluation visuelle rapide pour chaque type de modèle, comme résumé ci-dessous. Vous pouvez double-cliquer sur une miniature pour générer un graphique en grandeur nature. Le graphique grandeur nature peut afficher jusqu'à 1 000 points et se basera sur un échantillon si l'ensemble de données en contient davantage. (Dans le cas des nuages de points uniquement, le graphique est régénéré à chaque fois qu'il s'affiche ; aussi, tout changement des données en amont, telles que la mise à jour d'un échantillon aléatoire si l'option **Définir une valeur de départ aléatoire** n'est pas sélectionnée pourra se refléter à chaque fois que le nuage de points est redessiné.)
- Utilisez la barre d'outils pour afficher ou masquer des colonnes précises dans l'onglet Modèle ou pour modifier la colonne de tri du tableau. (Pour modifier le critère de tri, vous pouvez également cliquer sur les en-têtes de colonne.)
- Utilisez le bouton Supprimer pour supprimer de façon permanente tous les modèles non utilisés.
- Pour réorganiser les colonnes, cliquez sur un en-tête de colonne puis faites glisser la colonne vers l'emplacement de votre choix.
- Si vous utilisez une partition, vous pouvez afficher les résultats de la partition d'apprentissage ou de test, selon le cas.

Les colonnes indiquées dépendent du type de modèle comparé, comme suit :

Cibles binaires

- Dans le cas des modèles binaires, le graphique en miniature affiche la distribution des valeurs réelles, superposées aux valeurs prédites, pour fournir une indication visuelle rapide du nombre d'enregistrements prédits correctement dans chacune des catégories.
- Les critères de classement correspondent aux options dans le noeud de modélisation Classificateur automatique. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classificateur automatique - Options du modèle», à la page 64.
- Pour le profit maximal, le centile où le maximum est atteint est également signalé.
- Pour les graphiques de lift cumulatifs, vous pouvez modifier le centile sélectionné via la barre d'outils.

Cibles nominales

- Dans le cas des modèles nominaux (ensemble), le graphique en miniature affiche la distribution des valeurs réelles, superposées aux valeurs prédites, pour fournir une indication visuelle rapide du nombre d'enregistrements prédits correctement dans chacune des catégories.
- Les critères de classement correspondent aux options dans le noeud de modélisation Classificateur automatique. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classificateur automatique - Options du modèle», à la page 64.

Cibles continues

- Dans le cas des modèles continus (intervalle numérique), les graphiques fournissent un tracé comparatif des valeurs prédites et des valeurs observées pour chaque modèle, offrant ainsi une indication visuelle immédiate de leur corrélation. Pour un modèle performant, les points devraient être regroupés le long de la diagonale plutôt que dispersés de façon aléatoire dans le graphique.
- Les critères de classement correspondent aux options dans le noeud de modélisation Numérisation automatique. Pour plus d'informations, voir «Options de modèle du noeud Numérisation automatique», à la page 71.

Cibles de cluster

- Dans le cas de modèles de cluster, les graphiques sont comptés par rapport aux clusters de chaque modèle, ce qui fournit une aperçu visuel rapide de la distribution de cluster.
- Les critères de classement correspondent aux options dans le noeud de modélisation Cluster automatique. Pour plus d'informations, voir «Noeud Classification - Options du modèle», à la page 75.

Sélection de modèles pour le scoring

La colonne **Utiliser ?** vous permet de sélectionner des modèles à utiliser dans le scoring.

- Pour les cibles binaires, nominales et numériques, vous pouvez sélectionner plusieurs modèles de scoring et combiner les scores dans un nugget de modèle sous forme d'ensemble unique. En combinant des prévisions à partir de différents modèles, vous pouvez éviter les limites des modèles individuels, vous permettant ainsi d'obtenir une plus grande exactitude globale de chacun des modèles.
- Pour les modèles de classification, un seul modèle de scoring peut être sélectionné à la fois. Par défaut, le premier du classement est sélectionné en premier.

Génération de noeuds et de modèles

Vous pouvez générer une copie du nugget de modèle automatisé composite ou du noeud de modélisation automatisé à partir duquel il a été créé. Par exemple, cela peut s'avérer utile si vous ne disposez pas du flux d'origine à partir duquel le nugget de modèle automatisé a été créé. Vous pouvez aussi générer un nugget ou un noeud de modélisation pour tous les modèles individuels répertoriés dans le nugget de modèle automatisé.

Nugget de modélisation automatisé

Dans le menu Générer, sélectionnez **Modèle vers palette** pour ajouter le nugget de modèle automatisé à la palette Modèles. Vous pouvez enregistrer ou utiliser le modèle généré tel qu'il est, sans réexécuter le flux.

Vous pouvez également sélectionner **Générer un noeud de modélisation** dans le menu Générer pour ajouter le noeud de modélisation au canevas de flux. Ce noeud permet de réestimer les modèles sélectionnés sans répéter toute l'exécution de la modélisation.

Nugget de modélisation individuel

1. Dans le menu **Modèle**, double-cliquez sur le nugget individuel dont vous avez besoin. Une copie de ce nugget s'ouvre dans une nouvelle boîte de dialogue.
2. Dans le menu Générer, sélectionnez **Modèle vers palette** pour ajouter le nugget de modélisation individuel à la palette Modèles.
3. Vous pouvez également sélectionner **Générer un noeud de modélisation** dans le menu Générer dans la nouvelle boîte de dialogue pour ajouter le noeud de modélisation individuel au canevas de flux.

Génération de graphiques Evaluation

Pour les modèles binaires uniquement, vous pouvez générer des graphiques d'évaluation qui offrent un affichage visuel pour évaluer et comparer les performances de chaque modèle. Les graphiques d'évaluation ne sont pas disponibles pour les modèles générés à partir des noeuds Numérisation automatique ou Cluster automatique.

1. Dans la colonne *Utiliser ?* du nugget de modèle automatisé Classificateur automatique, sélectionnez les modèles que vous souhaitez évaluer.
2. Dans le menu Générer, sélectionnez **Evaluation Chart(s)**. La boîte de dialogue Graphique d'évaluation apparaît.
3. Sélectionnez le type de graphique et les autres options souhaitées.

Graphiques Evaluation

Dans l'onglet Modèle du nugget de modèle automatisé, vous pouvez faire défiler les résultats pour afficher des graphiques individuels pour chacun des modèles affichés. Pour les nuggets Classificateur automatique et Numérisation automatique, l'onglet Graphique affiche un graphique et l'importance des prédicteurs qui reflètent tous deux les résultats de tous les modèles combinés. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Pour Classificateur automatique, un graphique de distribution est affiché où des courbes (aussi appelées nuage de points) sont affichées pour la Numérisation automatique.

Chapitre 6. arbres de décisions

Modèles d'arbre de décisions

Utilisez les modèles d'arbres de décision pour développer des systèmes de classification prévoyant ou classant les observations futures à partir d'un ensemble de règles de décision. Si vos données sont divisées en classes qui vous intéressent (par exemple, rapport prêts à haut risque, prêts à faible risque, abonnés/non-abonnés, votants/abstentionnistes, ou types de bactérie), vous pouvez les utiliser pour construire des règles qui permettront de classer les observations anciennes ou nouvelles avec une exactitude maximale. Par exemple, vous pouvez construire un arbre qui classe le risque de crédit ou l'intention d'achat en fonction de l'âge et d'autres facteurs.

Cette approche, parfois nommée *induction de règle*, présente plusieurs avantages. Tout d'abord, le raisonnement qui sous-tend le modèle apparaît de façon très claire lorsque vous parcourez l'arbre, ce qui n'est pas le cas avec certaines méthodes de modélisation, qualifiées de *boîtes noires* dont il est parfois difficile de saisir la logique interne.

En outre, le processus inclut automatiquement dans sa règle les attributs ayant une influence sur la prise de décision. Les autres attributs sont alors ignorés. Vous pouvez ainsi obtenir des informations très utiles sur les données et les utiliser pour que les champs pertinents apparaissent avant de vous familiariser avec une autre technique d'apprentissage, telle que le réseau de neurones.

Les nuggets de modèle d'arbre décision peuvent être convertis en une suite de règles If-Then (un *ensemble de règles*), permettant souvent d'afficher les informations de manière plus intelligible. La présentation de l'arbre décision permet de visualiser la façon dont les attributs dans les données peuvent *fractionner* ou *partitionner* la population en sous-ensembles pertinents. La sortie du noeud Tree-AS est différente de celle des autres noeuds d'arbre de décisions car elle inclut une liste des règles directement dans le nugget sans qu'il soit nécessaire de créer un ensemble de règles. La présentation de l'ensemble de règles est utile pour voir comment un groupe d'éléments particulier aboutit à une conclusion spécifique. Par exemple, la règle suivante fournit le *profil* d'un groupe de voitures de bon rapport qualité-prix :

```
IF testé = 'oui'
AND kilométrage = 'faible'
THEN -> 'ACHETER'.
```

Algorithmes de création d'arbre

Plusieurs algorithmes permettent d'analyser la classification et l'analyse de segmentation. Ils procèdent tous quasiment de la même façon : ils examinent tous les champs de l'ensemble de données pour rechercher celui qui aboutit à la meilleure classification ou prévision lors de la division des données en sous-groupes. Le processus est appliqué de manière récursive : les sous-groupes sont divisés en unités de plus en plus petites jusqu'à ce que l'arbre soit terminé (en fonction de critères d'arrêt donnés). En fonction de l'algorithme employé, les champs d'entrée et les champs cible utilisés pour créer l'arbre peuvent être des champs continus (intervalle numérique) ou des champs catégoriels. Si une cible continue est utilisée, un arbre de régression est généré ; s'il s'agit d'une cible catégorielle, un arbre de classification est créé.

Le noeud Arbre Classification et Regression (C&RT) génère un arbre de décisions qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme "pur" si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud CHAID génère des arbres de décisions à l'aide des statistiques du khi-deux pour identifier les séparations optimales. Contrairement aux noeuds Arbre C&RT et QUEST, CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

Le noeud QUEST est une méthode de classification supervisée binaire permettant de créer des arbres de décisions, développée pour réduire le temps de traitement nécessaire aux analyses C&R Tree importantes, tout en limitant la tendance, observée parmi les méthodes d'arbre de classification, à favoriser les entrées autorisant un nombre supérieur de divisions. Les champs d'entrée peuvent être des intervalles numériques (continues) mais les champs cible doivent être catégoriels. Toutes les divisions sont binaires.

Le noeud C5.0 crée un arbre de décisions ou un ensemble de règles. Le fonctionnement de ce modèle repose sur un découpage de l'échantillon basé sur le champ qui fournit le gain d'informations le plus important à chaque niveau. Le champ cible doit être catégoriel. Les divisions multiples en plus de deux sous-groupes sont autorisées.

Le noeud Tree-AS est similaire au schéma existant du noeud existant CHAID. Toutefois, le noeud Tree-AS Forest est conçu pour traiter des données volumineuses afin de créer un arbre unique, et affiche le modèle obtenu dans l'afficheur des résultats ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud génère un arbre décision à l'aide des statistiques du khi-deux (CHAI) pour identifier les séparations optimales. CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Les champs cibles et les champs d'entrée peuvent être d'intervalle numérique (continu) ou catégoriques. La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en détail toutes les divisions possibles, mais dont les calculs sont plus longs.

Le noeud Random Trees est similaire au noeud C&RT existant ; toutefois, le noeud Random Trees a été conçu pour traiter les données volumineuses afin de créer un arbre unique et affiche le modèle généré dans le Visualiseur de sortie qui a été ajouté dans SPSS Modeler version 17. Le noeud de l'arbre Random Trees génère un arbre décision qui vous permet de prévoir ou de classifier les observations futures. La méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments en réduisant l'index d'impureté à chaque étape, un noeud de l'arbre étant considéré comme *pur* si 100 % de ses observations appartiennent à une catégorie spécifique du champ cible. Les champs cible et les champs d'entrée peuvent être des champs d'intervalle numériques ou des champs catégoriels numériques (nominal,ordinal ou indicateur). Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Emplois généraux de l'analyse en arbre

Voici quelques exemples généraux d'emploi de l'analyse en arbre :

Segmentation : Permet d'identifier les personnes susceptibles d'être membres d'une classe particulière.

Stratification : Attribue des observations à l'intérieur d'une des modalités telles que les groupes à risque élevé, moyen ou faible.

Prédiction : Permet de créer des règles et de les utiliser pour prévoir les événements ultérieurs. La prédiction peut également concerner des tentatives pour relier les attributs de prévision aux valeurs d'une variable continue.

Réduction de données et filtrage des variables : Sélectionnez un sous-ensemble utile de prédicteurs dans un large ensemble de variables à utiliser pour la génération d'un modèle paramétrique formel.

Identification des interactions : Identifiez les relations qui appartiennent uniquement à des sous-groupes spécifiques et définissez-les dans un modèle paramétrique formel.

Fusion de catégories et variables continues en bandes : Permet de recoder des catégories de prédicteur de groupe et des variables continues avec une perte de données minimale.

Générateur d'arbres interactifs

Vous pouvez créer automatiquement un modèle d'arbre, où l'algorithme choisit la division optimale à chaque niveau. Vous avez également la possibilité d'utiliser le générateur d'arbres interactifs pour prendre le contrôle et mettre en pratique vos connaissances métier, et pour affiner ou simplifier l'arbre avant d'enregistrer le nugget de modèle.

1. Générez un flux et ajoutez l'un des noeuds Arbre décision C&RT, CHAID ou QUEST.

   Remarque : La création d'arbres interactifs n'est pas prise en charge pour les arbres Tree-AS ou C5.0.
2. Ouvrez le noeud et, dans l'onglet Champs, sélectionnez des champs cible et des champs prédicteurs, puis spécifiez des options de modèle supplémentaires, si nécessaire. Pour obtenir des instructions spécifiques, reportez-vous à la documentation de chaque noeud de création d'arbre.
3. Dans le volet Objectifs de l'onglet Options de création, sélectionnez **Lancer une session interactive**.
4. Cliquez sur **Exécuter** afin de lancer le générateur d'arbres.

L'arbre actuel, dont le noeud racine occupe la première position, apparaît. Avant de générer des modèles, vous pouvez modifier et élaguer cet arbre niveau par niveau, et accéder aux gains, aux risques et aux informations liées.

Commentaires

- Grâce aux noeuds Arbre C&RT, CHAID et QUEST, les champs ordinaux utilisés dans le modèle concerné doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, vous pouvez utiliser le noeud Recoder pour les convertir.
- Si vous le souhaitez, vous pouvez vous servir d'un champ de partition pour diviser les données en échantillons d'apprentissage et de test.
- Au lieu d'utiliser le générateur d'arbres, vous pouvez également générer un modèle directement depuis le noeud de modélisation comme pour les autres modèles IBM SPSS Modeler. Pour plus d'informations, voir «Création directe d'un modèle d'arbre», à la page 94.

Développement et élagage de l'arbre

L'onglet Visualiseur du générateur d'arbres contient l'arbre actuel qui commence au noeud racine.

1. Pour développer l'arbre, choisissez les options suivantes :

   Arbre > **Développer l'arbre**

Le système crée l'arbre en divisant chaque branche de façon récursive jusqu'à ce qu'un ou plusieurs critères d'arrêt soient remplis. A chaque division, le prédicteur optimal est sélectionné automatiquement selon la méthode de modélisation utilisée.

2. Vous pouvez également choisir **Développer l'arbre d'un niveau** afin d'ajouter un niveau.
3. Pour ajouter une branche sous un noeud, sélectionnez-le, puis choisissez **Développer la branche**.
4. Pour choisir le prédicteur utilisé pour une division, sélectionnez le noeud souhaité, puis **Développer la branche avec la séparation personnalisée**. Pour plus d'informations, voir «Définition de divisions personnalisées», à la page 84.
5. Pour élaguer une branche, sélectionnez un noeud, puis **Supprimer la branche** en vue de supprimer ce noeud.
6. Pour supprimer le niveau inférieur de l'arbre, sélectionnez **Supprimer un niveau**.
7. Pour les arbres C&R et QUEST uniquement, sélectionnez **Développer l'arbre et l'élaguer** afin d'élaguer l'arbre à partir d'un algorithme de complexité des coûts. Cet algorithme ajuste l'évaluation des risques en fonction du nombre de noeuds terminaux, ce qui permet généralement d'obtenir un arbre plus simple. Pour plus d'informations, voir «Noeud Arbre C&RT», à la page 96.

Lire les règles de division dans l'onglet Visualiseur

Lorsque vous affichez des règles de division dans l'onglet Visualiseur, les crochets signifient que la valeur voisine est comprise dans l'intervalle alors que les parenthèses indiquent que la valeur voisine est exclue de l'intervalle. L'expression (23,37] signifie par conséquent de 23 non compris à 37 compris ; autrement dit, de la valeur immédiatement supérieure à 23 à 37. Dans l'onglet Modèle, la même condition serait affichée ainsi :

```
Age > 23 and Age <= 37
```

Interruption du développement d'un arbre. Pour interrompre le développement d'un arbre (si l'opération s'avère plus longue que prévu, par exemple), cliquez sur le bouton Arrêter l'exécution dans la barre d'outils.

Figure 28. Bouton Arrêter l'exécution

Le bouton n'est activé que pendant le développement de l'arbre. L'opération de développement en cours cesse au stade d'exécution où elle se trouve. Les noeuds déjà ajoutés sont conservés, les modifications apportées ne sont pas enregistrées ou la fenêtre n'est pas fermée. Le générateur d'arbres reste ouvert, ce qui vous permet de générer un modèle, de mettre à jour les directives ou d'exporter les résultats au format adéquat, au besoin.

Définition de divisions personnalisées

La boîte de dialogue Définir la séparation permet de sélectionner le prédicteur et d'indiquer les conditions de chaque division.

1. Dans le générateur d'arbres, sélectionnez un noeud dans l'onglet Visualiseur puis, dans les menus proposés, choisissez l'une des options suivantes :

   Arbre > **Développer la branche avec la séparation personnalisée**
2. Sélectionnez le prédicteur de votre choix dans la liste déroulante ou cliquez sur le bouton **Prédicteurs** pour visualiser les détails de chaque prédicteur. Pour plus d'informations, voir «Visualisation des détails d'un prédicteur», à la page 85.
3. Vous pouvez accepter les conditions par défaut de chaque division ou sélectionner **Personnalisé** pour définir les conditions de la division, selon vos besoins.

   - Pour les prédicteurs continus (intervalles numériques), vous pouvez utiliser les champs **Modifier les valeurs d'intervalle** pour indiquer l'intervalle de valeurs incluses dans chaque nouveau noeud.

- Pour les prédicteurs indépendants, vous pouvez utiliser les champs **Modifier les valeurs définies** ou **Modifier les valeurs ordinales** pour indiquer les valeurs (ou l'intervalle de valeurs si un prédicteur ordinal est utilisé) correspondant à chaque nouveau noeud.

4. Sélectionnez **Développer** afin de redévelopper la branche via le prédicteur sélectionné.

En général, l'arbre peut être divisé à l'aide d'un prédicteur, quelles que soient les règles d'arrêt. Deux cas dérogent à cette règle, à savoir lorsque le noeud est pur (c'est-à-dire que 100 % des observations sont incluses dans la même catégorie cible et qu'il ne reste aucun élément à diviser) ou que le prédicteur sélectionné est constant (il n'existe aucune structure de division).

Valeurs manquantes vers. Pour les arbres CHAID uniquement, si des valeurs manquantes sont disponibles pour un prédicteur donnée, vous pouvez définir une division personnalisée afin d'attribuer ces valeurs à un noeud enfant. (Pour l'arbre C&RT et QUEST, les valeurs manquantes sont traitées via les substitutions définies dans l'algorithme. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Détails et substitutions d'une division», à la page 85.)

Visualisation des détails d'un prédicteur

La boîte de dialogue Sélectionner le prédicteur affiche les statistiques relatives aux prédicteurs disponibles (parfois appelés « concurrents ») qui peuvent être utilisées pour la scission en cours.

- Pour les arbres CHAID et les arbres Exhaustive CHAID, les statistiques du khi-deux sont fournies pour chaque prédicteur indépendant. Si un prédicteur représente un intervalle numérique, la statistique *F* est affichée. Les statistiques du khi-deux permettent de mesurer le degré d'indépendance du champ cible par rapport au champ de séparation. Une statistique de Khi-deux élevée est généralement liée à une probabilité faible, ce qui signifie que les deux champs sont probablement dépendants l'un de l'autre. Cette information indique que le champ de séparation est un champ correct. Des degrés de liberté sont également indiqués car ils prennent en compte le fait qu'il est plus simple pour un découpage en trois groupes d'avoir une statistique élevée et une probabilité faible que pour un découpage en deux groupes.
- Pour l'arbre C&RT et QUEST, l'amélioration de chaque prédicteur apparaît. Plus cette amélioration est élevée, plus la réduction de l'impureté entre les noeuds parent et enfant est importante si ce prédicteur est utilisé. (Un noeud pur est un noeud dont toutes les observations sont incluses dans une même catégorie cible. Plus l'arbre est pur, plus le modèle est adapté aux données.) En d'autres termes, un chiffre d'amélioration élevé indique généralement un découpage utile pour ce type d'arbre. La mesure d'impureté employée est spécifiée dans le noeud de création d'arbre.

Détails et substitutions d'une division

Vous pouvez sélectionner un noeud dans l'onglet Visualiseur, puis cliquer sur le bouton d'affichage des informations de séparation à droite dans la barre d'outils pour visualiser les détails de la division de ce noeud. La règle de division utilisée apparaît, ainsi que les statistiques correspondantes. Pour les arbres catégoriels C&RT, l'amélioration et l'association sont affichées. L'association est une mesure de correspondance entre une substitution et le champ de division principal, la "meilleure" substitution étant celle qui est la plus proche du champ de division. Pour l'arbre C&RT et QUEST, sont également répertoriées les substitutions utilisées à la place du prédicteur principal.

Pour modifier la division du noeud sélectionné, vous pouvez cliquer sur l'icône située à gauche du panneau de substitutions afin d'ouvrir la boîte de dialogue Définir la séparation. (Une méthode plus rapide consiste à choisir une substitution dans la liste avant de cliquer sur l'icône pour la sélectionner en tant que champ de division principal.)

Substitutions. Cet onglet affiche toutes les substitutions du champ de division principal pour le noeud sélectionné. Les substitutions sont des champs de remplacement utilisés si le prédicteur principal d'un enregistrement déterminé est manquante. Le nombre de substitutions maximal autorisé pour une division donnée est indiqué dans le noeud création de modèle, mais dépend en fait des données d'apprentissage. En règle générale, plus il manque de données, plus les substitutions ont de chances d'être utilisées. Pour les autres modèles d'arbres décision, cet onglet est vide.

Remarque : Pour faire partie du modèle, les substitutions doivent être identifiées au cours de la phase d'apprentissage. Si l'échantillon d'apprentissage ne comporte aucune valeur manquante, aucune substitution n'est identifiée. Les enregistrements contenant des valeurs manquantes repérés au cours du test ou du scoring sont alors automatiquement placés dans le noeud enfant comptant le plus grand nombre d'enregistrements. Si vous prévoyez la détection de valeurs manquantes lors du test ou du scoring, veillez à ce que ces valeurs soient également manquantes dans l'échantillon d'apprentissage. Les substitutions ne sont pas disponibles avec les arbres CHAID.

Aucune substitution n'est employée pour les arbres CHAID, mais lorsque vous définissez une division personnalisée, vous pouvez affecter des substitutions à un noeud enfant. Pour plus d'informations, voir «Définition de divisions personnalisées», à la page 84.

Personnalisation de la vue d'arbre

L'onglet Visualiseur du générateur d'arbres affiche l'arbre actuel. Par défaut, toutes les branches de cet arbre sont développées, mais vous pouvez également en réduire certaines et personnaliser d'autres paramètres, au besoin.

- Cliquez sur le signe minus (**-**) dans le coin inférieur droit d'un noeud parent pour masquer tous ses noeuds enfant. Cliquez sur le signe plus (**+**) dans le coin inférieur droit d'un noeud parent pour afficher tous ses noeuds enfant.
- Utilisez le menu Vue ou la barre d'outils pour modifier l'orientation de l'arbre (de haut en bas, de gauche à droite ou de droite à gauche).
- Cliquez sur le bouton « Afficher les libellés de champ et de valeur » de la barre d'outils principale pour afficher ou masquer les libellés de champ et de valeur.
- Utilisez les boutons représentant une loupe pour effectuer un zoom avant ou arrière dans la vue. Vous pouvez également cliquer sur le bouton Carte de l'arbre à l'extrémité droite dans la barre d'outils pour afficher un diagramme de l'ensemble de l'arbre.
- Si un champ de partition est utilisé, vous pouvez faire passer la vue d'arbre des partitions d'apprentissage aux partitions de test (menu **Vue> Partition**). Lorsque l'échantillon de test apparaît, vous pouvez afficher l'arbre, mais pas le modifier. (La partition actuelle apparaît dans la barre d'état dans l'angle inférieur droit de la fenêtre.)
- Cliquez sur le bouton d'affichage des informations de séparation (le bouton "i" à l'extrême droite de la barre d'outils) pour afficher les détails de la division actuelle. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Détails et substitutions d'une division», à la page 85.
- Affichez les statistiques ou les graphiques, ou les deux dans chaque noeud (reportez-vous à la section ci-dessous).

Affichage des statistiques et des graphiques

Statistiques des noeuds. Pour un champ cible catégoriel, le tableau de chaque noeud indique le nombre et le pourcentage d'enregistrements contenus dans chaque catégorie, ainsi que le pourcentage de la totalité de l'échantillon représenté par le noeud. Pour un champ cible continu (intervalle numérique), le tableau indique la moyenne, l'écart type, le nombre d'enregistrements et la valeur prédite du champ cible.

Graphiques du noeud. Pour un champ cible catégoriel, le graphique est un graphique à barres représentant les pourcentages de chaque catégorie du champ cible. Avant chaque ligne du tableau se trouve un échantillon des couleurs qui représentent chaque catégorie du champ cible dans les graphiques du noeud. Pour un champ cible continu (intervalle numérique), le graphique indique un histogramme du champ cible des enregistrements contenus dans le noeud.

Gains

L'onglet Gains contient les statistiques de tous les noeuds terminaux de l'arbre. Les gains permettent de mesurer la différence de la moyenne ou de la proportion d'un noeud donné par rapport à la moyenne globale. En règle générale, plus cette différence est significative, plus l'arbre est utile comme outil de prise de décision. Par exemple, la valeur d'index ou de « lift » (augmentation) de 148 % d'un noeud

implique que les enregistrements qu'il comporte ont 1,5 fois plus de chances d'être inclus dans la catégorie cible que l'ensemble de données complet.

Pour les noeuds Arbre C&R et QUEST où un ensemble de prévention de surajustement est spécifié, deux ensembles de statistiques sont affichés :

- ensemble de développement d'arbre : l'échantillon d'apprentissage avec l'ensemble de prévention de surajustement supprimé
- ensemble de prévention de surajustement

Pour les autres arbres interactifs Arbre C&RT et QUEST, et pour tous les arbres interactifs CHAID, seules les statistiques d'ensembles de développement d'arbre sont affichées.

L'onglet Gains vous permet d'effectuer les tâches suivantes :

- Afficher les statistiques noeud par noeud, cumulatives ou en quantiles.
- Afficher les gains ou les profits.
- Passer de la vue des tableaux à celui des graphiques.
- Sélectionner la catégorie cible (pour les cibles catégorielles uniquement).
- Trier le tableau dans l'ordre croissant ou décroissant en fonction du pourcentage d'index. Si les statistiques de plusieurs partitions sont fournies, des tris sont systématiquement appliqués à l'échantillon d'apprentissage plutôt qu'à celui de test.

En général, les sélections effectuées dans le tableau des gains sont mises à jour dans la vue d'arbre et réciproquement. Par exemple, si vous sélectionnez une ligne de ce tableau, le noeud correspondant est sélectionné dans l'arbre.

Gains de classification

Pour les arbres de classification (dotés d'une variable cible catégorielle), le pourcentage d'index de gains vous indique la différence de la proportion d'une catégorie cible à chaque noeud par rapport à la proportion globale.

Noeud par noeud

Dans cette vue, le tableau affiche une ligne pour chaque noeud terminal. Par exemple, si le taux de réponse global à votre campagne de publicité directe est de 10 %, mais que 20 % des enregistrements inclus dans le noeud X correspondent à des réponses positives, le pourcentage d'index de ce noeud s'élève à 200 %. Cela signifie que les personnes interrogées de ce groupe sont deux fois plus susceptibles d'acheter des articles que l'ensemble de la population.

Pour les noeuds Arbre C&R et QUEST où un ensemble de prévention de surajustement est spécifié, deux ensembles de statistiques sont affichés :

- ensemble de développement d'arbre : l'échantillon d'apprentissage avec l'ensemble de prévention de surajustement supprimé
- ensemble de prévention de surajustement

Pour les autres arbres interactifs Arbre C&RT et QUEST, et pour tous les arbres interactifs CHAID, seules les statistiques d'ensembles de développement d'arbre sont affichées.

Noeuds. ID du noeud actuel (affiché dans l'onglet Visualiseur).

Noeud : n. Nombre total d'enregistrements de ce noeud.

Noeud (%). Pourcentage d'enregistrements de l'ensemble de données compris dans ce noeud.

Gain : n. Nombre d'enregistrements dotés de la catégorie cible sélectionnée compris dans ce noeud. Cette option permet de savoir combien d'enregistrements de l'ensemble de données inclus dans la catégorie cible sont compris dans ce noeud.

Gain (%). Pourcentage d'enregistrements de la catégorie cible, dans l'ensemble de données complet, compris dans ce noeud.

Réponse (%). Pourcentage d'enregistrements du noeud actuel inclus dans la catégorie cible. Les réponses utilisées dans ce contexte sont parfois appelées « correspondances ».

Index (%). Pourcentage de réponses du noeud actuel exprimé en tant que pourcentage du pourcentage de réponses de l'ensemble de données complet. Par exemple, la valeur d'index de 300 % signifie que les enregistrements de ce noeud ont 3 fois plus de chances d'être inclus dans la catégorie cible que l'intégralité de cet ensemble de données.

Statistiques cumulatives

Dans la vue cumulative, le tableau contient un noeud par ligne, mais les statistiques sont cumulatives, triées dans l'ordre croissant ou décroissant par pourcentage d'index. Par exemple, si un tri décroissant est appliqué, le noeud possédant le pourcentage d'index le plus élevé est répertorié en premier. Les statistiques figurant sur les lignes, quant à elles, sont cumulatives pour la ligne en question et les lignes précédentes.

Le pourcentage d'index cumulatif se réduit ligne par ligne à mesure que sont ajoutés les noeuds avec des pourcentages de réponse de plus en plus faibles. L'index cumulatif de la dernière ligne est toujours égal à 100 % car, à ce stade, l'ensemble de données complet est inclus.

Quantiles

Dans ce mode, chaque ligne du tableau représente un quantile au lieu d'un noeud. Il peut s'agir de quartiles, de quintiles (cinquièmes), de déciles (dixièmes), de vingtiles (vingtièmes) ou de centiles (centièmes). Plusieurs noeuds peuvent être répertoriés dans un seul quantile s'ils doivent être utilisés pour obtenir ce pourcentage (par exemple, si les quartiles apparaissent mais que les deux premiers noeuds contiennent moins de 50 % des observations). Les autres valeurs du tableau sont cumulatives et peuvent être interprétées de la même façon que dans la vue cumulative.

Profits de classification et retour sur investissement

Pour les arbres de classification, les statistiques des gains peuvent également être affichées en tant que profit et retour sur investissement. La boîte de dialogue Définir les profits permet d'indiquer les revenus et les frais de chaque catégorie.

1. Dans l'onglet Gains, cliquez sur le bouton de profit (étiqueté $/$) dans la barre d'outils pour accéder à cette boîte de dialogue.
2. Saisissez des valeurs de revenu et de frais à chaque catégorie du champ cible.

Par exemple, si vous devez payer 0,48 € pour envoyer une offre à chaque client, et que le revenu d'une réponse positive s'élève à 9,95 € pour un abonnement de trois mois, chaque réponse *négative* vous coûte 0,48 € et chaque réponse *positive* vous rapporte 9,47 € (résultat de 9,95-0,48).

Dans le tableau des gains, les **profits** sont calculés en tant que total des revenus moins les frais pour chaque enregistrement d'un noeud terminal. Le **retour sur investissement**, quant à lui, représente le total des profits divisé par le total des frais d'un noeud.

Commentaires

- Les valeurs de profit n'affectent que les valeurs moyennes de profit et de retour sur investissement figurant dans le tableau des gains, pour que l'affichage des statistiques soit plus adapté à votre résultat net. Elles n'ont pas d'effet sur la structure de base du modèle d'arbre. Il convient de ne pas confondre les profits avec les coûts de classification erronée, spécifiés dans le noeud de génération d'arbre et pris en compte dans le modèle, afin d'empêcher toute erreur qui risquerait de vous coûter cher.
- Les spécifications de profit ne sont pas conservées d'une session de création d'arbre interactif à l'autre.

Gains de régression

Pour les arbres de régression, vous avez le choix entre les vues noeud par noeud, cumulative noeud par noeud ou en quantiles. Les valeurs moyennes sont fournies dans le tableau. Les graphiques ne sont disponibles que pour les quantiles.

Graphiques de gains

Vous pouvez afficher un graphique dans l'onglet Gains à la place d'un tableau.

1. Dans l'onglet Gains, cliquez sur l'icône Quantiles (la troisième en partant de la gauche dans la barre d'outils). (Les graphiques ne sont pas disponibles pour les statistiques cumulatives ou noeud par noeud.)
2. Cliquez sur l'icône Graphiques.
3. Sélectionnez les unités affichées (centiles, déciles, etc.) dans la liste déroulante, selon vos besoins.
4. Sélectionnez **Gains**, **Réponse** ou **Lift** pour modifier la mesure affichée.

Graphique de gain

Le graphique de gain représente les valeurs affichées dans la colonne *Gain (%)* du tableau. Les gains sont définis en tant que proportion des correspondances de chaque incrément par rapport au nombre total de correspondances de l'arbre via l'équation suivante :

(correspondances de l'incrément / nombre total de correspondances) x 100 %

Ce graphique permet d'illustrer efficacement dans quelle mesure vous devez élargir vos perspectives pour obtenir un pourcentage précis de correspondances de l'arbre. La diagonale représente la réponse attendue pour l'échantillon complet si vous n'utilisiez pas le modèle. Dans ce cas, le taux de réponse serait constant, car une personne est susceptible de répondre comme une autre. Pour doubler ce nombre, vous devriez interroger deux fois plus de personnes. La courbe fournit la valeur d'amélioration possible du taux de réponse en n'incluant que les valeurs comprises dans les centiles plus élevés basés sur les gains. Par exemple, si les premiers 50 % sont ajoutés, vous pouvez obtenir plus de 70 % des réponses positives. Plus la courbe s'accentue, plus les gains sont élevés.

Graphique de lift

Le graphique de lift représente les valeurs affichées dans la colonne *Index (%)* du tableau. Ce graphique compare le pourcentage des enregistrements de chaque incrément qui se sont traduits par des correspondances et le pourcentage total de correspondances dans les jeux de données d'apprentissage, via l'équation suivante :

(correspondances de l'incrément / enregistrements de l'incrément) / (nombre total de correspondances / nombre total d'enregistrements)

Graphique de réponses

Le graphique de réponses représente les valeurs affichées dans la colonne *Response (%)* du tableau. La réponse est un pourcentage d'enregistrements de l'incrément constituant des correspondances via l'équation suivante :

(réponses de l'incrément / enregistrements de l'incrément) x 100 %

Sélection basée sur les gains

La boîte de dialogue Sélection basée sur les gains vous permet de sélectionner automatiquement les noeuds terminaux offrant les gains les plus élevés (ou les plus faibles) selon la règle ou le seuil indiqué. Ensuite, vous pouvez générer un noeud Sélectionner en fonction des noeuds sélectionnés.

1. Dans l'onglet Gains, sélectionnez la vue cumulative ou noeud par noeud, puis la catégorie cible sur laquelle doit reposer la sélection. (La sélection repose sur l'affichage du tableau actuel et n'est pas disponible pour les quantiles.)
2. Dans les différents menus de l'onglet Gains, sélectionnez l'une des options suivantes :

   Editer > **Sélectionner les noeuds terminaux** > **Sélection basée sur les gains**

   Sélectionner uniquement. Vous pouvez sélectionner des noeuds correspondants *ou* non correspondants (par exemple, pour sélectionner *tous les enregistrements sauf* les 100 premiers).

   Mettre en correspondance par informations sur les gains. Met en correspondance les noeuds en fonction des statistiques de gains de la catégorie cible actuelle, y compris les noeuds suivants :

- Les noeuds dans lesquels les gains, la réponse ou le Lift (index) correspondent au seuil indiqué (par exemple, un taux de réponse supérieur ou égal à 50 %).
- Les *n* premiers noeuds basés sur le gain de la catégorie cible.
- Les premiers noeuds permettant d'atteindre un certain nombre d'enregistrements.
- Les premiers noeuds permettant d'atteindre un pourcentage de données d'apprentissage donné.

3. Cliquez sur **OK** pour mettre à jour la sélection dans l'onglet Visualiseur.
4. Pour créer un noeud Sélectionner à partir de la sélection actuelle dans l'onglet Visualiseur, choisissez **Noeud Sélectionner** dans le menu Générer. Pour plus d'informations, voir «Génération de noeuds Filtrer et Sélectionner», à la page 93.

Remarque : Dans la mesure où vous êtes en train de sélectionner des noeuds au lieu d'enregistrements ou de pourcentages, vous ne pouvez pas obtenir systématiquement une correspondance parfaite avec le critère de sélection fourni. Le système sélectionne des noeuds complets *jusqu'à ce qu'il parvienne au* niveau indiqué. Par exemple, si vous sélectionnez les 12 premières observations, et que 10 figurent dans le premier noeud et 2 dans le second noeud, seul le premier noeud est sélectionné.

Risques

Les risques vous informent des probabilités de classification erronée à n'importe quel niveau. L'onglet Risques affiche une estimation ponctuelle des risques et (pour les résultats catégoriels) un tableau de réaffectations incorrectes.

- Pour les prévisions numériques, le risque correspond à une estimation pondérée de la variance à chaque noeud terminal.
- Pour les prévisions catégorielles, le risque représente la proportion d'observations mal classifiées, ajustées pour les probabilités a priori ou les coûts de classification erronée.

Enregistrement de modèles d'arbre et de résultats

Vous pouvez enregistrer ou exporter les résultats des sessions de création d'arbre interactif de différentes manières, entre autres :

- Générer un modèle à partir de l'arbre actuel (**Générer > Générer le modèle**).
- Enregistrer les directives permettant de développer l'arbre actuel. Lors de l'exécution suivante du noeud de création d'arbre, l'arbre actuel se redéveloppe automatiquement, y compris les divisions personnalisées que vous avez définies.
- Exporter les informations relatives au modèle, aux gains et aux risques. Pour plus d'informations, voir «Exportation des informations concernant les modèles, gains et risques», à la page 93.

A partir du générateur d'arbres ou d'un nugget de modèle d'arbre, vous pouvez effectuer les opérations suivantes :

- Générer un noeud Filtrer ou Sélectionner à partir de l'arbre actuel. Pour plus d'informations, voir «Génération de noeuds Filtrer et Sélectionner», à la page 93.
- Générer un noeud Jeu de règles représentant l'arborescence sous la forme d'un ensemble de règles définissant les branches terminales de l'arbre. Pour plus d'informations, voir «Génération d'un noeud Jeu de règles à partir d'un noeud Arbre de décisions», à la page 93.
- En outre, vous pouvez exporter le modèle au format PMML (nugget de modèle d'arbre uniquement). Pour plus d'informations, voir «Palette Modèles», à la page 39. Si le modèle comporte des divisions personnalisées, ces informations ne sont pas conservées dans le fichier PMML exporté. (Les divisions sont conservées, mais il n'est plus possible de les distinguer de celles choisies par l'algorithme.)
- Générez un graphique en fonction d'une partie sélectionnée de l'arbre actuel. Notez que cela ne fonctionne que lorsque le nugget est attaché à d'autres noeuds dans un flux. Pour plus d'informations, voir «Génération de graphiques», à la page 124.

Remarque : Il est impossible d'enregistrer l'arbre interactif proprement dit. Pour éviter de perdre votre travail, générez un modèle et/ou mettez à jour les directives d'arbre avant de fermer la fenêtre du générateur d'arbres.

Création d'un modèle à partir du Générateur d'arbres

Pour générer un modèle à partir de l'arbre actuel, dans les différents menus du générateur d'arbres, sélectionnez :

Générer > **Modèle**

Dans la boîte de dialogue Générer un nouveau modèle, choisissez l'une des options suivantes :

Nom de modèle. Vous pouvez spécifier un nom personnalisé ou créer le nom automatiquement à partir de celui du noeud de modélisation.

Créer le noeud sur. Vous pouvez ajouter le noeud sur le **canevas**, sur la **palette GM** ou sur **les deux**.

Inclure les directives d'arbre. Pour inclure les directives de l'arbre actuel dans le modèle généré, sélectionnez cette case. Cela vous permet de régénérer l'arbre si nécessaire. Pour plus d'informations, voir «Directives de développement d'arbre», à la page 91.

Directives de développement d'arbre

Pour les modèles d'arbre C&RT, CHAID et QUEST, les directives d'arbre définissent les conditions de développement de l'arbre niveau par niveau. Les directives sont appliquées lorsque le générateur d'arbres interactifs est lancé à partir du noeud.

- Les directives permettent de recréer en toute sécurité un arbre créé lors d'une session interactive précédente. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Mise à jour des directives d'arbre», à la page 92. Vous pouvez également modifier ces directives manuellement, mais vous devez alors être très vigilant.
- Les directives correspondent strictement à la structure de l'arbre qu'elles décrivent. Ainsi, toute modification apportée aux données ou aux options de modélisation sous-jacentes peut entraîner l'échec d'un ensemble de directives auparavant valide. Par exemple, si l'algorithme CHAID change une division en deux groupes en division en trois groupes sur la base des données mises à jour, les directives reposant sur l'ancienne division sont incorrectes.

Remarque : Si vous optez pour la génération directe d'un modèle (sans utiliser le générateur d'arbres), les directives d'arbre ne sont pas prises en compte.

Modification des directives

1. Pour afficher ou modifier les directives enregistrées, ouvrez le noeud de générateur d'arbres, puis sélectionnez le volet Objectif de l'onglet Options de création.
2. Sélectionnez **Lancer une session interactive** pour activer les commandes, sélectionnez **Utiliser les directives d'arbre**, puis cliquez sur **Directives**.

Syntaxe des directives

Les directives définissent les conditions de développement de l'arbre, en commençant par le noeud racine. Par exemple, pour développer l'arbre d'un niveau :

```
Grow Node Index 0 Children 1 2
```

Aucun prédicteur n'étant fourni, l'algorithme sélectionne la division optimale.

Notez que la première division doit systématiquement être effectuée sur le noeud racine (`index 0`) et les valeurs d'index des deux enfants doivent être indiquées (1 et 2 en l'occurrence). Spécifier `Grow Node Index 2 Children 3 4` est incorrect, sauf si vous avez développé auparavant la racine à l'origine du noeud 2.

Pour développer l'arbre :

```
Développer l'arbre
```

Pour développer et élaguer l'arbre (Arbre C&RT uniquement) :

```
Grow_And_Prune Tree
```

Pour indiquer une division personnalisée pour un prédicteur continu :

```
Grow Node Index 0 Children 1 2 Spliton
  ( "EDUCATE", Interval ( NegativeInfinity, 12.5)
     Interval ( 12.5, Infinity ))
```

Pour diviser un prédicteur nominal en deux valeurs :

```
Grow Node Index 2 Children 3 4 Spliton
  ( "GENDER", Group( "0.0" )Group( "1.0" ))
```

Pour diviser un prédicteur nominal en plusieurs valeurs :

```
Grow Node Index 6 Children 7 8 Spliton
   ( "ORGS", Group( "2.0","4.0" )
             Group( "0.0","1.0","3.0","6.0" ))
```

Pour effectuer une division sur un prédicteur ordinal :

```
Grow Node Index 4 Children 5 6 Spliton
  ( "CHILDS", Interval ( NegativeInfinity, 1.0)
              Interval ( 1.0, Infinity ))
```

Remarque : Lorsque vous spécifiez des scissions personnalisées, les noms et valeurs de champ (EDUCATE, GENDER, CHILDS, etc.) sont sensibles à la casse.

Directives des arbres CHAID

Les directives des arbres CHAID sont particulièrement sensibles aux modifications apportées aux données ou au modèle car, à la différence des arbres C&RT et QUEST, elles ne doivent pas nécessairement utiliser des divisions binaires. Par exemple, la syntaxe suivante a l'air tout à fait valide, mais échoue si l'algorithme divise le noeud racine en plus de deux enfants :

```
Grow Node Index 0 Children 1 2
Grow Node Index 1 Children 3 4
```

Pour les arbres CHAID, il est possible que le noeud 0 ait 3 ou 4 enfants, ce qui entraîne l'échec de la deuxième ligne de la syntaxe.

Utilisation des directives dans les scripts

Des directives peuvent également être intégrées entre guillemets triples dans les scripts.

Mise à jour des directives d'arbre

Pour protéger votre travail contre une session de création d'arbre interactif, vous pouvez enregistrer les directives utilisées pour générer l'arbre actuel. Contrairement à l'enregistrement d'un nugget de modèle, qui n'est plus modifiable, cela vous permet de recréer l'arbre dans l'état où il se trouve pour le modifier ultérieurement.

Pour mettre à jour les directives, dans les différents menus du générateur d'arbres, sélectionnez :

Fichier > **Mettre à jour les directives**

Les directives sont enregistrées dans le noeud de modélisation utilisé pour créer l'arbre (arbre C&RT, QUEST ou CHAID) et permettent de régénérer l'arbre actuel. Pour plus d'informations, voir «Directives de développement d'arbre», à la page 91.

Exportation des informations concernant les modèles, gains et risques

A partir du générateur d'arbres, vous pouvez exporter les statistiques concernant les modèles, gains et risques aux formats texte, HTML ou graphique, selon vos besoins.

1. Dans la fenêtre du générateur d'arbres, sélectionnez l'onglet ou la vue à exporter.
2. Dans les menus, sélectionnez :

   Fichier > **Exporter**
3. Choisissez **Texte**, **HTML** ou **Graphiques**, selon vos besoins. Ensuite, dans le sous-menu, sélectionnez les éléments à exporter.

Le cas échéant, l'exportation repose sur les sélections actuelles.

Exportation aux formats texte ou HTML. Vous pouvez exporter les statistiques concernant les gains ou les risques de la partition d'apprentissage ou de test (si elle a été définie). L'exportation est basée sur les sélections actuelles répertoriées dans l'onglet Gains. Par exemple, vous pouvez opter pour des statistiques noeud par noeud, cumulatives ou en quantiles.

Exportation des graphiques. Vous pouvez exporter l'arbre actuel affiché dans l'onglet Visualiseur ou les graphiques de gains de la partition d'apprentissage ou de test (si elle a été définie). Les formats disponibles sont les suivants : *.JPEG*, *.PNG* et *.BMP*. Pour les gains, l'exportation repose sur les sélections actuelles répertoriées dans l'onglet Gains (disponible seulement si un graphique est affiché).

Génération de noeuds Filtrer et Sélectionner

Dans la fenêtre du générateur d'arbres ou en naviguant dans un nugget de modèle d'arbre de décisions, sélectionnez les options suivantes :

Générer > **Noeud filtre**

ou

> **Noeud Sélectionner**

Noeud filtre. Génère un noeud filtrant les champs non utilisés par l'arbre actuel. Cette méthode rapide permet de réduire l'ensemble de données pour inclure uniquement les champs que l'algorithme sélectionne comme étant importants. Si un noeud type figure en amont de ce noeud Arbre de décisions, tous les champs avec le rôle *Cible* sont transmis par le nugget de modèle Filtrer.

Noeud Sélectionner. Génère un noeud sélectionnant tous les enregistrements compris dans le noeud actuel. Cette option exige que vous sélectionniez plusieurs branches dans l'onglet Visualiseur.

Le nugget de modèle est placé dans le canevas de flux.

Génération d'un noeud Jeu de règles à partir d'un noeud Arbre de décisions

Vous pouvez générer un noeud de modèle Jeu de règles qui représente l'arborescence sous la forme d'un ensemble de règles qui définit les branches terminales de l'arbre. Les jeux de règles sont capables de conserver la plupart des informations importantes d'un arbre décision, selon un modèle moins complexe cependant. La principale différence est que dans un ensemble de règles, un enregistrement spécifique peut faire l'objet de plusieurs règles ou bien d'aucune. Par exemple, vous pouvez voir l'ensemble de règles prévoyant un résultat *négatif*, suivi de celles prévoyant un résultat *positif*. Si plusieurs règles peuvent s'appliquer à un enregistrement, chacune de ces règles fait l'objet d'un "vote" pondéré basé sur le degré de confiance associée à cette règle. La prévision finale est alors calculée en combinant les votes pondérés de toutes les règles qui s'appliquent à l'enregistrement en question. Si aucune règle ne s'applique à un enregistrement, une prévision par défaut lui est alors attribuée.

Remarque : Lorsque vous évaluez un ensemble de règles, il se peut que vous constatiez des différences par rapport à l'évaluation de l'arbre. Cela est dû au fait que chaque branche de terminal dans un arbre est évaluée indépendamment. Cette différence peut apparaître en particulier lorsque des valeurs sont manquantes dans les données.

Vous ne pouvez créer des ensembles de règles que depuis des arbres dotés de champs cible catégoriels (mais pas depuis des arbres de régression).

Dans la fenêtre du générateur d'arbres ou lorsque vous naviguez dans un nugget de modèle d'arbre de décisions, sélectionnez les options suivantes :

Générer > **Jeu de règles**

Nom de l'ensemble de règles Permet d'attribuer un nom au nouveau nugget de modèle Jeu de règles.

Créer le noeud sur Détermine l'emplacement du nouveau nugget de modèle Jeu de règles. Sélectionnez **Canevas**, **Palette GM** ou **Les deux**.

Instances minimales Spécifiez le nombre minimal d'instances (nombre d'enregistrements auxquels les règles s'appliquent) à conserver dans le nugget de modèle Jeu de règles. Les règles dont la prise en charge est inférieure à la valeur spécifiée ne sont pas incluses dans le nouveau jeu de règles.

Confiance minimale Indique le degré de confiance minimum que doivent avoir les règles pour apparaître dans le nugget de modèle Jeu de règles. Les règles avec une confiance inférieure à la valeur spécifiée ne sont pas incluses dans le nouveau jeu de règles.

Création directe d'un modèle d'arbre

Au lieu d'utiliser le générateur d'arbres interactif, vous pouvez créer un modèle d'arbre de décision directement depuis le noeud lorsque le flux est exécuté. Cette logique est cohérente avec la plupart des autres noeuds de création de modèle. Pour les modèles d'arbre C5.0 et Tree-AS, non pris en charge par le générateur d'arbres interactifs, seule cette méthode peut être utilisée.

1. Générez un flux et ajoutez l'un des noeuds Arbre de décision C&R, CHAID, QUEST, C5.0 ou Tree-AS.
2. Pour un arbre C&R, QUEST ou CHAID, dans le panneau Objectif de l'onglet Options de création, sélectionnez l'un des objectifs principaux. Si vous sélectionnez **Créer un seul arbre**, vérifiez que **Mode** est configuré sur **Générer le modèle**.

   Pour C5.0, dans l'onglet Modèle, configurez **Type de sortie** sur **Arbre de décision**.

   Pour Tree-AS, dans le volet Bases de l'onglet Options de génération, sélectionnez le type **Algorithme de croissance d'arbre**.
3. Sélectionnez des champs cible et des champs prédicteurs, puis spécifiez des options de modèle supplémentaires, si nécessaire. Pour obtenir des instructions spécifiques, reportez-vous à la documentation de chaque noeud de création d'arbre.
4. Exécutez le flux afin de générer le modèle.

Commentaires relatifs à la création d'un arbre

- Lorsque des arbres sont créés à l'aide de cette méthode, les directives de développement d'arbre ne sont pas prises en compte.
- Qu'elles soient interactives ou directes, ces deux méthodes de création d'arbres décision génèrent en fin de compte des modèles similaires. Il est simplement question de savoir quel type de contrôle appliquer à un moment donné.

Noeuds Arbre de décision

Les noeuds Arbres de décisions de IBM SPSS Modeler offrent un accès aux algorithmes de création d'arbres suivants :

- Arbre C&RT
- QUEST

- CHAID
- C5.0
- Tree-AS
- Random Trees

Pour plus d'informations, voir «Modèles d'arbre de décisions», à la page 81.

Les algorithmes sont similaires par le fait qu'ils créent tous un arbre de décision en divisant de manière récursive les données en sous-groupes de plus en plus petits. Cependant, il existe quelques différences importantes

Champs d'entrée. Les champs d'entrée (prédicteurs) peuvent être d'un des types suivants (niveaux de mesure) : continu, catégoriel, indicateur, nominal ou ordinal.

Champs cible. Seul un champ cible peut être spécifié. Pour C&RTn CHAID, Tree-AS et Random Trees, le champ cible peut être continu, catégoriel, indicateur, nominal ou ordinal. Pour QUEST, il peut être catégoriel, indicateur ou nominal. Pour les arbres C5.0 le champ cible peut être indicateur, nominal ou ordinal.

Type de division. C&R, QUEST et Random Trees ne prennent en charge que les divisions binaires (c'est-à-dire que chaque noeud de l'arbre peut être divisé en deux branches au maximum). Par contraste, CHAID, C5.0 et Tree-AS prennent en charge la division en plus de deux branches à la fois.

Méthode utilisée pour la division. Les algorithmes diffèrent par les critères utilisés pour décider des divisions. Lorsqu'un arbre C&R prédit une sortie catégorielle, une mesure de dispersion est utilisée (par défaut, le coefficient Gini, bien que vous puissiez le modifier). La méthode de déviation des moindres carrés est utilisée pour les cibles continues. CHAID et Tree-AS utilisent un test Khi-deux ; QUEST utilise un test Khi-deux pour les prédicteurs indépendants et l'analyse de la variance des entrées continues. Pour C5.0 une mesure théorique des informations est utilisée, le rapport de gain d'informations.

Traitement des valeurs manquantes. Tous les algorithmes autorisent des valeurs manquantes pour les champs prédicteurs, bien qu'ils utilisent différentes méthodes pour les gérer. Les arbres C&R et QUEST utilisent des champs de prédiction de remplacement, si nécessaire, pour faire progresser un enregistrement avec des valeurs manquantes dans l'arbre pendant l'apprentissage. CHAID crée une catégorie séparée pour les valeurs manquantes et autorise leur utilisation dans la création de l'arbre. C5.0 utilise une méthode de fractionnement qui transfère une partie fractionnaire d'un enregistrement vers les branches inférieures de l'arbre à partir d'un noeud dans lequel la division est basée sur un champ comportant une valeur manquante.

Elagage. Les arbres C&RT, QUEST et C5.0 offrent la possibilité de développer complètement l'arbre puis de l'élaguer en supprimant les scissions de niveau inférieur qui ne contribuent pas de manière significative à l'exactitude de l'arbre. Cependant, tous les algorithmes des arbres de décision vous permettent de contrôler la taille minimale d'un sous-groupe, ce qui vous permet d'éviter d'avoir des branches comportant peu d'enregistrements de données.

Création d'arbres interactifs. Les arbres C&R, QUEST et CHAID offrent la possibilité de lancer une session interactive. Ceci vous permet de construire votre arbre niveau par niveau, de modifier des divisions ou d'élaguer cet arbre avant de créer le modèle. C5.0, Tree-AS et Random Trees ne disposent pas d'une option interactive.

Probabilités a priori. Les arbres C&RT et QUEST prennent en charge la spécification des probabilités a priori des catégories lors de la prévision d'un champ cible catégoriel. Les probabilités a priori sont des estimations de l'effectif relatif global de chaque catégorie cible dans la population d'où sont extraites les données d'apprentissage. Autrement dit, ce sont les estimations de probabilité que vous feriez pour chaque valeur cible possible avant de connaître quoi que ce soit sur les valeurs de prédicteurs. Chaid, C5.0, Tree-AS, et Random Trees ne prennent pas en charge la spécification des probabilités antérieures.

Ensembles de règles. Non disponible pour Tree-AS ou Random Trees. Pour les modèles comportant des champs cibles catégoriels, les noeuds des arbres de décision offrent la possibilité de créer le modèle sous la forme d'un ensemble de règles, ce qui peut parfois s'avérer plus facile à interpréter qu'un arbre de décision complexe. Pour les arbres C&RT, QUEST et CHAID, vous pouvez générer un ensemble de règles à partir d'une session interactive ; pour C5.0, pouvez spécifier cette option dans le noeud de modélisation.

En outre, tous les modèles d'arbres de décision vous permettent de générer un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Génération d'un noeud Jeu de règles à partir d'un noeud Arbre de décisions», à la page 93.

Noeud Arbre C&RT

Le noeud Arbre C&RT (Classification et régression) est une méthode de classification et de prévision basée sur un système d'arborescence. Similaire au noeud C5.0, cette méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments présentant des champs de sortie similaires. Le noeud Arbre C&RT examine en premier lieu les champs d'entrée, afin de définir la meilleure segmentation : celle-ci est mesurée en fonction de la réduction de l'index d'impureté résultant de la segmentation. Le découpage définit deux sous-groupes qui sont à leur tour découpés en deux nouveaux sous-groupes : le découpage se poursuit jusqu'à ce que l'un des critères d'arrêt soit atteint. Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Elagage

Vous pouvez développer les arbres C&RT, puis l'élaguer à partir d'un algorithme de complexité des coûts. Cet algorithme ajuste l'évaluation des risques en fonction du nombre de noeuds terminaux. Cette méthode, qui permet à l'arbre de se développer avant d'être élagué par le biais de critères plus complexes, peut générer des arbres réduits offrant de meilleures propriétés de validation croisée. En général, augmenter le nombre de noeuds terminaux atténue le risque pour les données (d'apprentissage) actuelles, mais le risque réel peut s'avérer bien plus important si le modèle s'étend aux données non visibles. Dans un cas extrême, supposez que vous disposez d'un autre noeud terminal pour chaque enregistrement des données d'apprentissage. Le pourcentage d'estimation des risques est nul, car chaque enregistrement est inclus dans son propre noeud, mais le risque de classification erronée des données (de test) non visibles serait sans aucun doute supérieur à 0. La mesure de complexité des coûts est donc utilisée à des fins de compensation.

Exemple. Une entreprise de télévision câblée a requis la réalisation d'une étude marketing afin de déterminer les clients susceptibles de s'abonner à un service d'information interactif par câble. En utilisant les données de l'étude, vous pouvez créer un flux dans lequel le champ cible représente l'intention de souscrire à l'abonnement et les champs prédicteurs comprennent l'âge, le sexe, l'éducation, la catégorie de revenus, les heures passées devant la télévision par jour et le nombre d'enfants. En appliquant un noeud Arbre C&R au flux, vous pourrez prédire et classifier les réponses pour obtenir le taux de réponses le plus élevé pour votre campagne.

Conditions requises. L'apprentissage d'un modèle d'arbre C&RT requiert l'utilisation d'au moins un champ *Entrée* et d'un champ *Cible*. Les champs cible et d'entrée peuvent être continus (intervalle numérique) ou catégoriels. Les champs paramétrés sur *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans le modèle doivent être totalement instanciés et les champs ordinaux (ensemble ordonné) dont il se sert doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, vous pouvez utiliser le noeud Recoder pour les convertir.

Puissance. Les modèles d'arbre C&RT s'avèrent relativement robustes en présence de problèmes (par exemple, des données manquantes ou un nombre trop important de champs). Leur temps d'apprentissage est généralement court. De plus, les modèles d'arbre C&RT sont généralement plus faciles à comprendre que d'autres types de modèle dans la mesure où les règles extraites de ces modèles sont relativement simples à interpréter. Contrairement au noeud C5.0, le noeud Arbre C&RT prend en charge aussi bien les champs de sortie continus que catégoriels.

Noeud CHAID

CHAID (Chi-squared Automatic Interaction Detection) est une méthode de classification permettant de créer des arbres de décisions à l'aide de statistiques du khi-deux, afin d'identifier les divisions optimales.

CHAID vérifie d'abord les tableaux croisés entre chaque champ d'entrée, ainsi que les résultats et les tests de signification par le biais d'un test d'indépendance Khi-deux. Si plusieurs de ces relations s'avèrent significatives d'un point de vue statistique, CHAID sélectionne le champ d'entrée le plus significatif (valeur *p* minimale). Si une valeur d'entrée possède plusieurs catégories, celles-ci sont comparées. Les catégories dont les résultats sont identiques sont réduites simultanément. Cette

opération est effectuée en joignant la paire de catégories qui présente la plus faible différence de signification. Ce processus de fusion de catégories s'interrompt si toutes les autres catégories s'avèrent différentes au niveau de test indiqué. Pour les champs d'entrée nominaux, les catégories peuvent être fusionnées. Pour un ensemble d'ordinaux, seules les catégories contiguës peuvent l'être.

La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en profondeur toutes les divisions possibles pour chaque prédicteur, mais dont les calculs sont plus longs.

Conditions requises. Les champs cible et d'entrée peuvent être des champs continus ou catégoriels. Les noeuds peuvent être divisés en plusieurs sous-groupes à chaque niveau. Les champs ordinaux utilisés dans le modèle doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, vous pouvez utiliser le noeud Recoder pour les convertir.

Puissance. Contrairement aux noeuds Arbre C&RT et QUEST, CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Par conséquent, cette méthode a tendance à créer un arbre plus large que les méthodes de développement binaire. CHAID s'applique à tous les types d'entrées, et accepte les pondérations d'observation et les variables de fréquence.

Noeud QUEST

QUEST (ou Quick, Unbiased, Efficient Statistical Tree, arbre statistique efficace, non biaisé et rapide) est une méthode de classification binaire permettant de créer des arbres de décisions. L'une des principales raisons pour lesquelles cette méthode a été développée était de réduire le temps de traitement nécessaire aux analyses C&RT importantes, qui utilisaient alors de nombreuses variables ou observations. QUEST avait également pour objectif de limiter la tendance, observée parmi les méthodes d'arbre de classification, à favoriser les entrées autorisant un nombre supérieur de divisions, à savoir des champs d'entrée continus (intervalle numérique) ou ceux dotés de nombreuses catégories.

- QUEST utilise une séquence de règles, basée sur des tests de signification, pour évaluer les champs d'entrée d'un noeud. A des fins de sélection, vous pouvez être amené à n'effectuer qu'un seul test sur chaque entrée d'un noeud. Contrairement à Arbre C&RT, cette méthode ne vérifie pas toutes les divisions et, à la différence de C&RT et CHAID, elle ne teste pas non plus les combinaisons de catégories lorsqu'un champ d'entrée est évalué pour la sélection. L'analyse s'en trouve ainsi accélérée.
- Les divisions sont définies en exécutant une analyse discriminante quadratique via l'entrée sélectionnée dans les groupes qui se composent des catégories cible. Là encore, cette méthode accélère le processus lors d'une recherche complète (C&RT) pour déterminer la division optimale.

Conditions requises. Les champs d'entrée peuvent être continus (intervalles numériques), mais les champs cible doivent être catégoriels. Toutes les divisions sont binaires. Il est impossible d'utiliser les champs de pondération. Les champs ordinaux (ensemble ordonné) utilisés dans le modèle doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, vous pouvez utiliser le noeud Recoder pour les convertir.

Puissance. A l'instar de CHAID, mais contrairement à C&RT, QUEST a recours à des tests statistiques pour décider si un champ d'entrée doit éventuellement être utilisé. Cette méthode traite également à part les problèmes de sélection et de division d'entrées, en appliquant différents critères à chacun. QUEST contraste avec CHAID, méthode dans laquelle le résultat du test statistique déterminant la sélection de variables génère également la division. De même, l'arbre C&RT utilise la mesure d'incrément d'impureté pour sélectionner le champ d'entrée et définir la scission.

Options des champs du noeud Arbre décision

Dans l'onglet Champs, vous pouvez choisir d'utiliser les paramètres du rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont, ou de réaliser manuellement des affectations de champs.

Utiliser des rôles prédéfinis Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste aux divers champs de rôle à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle.

Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible pour la prévision.

Prédicteurs (Entrées). Choisissez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Pondération d'analyse. (CHAID, C&RT et Trees-AS uniquement) Pour utiliser un champ en tant que pondération d'observation, spécifiez le champ ici. Les pondérations d'observation sont utilisées pour représenter les différences de variance dans les niveaux du champ de résultat. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Options de création du noeud Arbre décision

L'onglet Options de création est celui où vous définissez toutes les options de création d'un modèle. Vous pouvez bien sûr cliquer simplement sur le bouton **Exécuter** pour créer un modèle avec toutes les options par défaut, mais normalement vous pouvez personnaliser la création selon vos propres objectifs.

L'onglet contient plusieurs sous-fenêtres dans lesquelles vous définissez les personnalisations propres à votre modèle.

Noeuds Arbre de décisions - Objectifs

Pour les noeuds Arbre C&R, QUEST et CHAID, dans la sous-fenêtre Objectifs de l'onglet Options de génération, indiquez si vous voulez générer un nouveau modèle ou mettre à jour un modèle existant. Vous définissez également l'objectif principal du noeud : pour créer un modèle standard, pour en créer un avec une exactitude ou une stabilité accrue, ou pour créer un nouveau modèle à utiliser avec des jeux de données très volumineux.

Que souhaitez-vous faire ?

Créer un modèle. (Par défaut) Crée un modèle entièrement nouveau à chaque fois que vous exécutez un flux contenant ce noeud de modélisation.

Poursuivre l'apprentissage du modèle existant. Par défaut, un modèle complètement nouveau est créé chaque fois qu'un noeud de modélisation est exécuté. Si vous sélectionnez cette option, l'apprentissage se poursuit sur le dernier modèle généré par le noeud. Cela permet de mettre à jour ou d'actualiser un modèle existant sans avoir à accéder aux données d'origine et peut permettre des performances nettement plus rapides car *seuls* les enregistrements nouveaux ou mis à jour sont acheminés dans le flux. Les détails relatifs au modèle précédent sont stockés avec le noeud de modélisation, ce qui permet d'utiliser cette option même si le nugget de modèle précédent n'est plus disponible dans le flux ou dans la palette de modèles.

Remarque : Cette option n'est activée que si vous sélectionnez comme objectif **Créer un arbre unique** (pour arbre C&R Tree, CHAID et QUEST), **Créer un modèle standard** (pour Réseau neuronal et Linéaire), ou **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux**.

Quel est votre objectif principal ?

- **Créer un seul arbre.** Crée un seul modèle d'arbre de décision standard. Les modèles standards sont généralement plus faciles à interpréter et peuvent être plus rapides à évaluer que des modèles créés en utilisant d'autres options d'objectif.

  Remarque : Dans le cas de modèles découpés, pour utiliser cette option avec **Poursuivre l'apprentissage du modèle existant**, vous devez être connecté à Analytic Server.

  Mode. Indique la méthode utilisée pour créer le modèle. **Générer le modèle** génère un modèle automatiquement lorsque le flux est exécuté. **Lancer une session interactive** ouvre le générateur

d'arbres, qui vous permet de créer votre propre arbre niveau par niveau, de modifier des divisions ou d'élaguer cet arbre selon vos besoins, avant de créer le nugget de modèle.

Utiliser les directives d'arbre. Sélectionnez cette option pour spécifier les directives à appliquer lors de la génération d'un arbre interactif depuis le noeud. Par exemple, vous pouvez spécifier les divisions effectuées aux premier et deuxième niveaux. Ces divisions sont appliquées automatiquement quand le générateur d'arbres est lancé. Il est également possible d'enregistrer les directives d'une session de création d'arbre interactif pour régénérer l'arbre ultérieurement. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Mise à jour des directives d'arbre», à la page 92.

- **Améliorer l'exactitude du modèle (boosting).** Sélectionnez cette option si vous souhaitez utiliser une méthode spéciale, appelée **amélioration**, afin d'améliorer le taux d'exactitude du modèle. L'amélioration repose sur la création séquentielle de plusieurs modèles. Le premier modèle est généré de manière classique. Un deuxième modèle est généré ; il contient essentiellement les enregistrements qui n'ont pas été correctement classés par le premier modèle. Un troisième modèle contenant les erreurs du deuxième arbre est ensuite généré, et ainsi de suite. Au final, l'ensemble des modèles est appliqué aux observations à l'aide d'une procédure de vote pondéré qui permet de combiner les différentes prévisions en une prévision globale. Si le processus d'amélioration peut accroître de façon significative l'exactitude d'un modèle d'arbre de décision, son utilisation requiert également un temps d'apprentissage plus long.
- **Améliorer la stabilité du modèle (bagging).** Sélectionnez cette option si vous souhaitez utiliser une méthode spéciale, appelée **bagging**, (agrégation par bootstrap) afin d'améliorer la stabilité du modèle et d'éviter le surajustement. Cette option créé plusieurs modèles et les combine afin d'obtenir des prédictions plus fiables. La création et l'évaluation des modèles obtenus à l'aide de cette option peut prendre davantage de temps que des modèles standard.
- **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux.** Sélectionnez cette option lorsque vous travaillez avec des jeux de données trop volumineux pour créer un modèle qui utilise une des autres options d'objectif. Cette option divise les données en blocs de données plus petits et construit un modèle pour chaque bloc. Les modèles les plus précis sont alors automatiquement sélectionnés et combinés pour créer un nugget de modèle unique. Vous pouvez réaliser une mise à jour d'un modèle incrémentiel si vous sélectionnez l'option **Poursuivre l'apprentissage du modèle existant** sur cet écran.

  Remarque : Cette option destinée aux jeux de données très volumineux nécessite une connexion à IBM SPSS Modeler Server.

Noeuds Arbre de décision - Bases

Spécifiez les options de base de la génération de l'arbre de décisions.

Algorithme de croissance d'arbre (CHAID et Tree-AS uniquement) Sélectionnez le type d'algorithme **CHAID** que vous souhaitez utiliser. La méthode **Exhaustive CHAID** correspond à une modification du CHAID qui examine plus en profondeur toutes les divisions possibles pour chaque prédicteur, mais dont les calculs sont plus longs.

Profondeur maximale d'arbre Spécifiez le nombre maximal de niveaux en dessous du noeud racine (nombre de fois où l'échantillon sera divisé de manière récursive). La valeur par défaut est 5. Sélectionnez **Personnaliser** et saisissez une valeur pour spécifier un nombre de niveaux différent.

Elagage (C&RT et QUEST uniquement)

Elagage de l'arbre pour éviter le surajustement L'élagage consiste à supprimer les scissions de niveau inférieur qui ne contribuent pas de manière significative à l'exactitude de l'arbre. L'élagage peut permettre de simplifier l'arbre, ce qui peut faciliter l'interprétation et, dans certains cas, améliorer la généralisation. Si vous souhaitez que l'ensemble de l'arbre ne subisse aucun élagage, laissez cette option désélectionnée.

- **Définir la différence maximale de risque (dans les erreurs standard)** Permet de spécifier une règle d'élagage plus libérale. La règle d'erreur standard permet de sélectionner l'arbre le plus élémentaire dont le risque estimé est proche (mais éventuellement supérieur) de celui du sous-arbre présentant le

risque le plus faible. La valeur indique la taille de l'écart autorisé pour le risque estimé entre l'arbre élagué et l'arbre présentant le risque le plus faible en termes de risque estimé. Par exemple, si vous spécifiez 2, un arbre dont le risque estimé est (2 x erreur standard) supérieur à celui de l'arbre entier peut être sélectionné.

Nombre maximal de substitutions. Les substitutions permettent de résoudre les problèmes de valeurs manquantes. Pour chaque découpage dans l'arbre, l'algorithme identifie les champs d'entrée les plus proches du champ de découpage sélectionné. Ces champs deviennent les *substitutions* pour ce découpage. Lorsqu'un enregistrement doit être classé mais qu'une valeur est manquante dans un champ de découpage, le noeud utilisera la valeur correspondante dans un champ substitut afin d'opérer le découpage. Si l'augmentation de ce paramètre permet une gestion plus polyvalente des valeurs manquantes, elle accroît également l'utilisation de la mémoire et allonge la durée de l'apprentissage.

Noeuds Arbre de décisions - Règles d'arrêt

Ces options permettent de contrôler la création de l'arbre. Les règles d'arrêt déterminent quand des branches spécifiques de l'arbre doivent être arrêtées. Vous pouvez définir des tailles de branche minimale pour éviter que le découpage ne crée des sous-groupes trop petits. **Nombre minimal d'enregistrements dans la branche parent** permet d'éviter le découpage si le nombre d'enregistrements dans le noeud devant être découpé (le noeud *parent*) est inférieur à la valeur spécifiée. **Nombre minimal d'enregistrements dans la branche enfant** permet d'éviter le découpage si le nombre d'enregistrements dans une branche créée par le découpage (les noeuds *enfant*) est inférieur à la valeur spécifiée.

- **Utiliser pourcentage** Permet de spécifier, sous forme de pourcentage, la taille globale des données d'apprentissage.
- **Utiliser valeur absolue** Permet de spécifier les tailles en tant que nombre absolu d'enregistrements.

Noeuds Arbre de décisions - Ensembles

Ces paramètres déterminent le comportement d'assemblage qui se produit lors du boosting, du bagging ou lorsque des jeux de données volumineux sont requis dans les objectifs. Les options qui ne s'appliquent pas à l'objectif sélectionné sont ignorées.

Bagging et très grands jeux de données. Lors de l'évaluation d'un ensemble, il s'agit de la règle utilisée pour combiner les valeurs prédites à partir des modèles de base pour calculer la valeur de score d'un ensemble.

- **Règle de combinaison par défaut pour les cibles catégorielles.** Des valeurs prédites d'ensemble pour ces cibles catégorielles peuvent être combinées à l'aide du vote, de la probabilité la plus élevée ou de la probabilité de moyenne la plus élevée. Le **vote** sélectionne la catégorie qui a la plus forte probabilité le plus souvent sur les mêmes modèles de base. La **probabilité la plus élevée** sélectionne la catégorie qui atteint la probabilité la plus élevée sur tous les modèles de base. La **probabilité de moyenne la plus élevée** sélectionne la catégorie dont la valeur est la plus élevée lorsqu'est effectué la moyenne des probabilités de catégorie sur les modèles de base.
- **Règle de combinaison par défaut pour les cibles continues.** Des valeurs prédites d'ensemble pour des cibles continues peuvent être combinées à l'aide de la moyenne ou de la médiane des valeurs prédites à partir des modèles de base.

Veuillez noter que lorsque l'objectif consiste à améliorer l'exactitude du modèle, les sélections de règles de combinaisons sont ignorées. Le boosting utilise toujours un vote majoritaire pondéré pour évaluer des cibles catégorielles et une médiane pondérée pour évaluer des cibles continues.

Boosting et Bagging. Spécifiez le nombre de modèles de base à créer lorsque l'objectif est d'améliorer l'exactitude ou la stabilité du modèle ; pour le bagging, il s'agit du nombre d'échantillons de bootstrap. Il doit s'agir d'un entier positif.

Noeuds C&RT et QUEST - Coûts & Probabilités a priori

Coûts de classification erronée

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

A l'exception des modèles C5.0, les coûts d'une classification erronée ne s'appliquent lorsque vous évaluez un modèle et ne sont pas pris en compte lors du classement ou de la comparaison de modèles par le biais d'un noeud Classificateur automatique, d'un graphique Evaluation ou d'un noeud Analyse. Il se peut qu'un modèle comprenant des coûts ne produise pas moins d'erreurs qu'un modèle n'en comprenant pas et ne classe pas de façon maximale en termes d'exactitude générale. En revanche, il est probable, qu'en pratique, ses performances soient meilleures du fait qu'il dispose de biais intégrés rendant les erreurs *moins coûteuses*.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Probabilités a priori

Ces options vous permettent de spécifier les probabilités a priori des catégories lors de la prévision d'un champ cible symbolique. Les **probabilités a priori** sont des estimations de l'effectif relatif global de chaque catégorie cible dans la population d'où sont extraites les données d'apprentissage. Autrement dit, ce sont les estimations de probabilité que vous feriez pour chaque valeur cible possible *avant* de connaître quoi que ce soit sur les valeurs de prédicteur. Vous pouvez les configurer de trois façons différentes.

- **En fonction des données d'apprentissage.** Il s'agit de la valeur par défaut. Les probabilités a priori sont basées sur les effectifs relatifs des catégories dans les données d'apprentissage.
- **Identiques pour toutes les classes.** Les probabilités a priori sont définies par $1/k$, où k correspond au nombre de catégories cible.
- **Personnalisé.** Vous pouvez spécifier vos propres probabilités a priori. Les valeurs des probabilités a priori sont définies comme étant identiques pour toutes les classes. Vous pouvez ensuite ajuster les probabilités de chaque catégorie selon les valeurs définies par l'utilisateur. Pour ajuster la probabilité d'une catégorie spécifique, sélectionnez la cellule de probabilité dans le tableau correspondant à la catégorie choisie, supprimez le contenu de la cellule et entrez la valeur souhaitée.

Le total des probabilités a priori de toutes les catégories doit être égal à 1 (la **contrainte de probabilité**). Dans le cas contraire, un avertissement apparaît, avec une option d'effectuer un ajustement automatique des valeurs. Cette fonction d'ajustement automatique permet de préserver les proportions entre catégories tout en respectant la contrainte de probabilité. Vous pouvez effectuer cet ajustement à tout moment en cliquant sur le bouton **Normaliser**. Pour restaurer le tableau afin d'obtenir des valeurs égales dans toutes les catégories, cliquez sur le bouton **Egaliser**.

Ajuster les probabilités a priori en utilisant les coûts de classification erronée. Cette option vous permet d'ajuster les probabilités a priori, en fonction des coûts de classification erronée (onglet Coûts). Cela vous permet d'intégrer des informations sur les coûts au processus d'accroissement pour les arbres qui utilisent la mesure d'impureté Associer par paire. (Lorsque cette option n'est pas sélectionnée, les informations sur les coûts sont uniquement utilisées pour la classification des enregistrements et le calcul des risques estimés pour les arbres, en fonction de la mesure Associer par paire.)

Noeud CHAID - Coûts

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

A l'exception des modèles C5.0, les coûts d'une classification erronée ne s'appliquent lorsque vous évaluez un modèle et ne sont pas pris en compte lors du classement ou de la comparaison de modèles par le biais d'un noeud Classificateur automatique, d'un graphique Evaluation ou d'un noeud Analyse. Il se peut qu'un modèle comprenant des coûts ne produise pas moins d'erreurs qu'un modèle n'en comprenant pas et ne classe pas de façon maximale en termes d'exactitude générale. En revanche, il est probable, qu'en pratique, ses performances soient meilleures du fait qu'il dispose de biais intégrés rendant les erreurs *moins coûteuses*.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Noeud Arbre C&RT - Options avancées

Les options avancées vous permettent d'affiner le processus de génération d'arbres.

Incrément minimal de l'impureté. Indiquez une valeur pour générer un nouveau découpage dans l'arbre. L'**impureté** correspond à la mesure de la variabilité, dans les sous-groupes définis par l'arbre, des valeurs de leurs champs de sortie. Pour les cibles catégorielles, un noeud est considéré comme étant "pur" si 100 % de ses observations sont incluses dans une catégorie spécifique du champ cible. La création d'arbre vise à créer des sous-groupes ayant des résultats similaires, c'est-à-dire à minimiser l'impureté de chaque noeud. Si le meilleur découpage calculé pour une branche signifie une réduction de l'impureté inférieure à la valeur spécifiée, alors le découpage ne sera pas effectué.

Mesure d'impureté pour cibles catégorielles. Pour les champs cible catégoriels, indiquez la méthode utilisée pour mesurer l'impureté de l'arbre. (Pour les cibles continues, cette option n'est pas prise en compte et la mesure d'impureté **au moindre carré** est toujours utilisée.)

- **Gini** est une mesure d'impureté générale dont le calcul est basé sur les probabilités d'appartenance à une catégorie de la branche.
- La mesure **Associer par paire** est une autre mesure d'impureté qui met l'accent sur le découpage binaire : elle permet d'obtenir des branches de tailles plus similaires.

- **Ordonné** ajoute la contrainte supplémentaire selon laquelle seules les catégories cible contiguës peuvent être regroupées, comme c'est le cas pour les cibles ordinales uniquement. Si cette option est sélectionnée pour une cible nominale, la mesure Associer par paire standard est utilisée par défaut.

Ensemble de prévention du surajustement. L'algorithme sépare les enregistrements de manière interne en un ensemble de création de modèle et un ensemble de prévention de surajustement, qui est un ensemble d'enregistrements de données servant à effectuer le suivi des erreurs pendant l'apprentissage afin d'éviter que la méthode ne réalise la modélisation d'une variation aléatoire dans les données. Spécifier un pourcentage d'enregistrements. La valeur par défaut est 30.

Dupliquer les résultats. Définir une valeur de départ aléatoire vous permet de dupliquer des analyses. Spécifiez un entier ou cliquez sur **Générer**, ce qui crée un entier pseudo-aléatoire compris entre 1 et 2147483647, inclus.

Noeud QUEST - Options avancées

Les options avancées vous permettent d'affiner le processus de génération d'arbres.

Niveau d'importance pour la scission. Indique le niveau d'importance (alpha) de la division des noeuds. Cette valeur doit être comprise entre 0 et 1. Les valeurs inférieures ont tendance à créer des arbres avec moins de noeuds.

Ensemble de prévention du surajustement. L'algorithme sépare les enregistrements de manière interne en un ensemble de création de modèle et un ensemble de prévention de surajustement, qui est un ensemble d'enregistrements de données servant à effectuer le suivi des erreurs pendant l'apprentissage afin d'éviter que la méthode ne réalise la modélisation d'une variation aléatoire dans les données. Spécifier un pourcentage d'enregistrements. La valeur par défaut est 30.

Dupliquer les résultats. Définir une valeur de départ aléatoire vous permet de dupliquer des analyses. Spécifiez un entier ou cliquez sur **Générer**, ce qui crée un entier pseudo-aléatoire compris entre 1 et 2147483647, inclus.

Noeud CHAID - Options avancées

Les options avancées vous permettent d'affiner le processus de génération d'arbres.

Niveau d'importance pour la scission. Indique le niveau d'importance (alpha) de la division des noeuds. Cette valeur doit être comprise entre 0 et 1. Les valeurs inférieures ont tendance à créer des arbres avec moins de noeuds.

Niveau d'importance pour la fusion. Indique le niveau de signification (alpha) de la fusion des catégories. Cette valeur doit être supérieure à 0, et inférieure ou égale à 1. Pour empêcher toute fusion de catégories, spécifiez la valeur 1. Pour les cibles continues, cela signifie que le nombre de catégories de la variable de l'arbre final correspond au nombre d'intervalles fourni. Cette option n'est pas disponible pour la méthode Exhaustive CHAID.

Ajuster les valeurs de signification à l'aide de la méthode Bonferroni. Corrige les valeurs de signification lorsque les différentes combinaisons de catégories d'un prédicteur sont testées. Ces valeurs sont corrigées en fonction du nombre de tests, lui-même en rapport direct avec le nombre de catégories et le niveau de mesure d'un prédicteur. En général, ce cas de figure est souhaitable, car il permet de contrôler le taux de faux positif. Si vous désactivez cette option, l'analyse effectuée est plus à même de détecter les différences réelles, mais au prix d'un taux de faux positif plus élevé. Il peut être notamment conseillé de désactiver cette option pour les petits échantillons.

Autoriser la scission à nouveau des catégories fusionnées à l'intérieur d'un noeud. L'algorithme CHAID tente de fusionner les catégories pour créer l'arbre le plus élémentaire décrivant le modèle. Si elle est sélectionnée, cette option permet de rediviser les catégories fusionnées si cette solution se révèle plus favorable.

Khi-deux pour les cibles catégorielles. Pour les cibles catégorielles, vous pouvez indiquer la méthode permettant de calculer les statistiques Khi-deux.

- **Pearson.** Cette méthode fournit des calculs plus rapides mais doit être utilisée avec précaution sur les petits échantillons.
- **Rapport de vraisemblance.** Cette méthode est plus puissante que la méthode Pearson, mais ses calculs s'avèrent plus longs. C'est la méthode la plus adaptée aux petits échantillons. Cette méthode est toujours utilisée pour les cibles continues.

Modification minimale dans les prévisions de fréquences de cellule. Lors de l'estimation des fréquences de cellule (pour le modèle nominal et le modèle ordinal d'effets de ligne), une procédure itérative (epsilon) permet d'effectuer une convergence sur l'estimation optimale utilisée pendant le test du khi-deux d'une division. Epsilon détermine le nombre de changements devant survenir pour que les itérations puissent se poursuivre. Si le nombre de changements produits par la dernière itération est inférieur à la valeur fournie, ces itérations prennent fin. Si vous ne parvenez pas à faire converger l'algorithme, vous pouvez incrémenter cette valeur ou le nombre maximal d'itérations jusqu'à ce que la convergence ait lieu.

Itérations maximales pour convergence. Indique le nombre maximal d'itérations se produisant avant de s'interrompre, que la convergence ait lieu ou non.

Ensemble de prévention du surajustement. (Cette option n'est disponible que si vous utilisez le générateur d'arbre interactif). L'algorithme sépare les enregistrements de manière interne en un ensemble de création de modèle et un ensemble de prévention de surajustement, qui est un ensemble d'enregistrements de données servant à effectuer le suivi des erreurs pendant l'apprentissage afin d'éviter que la méthode ne réalise la modélisation d'une variation aléatoire dans les données. Spécifier un pourcentage d'enregistrements. La valeur par défaut est 30.

Dupliquer les résultats. Définir une valeur de départ aléatoire vous permet de dupliquer des analyses. Spécifiez un entier ou cliquez sur **Générer**, ce qui crée un entier pseudo-aléatoire compris entre 1 et 2147483647, inclus.

Noeud Arbre de décisions - Options du modèle

Dans l'onglet Options de modèle, vous pouvez choisir de spécifier un nom pour le modèle ou de générer automatiquement un nom. Vous pouvez aussi choisir d'obtenir les informations d'importance des prédicteurs, ainsi que les scores de propension brute et ajustée pour les cibles indicateurs.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Evaluation de modèle

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance des prédicteurs peut prendre davantage de temps à être calculée pour certains modèles, en particulier si vous travaillez sur de plus grands jeux de données, et qu'elle est par conséquent désactivée par défaut pour certains modèles. L'importance des prédicteurs n'est pas disponible pour des modèles de liste de décision. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Scores de propension

Des scores de propension peuvent être établis dans le noeud de modélisation et dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle. Cette fonctionnalité n'est disponible que lorsque la cible sélectionnée est un champ indicateur. Pour plus d'informations, voir «Scores de propension», à la page 34.

Calculer les scores de propension brute. Les scores de propension brute sont calculés à partir du modèle uniquement en fonction des données d'apprentissage. Si le modèle prédit la valeur *true (vrai)* (que cette valeur va être la réponse), alors la propension est identique à P, où P est la probabilité de la prédiction. Si le modèle prédit la valeur false (faux), alors la propension est calculée sous la forme (1 - P).

- Si vous choisissez cette option lors de la construction du modèle, des scores de propension sont activés par défaut dans le nugget du modèle. Cependant, vous pouvez toujours choisir d'activer des scores de

propension brute dans le nugget du modèle que vous les sélectionniez ou non dans le noeud de modélisation.

- Lors du scoring du modèle, des scores de propension brute seront ajoutés dans un champ avec les lettres *RP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RRP-churn*.

Calculer les scores de propension ajustée. Les propensions brutes sont uniquement basées sur des estimations données par le modèle, qui peut être surajusté, ce qui entraîne des estimations trop optimistes de la propension. Les propensions ajustées tentent de compenser en vérifiant comment le modèle se comporte sur des partitions de test ou de validation et en ajustant les propensions pour donner une meilleure estimation en conséquence.

- Ce paramètre nécessite qu'un champ de partition valide soit présent dans le flux.
- A la différence des scores de confiance brute, les scores de propension ajustée doivent être calculés lors de la construction du modèle ; sinon, ils ne seront pas disponibles lors du scoring du nugget du modèle.
- Lors du scoring du modèle, des scores de propension ajustée seront ajoutés dans un champ avec les lettres *AP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RAP-churn*. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles de régression logistique.
- Lors du calcul des scores de propension ajustée, la partition de test ou de validation utilisée pour le calcul ne doit pas avoir été équilibrée. Pour éviter cela, assurez-vous que l'option **Equilibrer uniquement les données d'apprentissage** est sélectionnée dans tous les noeuds Equilibrer en amont. De plus, si un échantillon complexe a été pris en amont, cela invalide les scores de propension ajustée.
- Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles d'arbres "améliorés" et d'ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.

Basé sur. Pour que les scores de propension ajustée soient calculés, un champ de partition doit être présent dans le flux. Vous pouvez spécifier s'il faut utiliser la partition de test ou de validation pour ce calcul. Pour de meilleurs résultats, la partition de test ou de validation doit comprendre au moins autant d'enregistrements que la partition utilisée pour l'apprentissage du modèle original.

Noeud C5.0

Cette fonction est disponible dans SPSS Modeler Professional et SPSS Modeler Premium.

Ce noeud utilise l'algorithme C5.0 pour générer un **arbre de décisions** ou un **ensemble de règles**. Le fonctionnement d'un modèle C5.0 repose sur un découpage de l'échantillon basé sur le champ qui fournit **le gain d'informations** le plus important. Chaque sous-échantillon issu du premier découpage est de nouveau découpé (le modèle utilise généralement un autre champ). Ce processus se répète jusqu'à ce que les sous-échantillons ne puissent plus être découpés. Finalement, les sous-échantillons finaux sont réexaminés : ceux qui n'influent pas de manière significative sur la valeur du modèle sont supprimés ou **élagués**.

Remarque : Le noeud C5.0 ne peut prévoir qu'une cible catégorielle. Lors de l'analyse de données à l'aide de champs catégoriels (ordinaux ou nominaux), le noeud regroupera généralement des catégories différentes de celles des versions C5.0 antérieures à la version 11.0.

Un noeud C5.0 peut produire deux types de modèle. Un **arbre de décisions** est une description simple des découpages trouvés par l'algorithme. Chaque noeud terminal (ou « feuille » décrit un sous-ensemble particulier des données d'apprentissage ; chacune des observations contenues dans les données d'apprentissage correspond à un seul noeud terminal de l'arbre. Autrement dit, chacun des enregistrements présentés à l'arbre de décisions ne peut donner lieu qu'à une seule prévision.

En revanche, un **ensemble de règles** tente de générer plusieurs prévisions pour chaque enregistrement. Les ensembles de règles, dérivés des arbres de décisions, représentent d'une certaine manière une version simplifiée des informations contenues dans l'arbre. Les ensembles de règles sont capables de conserver la plupart des informations importantes d'un arbre de décisions, selon un modèle moins complexe cependant. Les ensembles de règles n'ont pas les mêmes propriétés que les arbres de

décisions. La principale différence est que dans un ensemble de règles, un enregistrement spécifique peut faire l'objet de plusieurs règles ou bien d'aucune. Si plusieurs règles peuvent s'appliquer à un enregistrement, chacune de ces règles fait l'objet d'un "vote" pondéré basé sur le degré de confiance associée à cette règle. La prévision finale est alors calculée en combinant les votes pondérés de toutes les règles qui s'appliquent à l'enregistrement en question. Si aucune règle ne s'applique à un enregistrement, une prévision par défaut lui est alors attribuée.

Exemple. Un chercheur en médecine a rassemblé des données sur un ensemble de patients, tous souffrant de la même maladie. Lors du traitement, chaque patient a réagi à l'un des cinq médicaments. Vous pouvez utiliser un modèle C5.0, en association avec d'autres noeuds, afin de découvrir le médicament le plus approprié pour un patient futur porteur de la même maladie.

Conditions requises. Pour former un modèle C5.0, il doit exister un champ catégoriel (c'est-à-dire nominal ou ordinal) *Cible* et un ou plusieurs champs *Entrée* de tout type. Les champs paramétrés sur *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés. Un champ poids peut aussi être spécifié.

Puissance. Les modèles C5.0 s'avèrent relativement solides en présence de problèmes tels que des données manquantes ou un grand nombre de champs. Leur temps d'apprentissage est généralement court. En outre, les modèles C5.0 sont généralement plus faciles à comprendre que d'autres types de modèle dans la mesure où les règles extraites de ces modèles ne sont pas difficiles à interpréter. C5.0 propose également une **méthode** d'amélioration qui permet d'accroître l'exactitude de la classification.

Remarque : L'activation du traitement parallèle peut profiter à la vitesse de création des modèles C5.0.

Noeud C5.0 - Options du modèle

Nom de modèle. Indiquez le nom du modèle à générer.

- **Automatique.** Lorsque cette option est sélectionnée, le nom du modèle est généré automatiquement, sur la base des noms du champ cible. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Personnalisé.** Sélectionnez cette option pour indiquer votre nom pour le nugget de modèle qui sera créé par ce noeud.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Type de sortie. Spécifiez le type de nugget de modèle : **Arbre de décisions** ou **Jeu de règles**.

Grouper les valeurs symboliques. Lorsque cette option est sélectionnée, le noeud C5.0 tente de combiner les valeurs symboliques présentant des tendances similaires en ce qui concerne le champ de sortie. Si elle n'est pas sélectionnée, le noeud C5.0 crée un noeud enfant pour chacune des valeurs du champ symbolique utilisé pour le découpage du noeud parent. Par exemple, si le noeud C5.0 découpe un champ *Couleur* (comprenant les valeurs *ROUGE*, *VERT* et *BLEU*), il crée un découpage en trois groupes par défaut. Cependant, si cette option est sélectionnée et que les enregistrements dans lesquels *Couleur* = *ROUGE* sont très similaires à ceux dans lesquels *Couleur* = *BLEU*, le noeud effectue un découpage en deux groupes, avec les valeurs *VERT* dans un groupe, et les valeurs *BLEU* et *ROUGE* dans un autre.

Utiliser l'amélioration. Pour améliorer sa exactitude, l'algorithme dispose d'une méthode spéciale appelée **amélioration**. Cette méthode repose sur la création séquentielle de plusieurs modèles. Le premier modèle est généré de manière classique. Un deuxième modèle est généré ; il contient essentiellement les enregistrements qui n'ont pas été correctement classés par le premier modèle. Un troisième modèle contenant les erreurs du deuxième arbre est ensuite généré, et ainsi de suite. Au final, l'ensemble des modèles est appliqué aux observations à l'aide d'une procédure de vote pondéré qui permet de combiner les différentes prévisions en une prévision globale. Si le processus d'amélioration peut accroître de façon significative l'exactitude des modèles C5.0, son utilisation requiert également un temps d'apprentissage plus long. L'option **Nombre d'essais** permet de contrôler le nombre de modèles

utilisés pour générer le modèle amélioré. Cette fonction est basée sur les recherches de Freund & Schapire, associées à des améliorations propriétaires permettant de mieux gérer les données parasites.

Effectuer la validation croisée. Si cette option est sélectionnée, le noeud C5.0 utilise un ensemble de modèles générés à partir de sous-ensembles des données d'apprentissage pour évaluer l'exactitude d'un modèle généré à partir du de l'ensemble de données intégral. Cette option peut se révéler utile lorsque votre l'ensemble de données n'est pas assez important pour effectuer un découpage traditionnel en ensembles d'apprentissage et de test. Les modèles de validation croisée sont supprimés une fois l'estimation de l'exactitude calculée. Vous pouvez spécifier le **nombre de validations croisées** ou le nombre de modèles utilisés pour la validation croisée. Notez que dans les précédentes versions de IBM SPSS Modeler, la construction et la validation croisée du modèle étaient deux opérations distinctes. Dans la version actuelle, aucune étape de construction de modèle distincte n'est nécessaire. La construction et la validation croisée du modèle sont effectuées en même temps.

Mode. Pour un apprentissage **simple**, la plupart des paramètres du noeud C5.0 sont automatiquement configurés. L'apprentissage **expert** vous procure un contrôle plus direct des paramètres de l'apprentissage.

Options du mode simple

Préférence. Par défaut, le noeud C5.0 tente de générer l'arbre le plus précis possible. Cela peut parfois provoquer des problèmes de surajustement, ce qui peut se traduire par des performances médiocres lorsque vous appliquez le modèle à de nouvelles données. Sélectionnez l'option **Généralité** pour utiliser les paramètres de l'algorithme qui sont les moins susceptibles de provoquer ce problème.

Remarque : Les modèles générés avec l'option **Généralité** sélectionnée ne généralisent pas nécessairement mieux que d'autres modèles. Pour éviter ce problème, évaluez toujours votre modèle à l'aide d'un échantillon.

Bruit théorique (%). Spécifiez le pourcentage de données superflues ou erronées prévu dans l'ensemble d'apprentissage.

Options du mode expert

Taux d'élagage. Permet de déterminer l'importance de l'élagage qui sera effectué sur l'arbre de décisions ou l'ensemble de règles généré. Plus vous augmentez cette valeur, plus votre arbre sera concis. Plus vous la réduisez, plus votre arbre sera précis. Ce paramètre a une incidence sur l'élagage local uniquement (reportez-vous à la rubrique "Utiliser l'élagage global" ci-dessous).

Nombre minimal d'enregistrements par branche enfant. Vous pouvez modifier la taille des sous-groupes afin de limiter le nombre de séparations que comportent les branches de votre arbre. Une branche sera divisée uniquement si au moins deux des sous-branches obtenues contiennent le nombre minimum d'enregistrements de données d'apprentissage spécifié. La valeur par défaut est 2. Vous pouvez augmenter cette valeur pour éviter le phénomène de **surentraînement** en cas de données parasites.

Utiliser l'élagage global. Deux étapes sont nécessaires pour élaguer un arbre : L'étape d'élagage local examine d'abord les sous-arbres et réduit les branches pour augmenter l'exactitude du modèle. Au cours de l'élagage global, l'arbre est considéré dans son ensemble et les sous-arbres faibles peuvent être réduits. L'élagage global est effectué par défaut. Pour passer outre à l'élagage global, désélectionnez l'option correspondante.

Attributs Winnow. Si cette option est sélectionnée, C5.0 étudie l'utilité des prédicteurs avant de commencer la construction du modèle. Les prédicteurs considérés comme non pertinentes sont ensuite exclues du processus de construction du modèle. Cette option peut être utile pour les modèles contenant de nombreux champs prédicteurs et peut permettre d'éviter le surajustement.

Remarque : L'activation du traitement parallèle peut profiter à la vitesse de création des modèles C5.0.

Noeud Tree-AS

Le noeud Tree-AS peut être utilisé avec les données dans un environnement distribué. Dans ce noeud, vous pouvez choisir de générer des arbres de décision à l'aide d'un modèle CHAID ou CHAID exhaustif.

CHAID (Chi-squared Automatic Interaction Detection) est une méthode de classification permettant de créer des arbres de décisions à l'aide de statistiques du khi-deux, afin d'identifier les divisions optimales.

CHAID vérifie d'abord les tableaux croisés entre chaque champ d'entrée, ainsi que les résultats et les tests de signification par le biais d'un test d'indépendance Khi-deux. Si plusieurs de ces relations s'avèrent significatives d'un point de vue statistique, CHAID sélectionne le champ d'entrée le plus significatif (valeur *p* minimale). Si une valeur d'entrée possède plusieurs catégories, celles-ci sont comparées. Les catégories dont les résultats sont identiques sont réduites simultanément. Cette opération est effectuée en joignant la paire de catégories qui présente la plus faible différence de signification. Ce processus de fusion de catégories s'interrompt si toutes les autres catégories s'avèrent différentes au niveau de test indiqué. Pour les champs d'entrée nominaux, les catégories peuvent être fusionnées. Pour un ensemble d'ordinaux, seules les catégories contiguës peuvent l'être.

La méthode Exhaustive CHAID correspond à une modification du CHAID qui examine plus en profondeur toutes les divisions possibles pour chaque prédicteur, mais dont les calculs sont plus longs.

Conditions requises. Les champs cible et d'entrée peuvent être des champs continus ou catégoriels. Les noeuds peuvent être divisés en plusieurs sous-groupes à chaque niveau. Les champs ordinaux utilisés dans le modèle doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, utilisez le noeud Recoder pour les convertir.

Puissance. CHAID peut générer des arbres non binaires, ce qui implique que certaines divisions possèdent plusieurs branches. Par conséquent, cette méthode a tendance à créer un arbre plus large que les méthodes de développement binaire. CHAID s'applique à tous les types d'entrées, et accepte les pondérations d'observation et les variables de fréquence.

Options des champs de noeud Tree-AS

Dans l'onglet Champs, vous pouvez choisir d'utiliser les paramètres du rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont, ou de réaliser manuellement des affectations de champs.

Utiliser des rôles prédéfinis Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste aux divers champs de rôle à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle.

Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible pour la prévision.

Prédicteurs Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Pondération d'analyse Pour utiliser un champ en tant que pondération d'observation, spécifiez le champ ici. Les pondérations d'observation sont utilisées pour représenter les différences de variance dans les niveaux du champ de résultat. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Options de création de noeud Tree-AS

L'onglet Options de création est celui où vous définissez toutes les options de création d'un modèle. Vous pouvez bien sûr cliquer simplement sur le bouton **Exécuter** pour créer un modèle avec toutes les options par défaut, mais normalement vous pouvez personnaliser la création selon vos propres objectifs.

L'onglet contient plusieurs sous-fenêtres dans lesquelles vous définissez les personnalisations propres à votre modèle.

Noeud Tree-AS Forest - Concepts de base

Spécifiez les options de base de la génération de l'arbre de décisions.

Algorithme de croissance d'arbre Sélectionnez le type d'algorithme **CHAID** que vous souhaitez utiliser. La méthode **Exhaustive CHAID** correspond à une modification du CHAID qui examine plus en profondeur toutes les divisions possibles pour chaque prédicteur, mais dont les calculs sont plus longs.

Profondeur maximale d'arbre Spécifiez le nombre maximal de niveaux en dessous du noeud racine (nombre de fois où l'échantillon est divisé de manière récursive. La valeur par défaut est 5. Le nombre maximal de niveaux (également appelés *noeuds*) est 50 000.

Regroupement par casiers Si vous utilisez des données continues, vous devez regrouper les entrées. Cette opération peut s'effectuer sur un noeud précédent. Cependant, le noeud Tree-AS regroupe automatiquement les entrées continues. Si vous utilisez le noeud Tree-AS pour regrouper automatiquement les données, sélectionnez le **Nombre de casiers** en fonction duquel les entrées doivent être divisées. Les données sont divisées en casiers selon un intervalle régulier. Les options disponibles sont 2, 4, 5, 10, 20, 25, 50 et 100.

Noeud Tree-AS - Croissance

Utilisez les options de croissance pour affiner le processus de génération d'arbres.

Seuil d'enregistrement pour basculer de valeurs p vers tailles d'effet Indiquez le nombre d'enregistrements à partir duquel le modèle n'utilise plus **Paramètres des valeurs P** au profit de **Paramètres de taille d'effet** lors de la génération de l'arbre. La valeur par défaut est 1 000 000.

Niveau d'importance pour la scission Indiquez le niveau d'importance (alpha) de la division des noeuds. La valeur doit être comprise entre 0.01 et 0.99. Les valeurs faibles génèrent des arbres comportant moins de noeuds.

Niveau d'importance pour la fusion Indiquez le niveau de signification (alpha) de la fusion des catégories. La valeur doit être comprise entre 0.01 et 0.99. Cette option n'est pas disponible pour la méthode Exhaustive CHAID.

Ajuster les valeurs de signification à l'aide de la méthode Bonferroni Ajustez la signification lorsque vous testez les différentes combinaisons de catégories d'un prédicteur. Ces valeurs sont corrigées en fonction du nombre de tests, lui-même en rapport direct avec le nombre de catégories et le niveau de mesure d'un prédicteur. En général, ce cas de figure est souhaitable, car il permet de contrôler le taux de faux positif. Si vous désactivez cette option, l'analyse effectuée est plus à même de détecter les différences réelles, mais au prix d'un taux de faux positif plus élevé. Il peut être notamment conseillé de désactiver cette option pour les petits échantillons.

Seuil de taille d'effet (cibles continues uniquement) Indiquez le seuil de taille d'effet à utiliser lors de la division des noeuds et de la fusion des catégories, lors de l'utilisation d'une cible continue. La valeur doit être comprise entre 0,01 et 0,99.

Seuil de taille d'effet (cibles catégorielles uniquement) Indiquez le seuil de taille d'effet à utiliser lors de la division des noeuds et de la fusion des catégories, lors de l'utilisation d'une cible catégorielle. La valeur doit être comprise entre 0,01 et 0,99.

Autoriser la scission à nouveau des catégories fusionnées à l'intérieur d'un noeud L'algorithme CHAID tente de fusionner les catégories pour créer l'arbre le plus élémentaire décrivant le modèle. Si elle est sélectionnée, cette option permet de rediviser les catégories fusionnées si cette solution se révèle plus favorable.

Niveau d'importance pour le regroupement de noeuds feuilles Indiquez le niveau d'importance qui détermine comment les groupes de noeuds feuilles sont formés ou comment les noeuds feuilles inhabituels sont identifiés.

Khi-deux pour les cibles catégorielles Pour les cibles catégorielles, vous pouvez indiquer la méthode permettant de calculer les statistiques Khi-deux.

- **Pearson** Cette méthode fournit des calculs plus rapides mais doit être utilisée avec précaution sur les petits échantillons.
- **Rapport de vraisemblance** Cette méthode est plus puissante que la méthode Pearson, mais ses calculs s'avèrent plus longs. C'est la méthode la plus adaptée aux petits échantillons. Cette méthode est toujours utilisée pour les cibles continues.

Noeud Tree-AS - Règles d'arrêt

Ces options permettent de contrôler la création de l'arbre. Les règles d'arrêt déterminent quand des branches spécifiques de l'arbre doivent être arrêtées. Vous pouvez définir des tailles de branche minimale pour éviter que le découpage ne crée des sous-groupes trop petits. **Nombre minimal d'enregistrements dans la branche parent** permet d'éviter le découpage si le nombre d'enregistrements dans le noeud devant être découpé (le noeud *parent*) est inférieur à la valeur spécifiée. **Nombre minimal d'enregistrements dans la branche enfant** permet d'éviter le découpage si le nombre d'enregistrements dans une branche créée par le découpage (les noeuds *enfant*) est inférieur à la valeur spécifiée.

- **Utiliser pourcentage** Permet de spécifier, sous forme de pourcentage, la taille globale des données d'apprentissage.
- **Utiliser valeur absolue** Permet de spécifier les tailles en tant que nombre absolu d'enregistrements.

Modification minimale dans les prévisions de fréquences de cellule Lors de l'estimation des fréquences de cellule (pour le modèle nominal et le modèle ordinal d'effets de ligne), une procédure itérative (epsilon) permet d'effectuer une convergence sur l'estimation optimale utilisée pendant le test du khi-deux d'une division. Epsilon détermine le nombre de changements devant survenir pour que les itérations puissent se poursuivre. Si le nombre de changements produits par la dernière itération est inférieur à la valeur fournie, ces itérations prennent fin. Si vous ne parvenez pas à faire converger l'algorithme, vous pouvez incrémenter cette valeur ou le nombre maximal d'itérations jusqu'à ce que la convergence ait lieu.

Itérations maximales pour convergence Indique le nombre maximal d'itérations se produisant avant de s'interrompre, que la convergence ait lieu ou non.

Noeud Tree-AS - Coûts

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

Un modèle comprenant des coûts ne produit pas forcément moins d'erreurs qu'un modèle sans coûts, et n’est pas forcément non plus le meilleur en termes d'exactitude générale. En revanche, sur le plan pratique, il est en général plus performant, car il applique un biais intégré qui privilégie les erreurs moins coûteuses.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Pour les cibles ordinales uniquement, vous pouvez sélectionner **Augmentation de coût par défaut pour la cible ordinale** et définir les valeurs par défaut dans la matrice de coûts. Les options disponibles sont décrites dans la liste ci-dessous.

- **Pas d'augmentation** - Valeur par défaut 1.0 pour chaque prédiction correcte.
- **Linéaire** - Chaque prédiction incorrecte successive augmente le coût de 1 unité.
- **Carré** - Chaque prédiction incorrecte successive est le carré de la valeur linéaire. Dans ce cas, les valeurs peuvent être : 1, 4, 9, etc.
- **Personnalisé** - Si vous modifiez manuellement des valeurs dans le tableau, l'option déroulante est remplacée automatiquement par **Personnalisé**. Si vous remplacez la sélection déroulante par n'importe quelle autre option, les valeurs modifiées sont remplacées par les valeurs de l'option sélectionnée.

Options du modèle de noeud Tree-AS

Dans l'onglet Options de modèle, vous pouvez choisir de spécifier un nom pour le modèle ou de générer automatiquement un nom. Vous pouvez également choisir de calculer les valeurs de confiance et d'ajouter un ID d'identification au cours de l'évaluation du modèle.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Calculer les confiances Pour ajouter un champ de confiance lorsque le modèle est évalué, cochez cette case.

Identificateur de règle Au cours de l'évaluation du modèle, pour ajouter un champ qui contient l'ID du noeud feuille auquel un enregistrement a été affecté, cochez cette case.

Nugget de modèle Tree-AS

Sortie des nuggets de modèle Tree-AS

Une fois qu'un modèle Tree-AS a été créé, les informations suivantes sont disponibles dans l'afficheur de résultats.

Tableau Informations sur le modèle

Le tableau Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Le tableau identifie certains paramètres de modèle de niveau supérieur, notamment :

- Le type d'algorithme utilisé, CHAID ou CHAID exhaustif.
- Le nom du champ cible sélectionné dans l'onglet Champs du noeud Type ou du noeud Tree-AS.
- Le nom des champs sélectionnés comme prédicteur dans l'onglet Champs du noeud Type ou Tree-AS.
- Le nombre d'enregistrements dans les données. Si vous générez un modèle avec une pondération de fréquence, cette valeur est le nombre valide pondéré, qui représente les enregistrements sur lesquels l'arbre est basé.
- Le nombre de *noeuds feuilles* dans l'arbre généré.
- Le nombre de niveaux dans l'arbre, c'est-à-dire la profondeur de l'arbre.

Importance des prédicteurs

Le graphique Importance des prédicteurs indique l'importance des 10 premières entrées (prédicteurs) dans le modèle sous forme de diagramme à barres.

S'il existe plus de 10 champs dans le diagramme, vous pouvez modifier la sélection des prédicteurs qui sont inclus dans le graphique en utilisant le curseur sous ce dernier. Les marques d'indicateur sur le curseur sont une largeur fixe et chaque marque sur le curseur représente 10 champs. Vous pouvez déplacer les marques d'indicateurs sur le curseur pour afficher les 10 champs suivants ou précédents, classés selon l'importance des prédicteurs.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le diagramme pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle vous pouvez modifier les paramètres du diagramme. Par exemple, vous pouvez modifier des éléments comme la taille du diagramme et la taille et la couleur des polices utilisées. Lorsque vous fermez cette boîte de dialogue d'édition séparée, les modifications s'appliquent au diagramme qui s'affiche dans l'onglet Sortie.

Tableau des premières règles de décision

Par défaut, ce tableau interactif affiche les statistiques des règles pour les cinq premiers noeuds feuilles dans la sortie, en se basant sur le pourcentage du total d'enregistrements contenus dans le noeud feuille.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le tableau pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle modifier les informations de règle qui s'affichent dans le tableau. Les informations qui s'affichent, ainsi que les options disponibles dans la boîte de dialogue, dépendent du type de données de la cible, catégorielle ou continue.

Les informations de règle suivantes apparaissent dans le tableau :

- ID de règle
- Description de la manière dont la règle est appliquée et créée
- Nombre d'enregistrements pour chaque règle. Si vous générez un modèle avec une pondération de fréquence, cette valeur est le nombre valide pondéré, qui représente les enregistrements sur lesquels l'arbre est basé.
- Pourcentage d'enregistrements pour chaque règle

De plus, pour une cible continue, une colonne supplémentaire dans le tableau contient la valeur **Moyenne** pour chaque règle.

Vous pouvez modifier la présentation du tableau de règle en utilisant les options **Contenu de tableau** suivantes :

- **Premières règles de décision** Les cinq premières règles de décision sont triées par pourcentage du nombre total d'enregistrements contenus dans les noeuds feuilles.
- **Toutes les règles** Le tableau contient tous les noeuds feuilles produits par le modèle, mais présente uniquement 20 règles par page. Lorsque vous sélectionnez cette présentation, vous pouvez rechercher une règle en utilisant les options supplémentaires **Rechercher l'ID de règle** et **Page**.

De plus, pour une cible catégorielle, vous pouvez modifier la présentation du tableau de règles en utilisant l'option **Premières règles par catégorie**. Les cinq premières règles de décision sont triées par pourcentage du nombre total d'enregistrements pour la **Catégorie cible** sélectionnée.

Si vous modifiez la présentation du tableau des règles, vous pouvez copier les règles modifiées dans l'afficheur de résultats en cliquant sur le bouton Copier dans l'afficheur dans la partie supérieure gauche de la boîte de dialogue.

Paramètres des nuggets de modèle Tree-AS

Dans l'onglet Paramètres d'un nugget de modèle Tree-AS, vous indiquez les options de confiance et de génération SQL au cours du scoring du modèle. Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les confiances Pour inclure des confiances dans les opérations de scoring, cochez cette case. Lorsque vous évaluez des modèles dans la base de données, l'exclusion des confiances signifie que vous pouvez générer des instructions SQL plus efficaces. Dans les arbres de régression, les confiances ne sont pas affectées.

Identificateur de règle Pour ajouter dans la sortie du scoring un champ qui indique l'ID du noeud terminal auquel chaque enregistrement est affecté, cochez cette case.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée :

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud Random Trees

Le noeud Random Trees peut être utilisé avec les données dans un environnement distribué. Dans ce noeud, vous générez un modèle d'ensemble qui se compose de plusieurs arbres de décisions.

Le noeud Random Trees est une méthode de classification et de prévision basée sur un système d'arborescence développée à partir de la méthodologie Classification and Regression Tree. Comme avec le noeud C&R Tree, cette méthode utilise la technique de partition récursive afin de diviser les données d'apprentissage en segments présentant des champs de sortie similaires. Le noeud examine en premier lieu les champs d'entrée disponibles, afin de définir la meilleure segmentation : celle-ci est mesurée en fonction de la réduction de l'index d'impureté résultant de la segmentation. Le découpage définit deux sous-groupes qui sont à leur tour découpés en deux nouveaux sous-groupes : le découpage se poursuit jusqu'à ce que l'un des critères d'arrêt soit atteint. Toutes les divisions sont binaires (deux sous-groupes uniquement).

Le noeud Random Trees utilise l'échantillonnage par bootstrap avec remplacement pour générer des données d'échantillon. Ces données permettent de développer un modèle d'arbre de décisions. Lors du développement d'un modèle d'arbre de décisions, Random Trees n'échantillonne pas à nouveau les données. Au lieu de cela, il sélectionne de manière aléatoire une partie des prédicteurs et utilise le meilleur pour fractionner un noeud d'arbre de décisions. Ce processus est répété lors du fractionnement de chaque noeud d'arbre de décisions. Il s'agit là de l'idée de base du développement d'un noeud dans une forêt aléatoire.

Random Trees utilise des arbres C&R Tree. De tels arbres étant binaires, chaque champ de fractionnement génère deux branches. Pour un champ catégoriel comportant plusieurs catégories, ces dernières sont regroupées en deux groupes, en fonction du critère de fractionnement interne. Chaque arbre se développe autant que possible (aucun élagage n'est effectué). Dans le scoring, Random Trees combine les scores de chaque arbre selon un vote à la majorité (pour la classification) ou la moyenne (pour la régression).

Random Trees diffère de C&R Trees comme suit :

- Les noeuds Random Trees sélectionnent un nombre spécifié de prédicteurs de manière aléatoire et utilisent le meilleur d'entre eux pour fractionner un noeud. A l'inverse, C&R Tree recherche le meilleur des prédicteurs.
- Chaque arbre de Random Trees se développe entièrement jusqu'à ce que chaque noeud feuille ne contienne plus qu'un seul enregistrement. La profondeur d'arbre peut donc s'avérer très importante. Par contre, le modèle C&R Tree standard utilise des règles d'arrêt différentes pour le développement des arbres, ce qui génère généralement des arbres moins étendus.

Random Trees ajoute deux fonctionnalités par rapport à C&R Tree :

- La première est le *bagging* (agrégation par bootstrap), où des doubles de l'ensemble de données d'apprentissage sont créés en réalisant un échantillonnage avec remplacement à partir de l'ensemble de données d'origine. Cette action crée des échantillons de bootstrap de taille égale à l'ensemble de données d'origine, après quoi un *modèle de composant* est créé sur chaque double. Ensemble ces modèles de composant forment un modèle d'ensemble.
- La deuxième fonctionnalité est la suivante : à chaque division de l'arbre, seul un échantillonnage des champs d'entrée est pris en compte pour la mesure d'impureté.

Conditions requises. Pour former un modèle Random Trees, vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs *Entrée* et d'un champ *Cible*. Les champs cible et d'entrée peuvent être continus (intervalle numérique) ou catégoriels. Les champs définis sur *Les eux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans le modèle doivent être totalement instanciés et les champs ordinaux (ensemble ordonné) dont il se sert doivent disposer d'un stockage numérique (et non d'une chaîne). Si nécessaire, vous pouvez utiliser le noeud Recoder pour les convertir.

Puissance. Les modèles Random Trees sont fiables dans le cas de jeux de données volumineux et d'un grand nombre de champs. En raison de l'utilisation de la fonctionnalité bagging et de l'échantillonnage des champs, ils sont bien moins sujets au surajustement et les résultats visibles dans les tests sont davantage susceptibles d'être reproduits lorsque vous utilisez de nouvelles données.

Options des champs du noeud Random Trees

Dans l'onglet Champs, vous pouvez choisir d'utiliser les paramètres du rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont, ou de réaliser manuellement des affectations de champs.

Utiliser des rôles prédéfinis Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste aux divers champs de rôle à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle.

Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible pour la prévision.

Prédicteurs Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Pondération d'analyse Pour utiliser un champ en tant que pondération d'observation, spécifiez le champ ici. Les pondérations d'observation sont utilisées pour représenter les différences de variance dans les niveaux du champ de résultat. Pour plus d'informations, voir «Utilisation des champs de fréquence et de pondération», à la page 31.

Options de génération du noeud Random Trees

L'onglet Options de création est celui où vous définissez toutes les options de création d'un modèle. Vous pouvez bien sûr cliquer simplement sur le bouton **Exécuter** pour créer un modèle avec toutes les options par défaut, mais normalement vous pouvez personnaliser la création selon vos propres objectifs.

L'onglet contient plusieurs sous-fenêtres dans lesquelles vous définissez les personnalisations propres à votre modèle.

Noeud Random Trees - Concepts de base

Spécifiez les options de base de génération de l'arbre de décisions.

Nombre de modèles à générer. Spécifiez le nombre maximal d'arbres que le noeud peut générer.

Taille de l'échantillon. Par défaut, la taille de l'échantillon de bootstrap est égale aux données d'apprentissage d'origine. Lorsque vous traitez des ensembles de données volumineux, la réduction de la taille d'échantillon permet d'améliorer la performance. Il s'agit d'un ratio compris entre 0 et 1. Par exemple, définissez la taille de l'échantillon sur `0.6` pour la réduire à 60 % de la taille d'origine des données d'apprentissage.

Gérer les données déséquilibrées. Si la cible du modèle est un résultat d'indicateur (par exemple, acheter ou ne pas acheter) et si le ratio du résultat souhaité est très petit, les données sont alors non équilibrées et l'échantillonnage par bootstrap réalisé par le modèle peut impacter son exactitude. Pour

améliorer l'exactitude, cochez cette case. Le modèle capture alors une proportion plus importante du résultat souhaité et génère un modèle plus performant.

Utiliser l'échantillonnage pondéré pour la sélection de variable. Par défaut, les variables de chaque noeud feuille sont sélectionnées aléatoirement avec la même probabilité. Pour appliquer la pondération aux variables et améliorer le processus de sélection, cochez cette case. La pondération est calculée par le noeud Random Trees lui-même. Les champs les plus importants (dont la pondération est la plus élevée) risquent davantage d'être sélectionnés comme prédicteurs.

Nombre maximal de noeuds. Spécifiez le nombre maximal de noeuds feuille autorisés dans les arbres individuels. Si le nombre est dépassé lors de la division suivante, la croissance de l'arbre est arrêtée avant la division.

Profondeur maximale d'arbre. Spécifiez le nombre maximal de niveaux *noeuds feuille* en-dessous du noeud racine, c'est-à-dire le nombre de fois où l'échantillon est divisé de manière récursive.

Taille minimale de noeud enfant. Spécifiez le nombre minimal d'enregistrements contenus dans un noeud enfant après la division du noeud parent. Si un noeud enfant contient moins d'enregistrements que le nombre que vous indiquez ici, le noeud parent ne sera pas divisé.

Spécifier le nombre de prédicteurs à utiliser pour la scission. Si vous créez des modèles de scission, définissez le nombre minimal de prédicteurs à utiliser pour créer chaque scission. Cela empêche la scission de créer des sous-groupes trop petits. Si vous ne sélectionnez pas cette option, la valeur par défaut est $\lfloor sqrt(M) \rfloor$ pour la classification et $\lfloor M/3 \rfloor$ pour la régression, M représentant le nombre total de variables de prédicteur. Si cette option est sélectionnée, le nombre spécifié de prédicteurs est utilisé.

Remarque : Le nombre de prédicteurs à utiliser pour la scission ne peut pas être supérieur au nombre total de prédicteurs dans les données.

Arrêter la création quand la précision ne peut plus être améliorée. Random Trees utilise une procédure particulière pour déterminer à quel moment l'apprentissage doit être arrêté. Plus précisément, si l'amélioration de la précision de l'ensemble en cours est inférieure au seuil spécifié, il arrête d'ajouter de nouveaux arbres. Cela peut générer un modèle dont le nombre d'arbres est inférieur à la valeur spécifiée pour l'option **Nombre de modèles à générer**.

Noeud Random Trees - Coûts

Selon le contexte, certains types d'erreur peuvent se révéler plus coûteux que d'autres. Par exemple, il peut être plus coûteux de classer un candidat au crédit à haut risque dans la catégorie à faible risque (un type d'erreur) que de classer un candidat à faible risque dans la catégorie à haut risque (un autre type d'erreur). L'option des coûts de classification erronée vous permet de spécifier l'importance relative de différentes erreurs de prévision.

Les coûts d'une classification erronée sont des pondérations appliquées à des revenus définis. Elles sont prises en compte dans le modèle et peuvent modifier la prévision (ce qui permet d'éviter des erreurs qui pourraient coûter cher).

Un modèle comprenant des coûts ne produit pas forcément moins d'erreurs qu'un modèle sans coûts, et n'est pas forcément non plus le meilleur en termes d'exactitude générale. En revanche, sur le plan pratique, il est en général plus performant, car il applique un biais intégré qui privilégie les erreurs moins coûteuses.

La matrice de classification erronée des coûts affiche le coût de chaque combinaison possible de catégories prédites et de catégories réelles. Par défaut, tous les coûts de classification erronée sont paramétrés sur 1. Pour entrer des valeurs de coût personnalisées, sélectionnez **Utiliser les coûts de classification erronée** et entrez vos valeurs personnalisées dans la matrice des coûts.

Pour modifier un coût dû à une classification erronée, sélectionnez la cellule correspondant à la combinaison voulue de valeurs prédites et de valeurs réelles, supprimez le contenu de la cellule et entrez le coût à appliquer à la cellule. Les coûts ne sont pas automatiquement symétriques. Ainsi, si vous définissez le coût d'une mauvaise affectation de *A* en tant que *B* sur 2, le coût d'une mauvaise affectation de *B* en tant que *A* sera toujours défini sur la valeur par défaut 1, à moins que vous ne modifiez cette valeur de manière explicite.

Pour les cibles ordinales uniquement, vous pouvez sélectionner **Augmentation de coût par défaut pour la cible ordinale** et définir les valeurs par défaut dans la matrice de coûts. Les options disponibles sont décrites dans la liste ci-dessous.

- **Pas d'augmentation** - Valeur par défaut de 1.0 pour chaque prédiction incorrecte.
- **Linéaire** - Chaque prédiction incorrecte successive augmente le coût de 1 unité.
- **Carré** - Chaque prédiction incorrecte successive est le carré de la valeur linéaire. Dans ce cas, les valeurs peuvent être : 1, 4, 9, etc.
- **Personnalisé** - Si vous modifiez manuellement des valeurs dans le tableau, l'option déroulante est remplacée automatiquement par **Personnalisé**. Si vous remplacez la sélection déroulante par n'importe quelle autre option, les valeurs modifiées sont remplacées par les valeurs de l'option sélectionnée.

Noeud Random Trees - Avancé

Spécifiez les options avancées de génération de l'arbre de décisions.

Pourcentage maximal de valeurs manquantes. Spécifie le pourcentage maximal de valeurs manquantes autorisé dans une entrée. Si le pourcentage dépasse ce nombre, l'entrée est exclu de la création de modèles.

Exclure les champs avec une majorité de catégorie unique supérieure à. Spécifie le pourcentage maximal d'enregistrements qu'une catégorie unique peut contenir dans un champ. Si une valeur de catégorie représente un pourcentage d'enregistrements supérieur au nombre indiqué, le champ entier est exclu de la création de modèles.

Nombre maximal de catégories de champ. Spécifie le nombre maximal de catégories pouvant être contenues dans un champ. Si le nombre de catégories dépasse ce nombre, le champ est exclu de la création de modèles.

Variation de champ minimale. Si le coefficient de variation d'un champ continu est inférieur à la valeur que vous spécifiez ici (en d'autres termes, le champ est presque constant), ce champ est exclu de la création de modèles.

Nombre de casiers. Spécifie le nombre de casiers de fréquence égale à utiliser pour des entrées continues. Les options disponibles sont : 2, 4, 5, 10, 20, 25, 50 ou 100.

Nombre de règles intéressantes pour le rapport. Spécifie le nombre de règles pour le rapport (minimum 1, maximum 1000, valeur par défaut 50).

Options du modèle de noeud Random Trees

Dans l'onglet Options de modèle, vous pouvez choisir de spécifier un nom pour le modèle ou de générer automatiquement un nom. Vous pouvez également choisir de calculer l'importance des prédicteurs pendant le scoring du modèle.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Nugget de modèle Random Trees

Sortie des nuggets de modèle Random Trees

Une fois qu'un modèle Random Trees a été créé, les informations suivantes sont disponibles dans l'afficheur de résultats :

Tableau Informations sur le modèle

Le tableau Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Ce tableau inclut toujours les paramètres de modèle détaillés suivants :

- Le nom du champ cible sélectionné dans l'onglet Champs du noeud Type ou du noeud Random Trees.

- La méthode de génération de modèle utilisée - Random Trees.
- Le nombre de prédicteurs entrés dans le modèle.

Les détails supplémentaires affichés dans le tableau varient suivant que vous ayez généré un modèle de classification ou un modèle de régression et que le modèle ait été conçu pour gérer ou non les données déséquilibrées :

- Modèle de classification (paramètres par défaut)
  - Précision du modèle
  - Règle de classification erronée
- Modèle de classification (**Gérer les données déséquilibrées** sélectionné)
  - Moyenne géométrique
  - Taux de vrais positifs, sous-divisé en classes.
- Modèle de régression
  - Ecart type moyen
  - Erreur relative
  - Variance expliquée

Récapitulatif des enregistrements

Le récapitulatif affiche le nombre d'enregistrements qui ont été utilisés pour ajuster le modèle, et le nombre de ceux qui ont été exclus. Le nombre d'enregistrements et le pourcentage du nombre total sont tous deux indiqués. Si le modèle a été conçu pour inclure la pondération de fréquence, le nombre non pondéré d'enregistrements inclus et exclus est également affiché.

Importance des prédicteurs

Le graphique Importance des prédicteurs indique l'importance des 10 premières entrées (prédicteurs) dans le modèle sous forme de diagramme à barres.

S'il existe plus de 10 champs dans le diagramme, vous pouvez modifier la sélection des prédicteurs qui sont inclus dans le graphique en utilisant le curseur sous ce dernier. Les marques d'indicateur sur le curseur sont une largeur fixe et chaque marque sur le curseur représente 10 champs. Vous pouvez déplacer les marques d'indicateurs sur le curseur pour afficher les 10 champs suivants ou précédents, classés selon l'importance des prédicteurs.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le diagramme pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle vous pouvez modifier la taille du diagramme. Lorsque vous fermez cette boîte de dialogue d'édition séparée, les modifications s'appliquent au diagramme qui s'affiche dans l'onglet Sortie.

Tableau des premières règles de décision

Par défaut, ce tableau interactif affiche les statistiques des principales règles, qui sont triées en fonction de leur intérêt.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le tableau pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle modifier les informations de règle qui s'affichent dans le tableau. Les informations qui s'affichent, ainsi que les options disponibles dans la boîte de dialogue, dépendent du type de données de la cible, catégorielle ou continue.

Les informations de règle suivantes apparaissent dans le tableau :

- Description de la manière dont la règle est appliquée et créée
- Si les résultats se trouvent dans la catégorie la plus fréquente
- Précision de la règle
- Précision des arbres

- Index d'intérêt

L'index d'intérêt est calculé à l'aide de la formule suivante :

$$I_{index}(t) = P(A(t)) * P(B(t)) * (P(B(t)|A(t)) + P(\bar{B}(t)|\bar{A}(t)))$$

Dans cette formule :

- P(A(t)) correspond à la précision des arbres
- P(B(t)) correspond à la précision de la règle
- P(B(t)|A(t)) représente les prévisions correctes par les arbres et le noeud
- La portion restante de la formule représente les prévisions incorrectes par les arbres et le noeud.

Vous pouvez modifier la présentation du tableau de règle en utilisant les options **Contenu de tableau** suivantes :

- **Premières règles de décision** Les cinq premières règles de décision, qui sont triées en fonction de l'index d'intérêt.
- **Toutes les règles** Le tableau contient toutes les règles générées par le modèle, mais présente uniquement 20 règles par page. Lorsque vous sélectionnez cette présentation, vous pouvez rechercher une règle en utilisant les options supplémentaires **Rechercher l'ID de règle** et **Page**.

De plus, pour une cible catégorielle, vous pouvez modifier la présentation du tableau de règles en utilisant l'option **Premières règles par catégorie**. Les cinq premières règles de décision sont triées par pourcentage du nombre total d'enregistrements pour la **Catégorie cible** sélectionnée.

Remarque : Pour les cibles catégorielles, le tableau n'est disponible que si **Gérer les données déséquilibrées** n'est pas sélectionné dans l'onglet Bases des options de génération.

Si vous modifiez la présentation du tableau des règles, vous pouvez copier les règles modifiées dans l'afficheur de résultats en cliquant sur le bouton Copier dans l'afficheur dans la partie supérieure gauche de la boîte de dialogue.

Matrice de confusion

Pour les modèles de classification, la matrice de confusion affiche le nombre de résultats prévus par rapport au nombre réel de résultats observés, avec notamment la proportion de prévisions correctes.

Remarque : La matrice de confusion n'est pas disponible pour les modèles de régression ou si **Gérer les données déséquilibrées** est sélectionné dans l'onglet Bases des options de génération.

Paramètres du nugget de modèle Random Trees

Dans l'onglet Paramètres d'un nugget de modèle Random Trees, vous indiquez les options de confiance et de génération SQL au cours du scoring du modèle. Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les confiances Pour inclure des confiances dans les opérations de scoring, cochez cette case. Lorsque vous évaluez des modèles dans la base de données, l'exclusion des confiances signifie que vous pouvez générer des instructions SQL plus efficaces. Dans les arbres de régression, les confiances ne sont pas affectées.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée :

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible,

cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Nuggets de modèle d'arbre de décision C&R Tree, CHAID, QUEST et C5.0

Les nuggets de modèle d'arbre de décision représentent les arborescences utilisées pour effectuer une prévision sur un champ de sortie spécifique et découvertes par l'un des noeuds modélisation d'arbre de décision (Arbre C&R, CHAID, QUEST ou C5.0). Vous pouvez générer les modèles d'arbres directement à partir du noeud de génération d'arbre ou de manière indirecte à partir du générateur d'arbres interactif. Pour plus d'informations, voir «Générateur d'arbres interactifs», à la page 83.

Scoring des modèles d'arbre

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèle d'arbre, le résultat obtenu dépend du type d'arbre.

- Pour les arbres de classification supervisée (cible catégorielle), deux nouveaux champs, l'un contenant la valeur prédite et l'autre la confiance de chaque enregistrement, sont ajoutés aux données. La prévision est basée sur la catégorie la plus fréquente du noeud terminal auquel l'enregistrement est affecté ; si une majorité des personnes sondées dans un noeud donné présentent la valeur *oui*, la prévision de tous les enregistrements affectés à ce noeud est oui.
- Dans le cas des arbres de régression, seuls les prédicteurs sont générés ; aucune confiance n'est affectée.
- Vous pouvez également ajouter, pour les modèles CHAID, QUEST et C&RT, un champ supplémentaire qui indique l'ID du noeud auquel chaque enregistrement est affecté.

Les noms des nouveaux champs sont constitués du nom du modèle auquel des préfixes sont ajoutés. Pour les arbres C&RT, CHAID et QUEST, le préfixe *$R-* est utilisé pour désigner le champ de prévision, le préfixe *$RC-* pour désigner le champ contenant le degré de confiance et le préfixe *$RI-* pour désigner le champ contenant l'identificateur de noeud. Pour les arbres C5.0, le préfixe *$C-* est utilisé pour désigner le champ de prévision et le préfixe *$CC-* est utilisé pour désigner le champ contenant le degré de confiance. S'il existe plusieurs noeuds de modèle d'arbre, le nom des nouveaux champs comporte un *préfixe* numérique permettant de les distinguer en cas de besoin (par exemple, *$R1-* et *$RC1-*, et *$R2-*.)

Travailler avec les nuggets de modèle d'arbre

Vous pouvez enregistrer ou exporter des informations liées au modèle de plusieurs manières.

Remarque : Ces options sont, pour la plupart, également disponibles à partir de la fenêtre du générateur d'arbres.

A partir du générateur d'arbres ou d'un nugget de modèle d'arbre, vous pouvez effectuer les opérations suivantes :

- Générer un noeud Filtrer ou Sélectionner à partir de l'arbre actuel. Pour plus d'informations, voir «Génération de noeuds Filtrer et Sélectionner», à la page 93.
- Générer un noeud Jeu de règles représentant l'arborescence sous la forme d'un ensemble de règles définissant les branches terminales de l'arbre. Pour plus d'informations, voir «Génération d'un noeud Jeu de règles à partir d'un noeud Arbre de décisions», à la page 93.
- En outre, vous pouvez exporter le modèle au format PMML (nugget de modèle d'arbre uniquement). Pour plus d'informations, voir «Palette Modèles», à la page 39. Si le modèle comporte des divisions personnalisées, ces informations ne sont pas conservées dans le fichier PMML exporté. (Les divisions sont conservées, mais il n'est plus possible de les distinguer de celles choisies par l'algorithme.)

- Générez un graphique en fonction d'une partie sélectionnée de l'arbre actuel. Notez que cela ne fonctionne que lorsque le nugget est attaché à d'autres noeuds dans un flux. Pour plus d'informations, voir «Génération de graphiques», à la page 124.
- Pour les modèles C5.0 améliorés uniquement, vous pouvez sélectionner **Arbre décision unique (espace de travail)** ou **Arbre décision unique (onglet Modèles)** pour créer un ensemble de règles unique à partir de la règle sélectionnée. Pour plus d'informations, voir «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.

Remarque : Bien que le noeud Bâtir règles ait été remplacé par le noeud Arbre C&RT, les noeuds Arbre décision figurant dans des flux existants et ayant été créés à partir d'un noeud Bâtir règles continueront de fonctionner correctement.

Nuggets de modèle d'arbre unique

Si vous sélectionnez **Créer un seul arbre** comme objectif principal sur le noeud de modélisation, le nugget de modèle généré contient les onglets suivants.

Tableau 7. Onglets sur un nugget d'arbre unique

Tab	Description	Informations supplémentaires
Modèle	Affiche les règles définissant le modèle.	Pour plus d'informations, voir «Règles du modèle Arbre de décisions», à la page 120.
Visualiseur	Affiche la vue d'arbre du modèle.	Pour plus d'informations, voir «Visualiseur du modèle Arbre de décisions», à la page 122.
Récapitulatif	Affiche des informations sur les champs, les paramètres de création et le processus d'estimation du modèle.	Pour plus d'informations, voir «Récapitulatif /Informations sur les nuggets de modèle», à la page 41.
Paramètres	Vous permet de spécifier des options de confiance et de génération SQL lors de l'évaluation du modèle.	Pour plus d'informations, voir «Paramètres du nugget de modèle Arbre de décisions/Jeu de règles», à la page 123.
Annotation	Vous permet d'ajouter des annotations descriptives, de spécifier un nom personnalisé, d'ajouter du texte aux info-bulles et de définir des mots-clés de recherche pour le modèle.	

Règles du modèle Arbre de décisions

L'onglet Modèle d'un nugget d'arbre décision affiche les règles qui définissent le modèle. Si nécessaire, un graphique d'importance des prédicteurs et un troisième panneau comportant des informations sur l'historique, les effectifs et les substitutions peuvent également s'afficher.

Remarque : Lorsque vous sélectionnez l'option **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux** dans l'onglet Options de création du noeud CHAID (volet Objectif), l'onglet Modèle affiche uniquement les détails de règles de l'arbre.

Règles d'arbre

Dans le volet gauche s'affiche la liste des conditions définissant la technique de partitionnement des données découvertes par l'algorithme. Il s'agit essentiellement d'un ensemble de règles pouvant être utilisées pour affecter les enregistrements à des noeuds enfant, sur la base des différents prédicteurs.

Les arbres décision séparent les données de manière récursive en fonction des valeurs des champs d'entrée. Ces séparations de données sont appelées des *branches*. La branche initiale (également appelée *racine*) englobe tous les enregistrements de données. La racine est divisée en sous-ensembles ou *branches enfant*, en fonction de la valeur d'un champ d'entrée spécifique. Chaque branche enfant peut elle-même être divisée en sous-branches, qui à leur tour peuvent être de nouveau divisées, et ainsi de suite. Les branches situées au dernier niveau de l'arbre ne peuvent pas être divisées. De telles branches sont appelées des *branches terminales* (ou des *feuilles*).

Détails de règles de l'arbre

Le navigateur de règles affiche les valeurs d'entrée définissant chaque séparation ou branche, ainsi qu'un récapitulatif des valeurs de champ de sortie des enregistrements situés au niveau de cette séparation. Pour obtenir des informations générales quant à l'utilisation du navigateur de modèle, reportez-vous à «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Pour les séparations basées sur des champs numériques, les branches sont représentées par une ligne ayant la forme suivante :

```
fieldname relation value [summary]
```

où *relation* représente une relation numérique. Par exemple, une branche définie par des valeurs du champ *revenue* (recette) supérieures à 100 apparaîtra de la manière suivante

```
revenue > 100 [ summary]
```

Pour les séparations basées sur des champs symboliques, les branches sont représentées par une ligne de la forme :

```
fieldname = value [summary] ou fieldname in [values] [summary]
```

où *values* correspond aux valeurs de champ définissant la branche. Par exemple, une branche comportant des enregistrements pour lesquels la valeur du champ *région* peut être *North*, *West* ou *South* sera représentée comme suit :

```
region ["North" "West" "South"] [ summary]
```

Une prévision est également fournie pour les branches terminales, une flèche et la valeur prédite étant ajoutées à la fin de la condition de la règle. Par exemple, une branche terminale définie par *revenue* > 100 et prédisant la valeur *high* (élevé) pour le champ de sortie apparaît comme suit :

```
revenue > 100 [Mode: high] →    high
```

Le *résumé* de la branche est différent pour les champs de sortie symboliques et numériques. Pour les arbres contenant des champs de sortie numériques, la valeur *moyenne* et l'*effet* de la branche (différence entre la moyenne de la branche et la moyenne de sa branche parent) sont affichés. Pour les arbres contenant des champs de sortie symboliques, la valeur *modale* (la valeur la plus fréquente) des enregistrements de la branche est affichée.

Pour décrire complètement une branche, vous devez non seulement inclure la condition définissant la branche, mais également les conditions figurant en amont dans l'arbre qui définissent les séparations. Par exemple, dans l'arbre :

```
revenue > 100
  region = "Nord"
  region in ["Sud" "Est" "Ouest"]
    revenue <= 200
```

la branche représentée par la deuxième ligne est définie par les conditions *revenue > 100* et *région = "North"*.

Si vous cliquez sur **Afficher instances/confiance** dans la barre d'outils, chaque règle affiche également des informations sur le nombre d'enregistrements auxquels la règle s'applique (*Instances*) et la proportion de ces enregistrements pour lesquels la règle est vraie (*Confiance*).

Importance des prédicteurs

Un graphique illustrant l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle peut également être affiché dans l'onglet Modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes.

Remarque : Ce graphique n'est disponible que si **Calculer l'importance des prédicteurs** a été sélectionné dans l'onglet Analyse avant la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Informations supplémentaires sur les modèles

Si vous cliquez sur **Afficher un panneau d'informations supplémentaire** dans la barre d'outils, un panneau apparaît, au bas de la fenêtre, contenant des informations détaillées sur la règle sélectionnée. Le panneau d'informations contient trois onglets.

Historique. Cet onglet indique les conditions de division depuis le noeud racine jusqu'au noeud sélectionné. Vous obtenez ainsi la liste des conditions qui déterminent le moment où un enregistrement est affecté au noeud sélectionné. Les enregistrements pour lesquels toutes les conditions sont vraies (true) sont affectés à ce noeud.

Fréquences. Pour les modèles avec des champs cible symboliques, cet onglet indique, pour chaque valeur cible possible, le nombre d'enregistrements affectés à ce noeud (dans les données d'apprentissage) qui ont cette valeur cible. La valeur d'effectif, exprimée en pourcentage (au maximum trois chiffres après la virgule), est également affichée. Pour les modèles ayant des cibles numériques, cet onglet est vide.

Substitutions. Cet onglet affiche toutes les substitutions du champ de division principal pour le noeud sélectionné. Les substitutions sont des champs de remplacement utilisés si le prédicteur principal d'un enregistrement déterminé est manquante. Le nombre de substitutions maximal autorisé pour une division donnée est indiqué dans le noeud création de modèle, mais dépend en fait des données d'apprentissage. En règle générale, plus il manque de données, plus les substitutions ont de chances d'être utilisées. Pour les autres modèles d'arbres décision, cet onglet est vide.

Remarque : Pour faire partie du modèle, les substitutions doivent être identifiées au cours de la phase d'apprentissage. Si l'échantillon d'apprentissage ne comporte aucune valeur manquante, aucune substitution n'est identifiée. Les enregistrements contenant des valeurs manquantes repérés au cours du test ou du scoring sont alors automatiquement placés dans le noeud enfant comptant le plus grand nombre d'enregistrements. Si vous prévoyez la détection de valeurs manquantes lors du test ou du scoring, veillez à ce que ces valeurs soient également manquantes dans l'échantillon d'apprentissage. Les substitutions ne sont pas disponibles avec les arbres CHAID.

Effet

L'effet d'un noeud correspond à l'augmentation ou la diminution de la valeur moyenne (valeur prédite par rapport au noeud parent). Par exemple, si la moyenne d'un noeud est de 0,2 et que la moyenne de son parent est de 0,6, l'effet du noeud est de 0,2 - 0,6, soit -0.4. Cette statistique ne s'applique qu'à une cible continue.

Visualiseur du modèle Arbre de décisions

L'onglet Visualiseur d'un nugget de modèle d'arbre de décisions ressemble au contenu du générateur d'arbres. La principale différence réside dans le fait que vous ne pouvez pas développer ou modifier l'arbre lorsque vous parcourez le nugget de modèle. Les autres options de visualisation et de personnalisation de l'affichage sont identiques pour ces deux composants. Pour plus d'informations, voir «Personnalisation de la vue d'arbre», à la page 86.

Remarque : L'onglet Visualiseur n'est pas affiché pour la génération de nuggets de modèle CHAID si vous sélectionnez l'option **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux** dans le panneau Objectif de l'onglet Options de génération.

Lorsque vous affichez des règles de division dans l'onglet Visualiseur, les crochets signifient que la valeur voisine est comprise dans l'intervalle alors que les parenthèses indiquent que la valeur voisine est exclue de l'intervalle. L'expression (23,37] signifie par conséquent de 23 non compris à 37 compris ; autrement dit, de la valeur immédiatement supérieure à 23 à 37. Dans l'onglet Modèle, la même condition serait affichée ainsi :

```
Age > 23 and Age <= 37
```

Paramètres du nugget de modèle Arbre de décisions/Jeu de règles

L'onglet Paramètres d'un modèle Arbre décision ou d'un nugget de modèle Jeu de règles généré vous permet d'indiquer les options de confiance et de génération SQL au cours du scoring du modèle. Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les confiances Sélectionnez cette option pour inclure des confiances dans les opérations de scoring. L'exclusion des confiances lors du scoring des modèles de la base de données vous permet de générer des instructions SQL plus efficaces. Dans les arbres de régression, les confiances ne sont pas affectées.

Remarque : Lorsque vous sélectionnez l'option **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux** sur le panneau Méthode de l'onglet Options de création pour les modèles CHAID, cette case n'est disponible que dans les nuggets du modèle pour les cibles catégorielles de champ indicateur ou nominal.

Calculer les scores de propension brute Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Remarque : Lorsque vous sélectionnez l'option **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux** sur le panneau Méthode de l'onglet Options de création pour les modèles CHAID, cette case n'est disponible que dans les nuggets du modèle pour les cibles catégorielles de champ indicateur.

Calculer les scores de propension ajustée Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimistes en raison de la tendance de nombreux modèles à surajuster ces données. Les propensions ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Remarque : Les scores de propension ajustés ne sont pas disponibles pour les modèles d'arbre amélioré et d'ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.

Identificateur de règle Pour les modèles CHAID, QUEST et C&RT, cette option permet d'ajouter à la sortie du scoring un champ qui indique l'ID du noeud terminal auquel chaque enregistrement est affecté.

Remarque : Lorsque cette option est sélectionnée, la génération SQL n'est pas disponible.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible,

cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

- **Calculer en convertissant le SQL natif sans prise en charge des valeurs manquantes** Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données sans avoir à traiter les valeurs manquantes. Cette option détermine simplement la prévision sur null ($null$) lorsqu'une valeur manquante apparaît au cours de la détermination des scores d'une observation.

  Remarque : Vous ne pouvez pas utiliser cette option pour les modèles CHAID. Pour les autres types de modèles, elle n'est disponible que pour les arbres décision (pas pour les ensembles de règles).

- **Calculer en convertissant le SQL natif avec prise en charge des valeurs manquantes** Pour les modèles d'arbre CHAID, QUEST et C&R, vous pouvez générer le SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données avec prise en charge complète des valeurs manquantes. Le langage SQL est généré afin que les valeurs manquantes soient gérées conformément aux spécifications du modèle. Par exemple, les arbres C&RT utilisent des règles de substitution et le noeud enfant le plus élevé.

  Remarque : Pour les modèles C5.0, elle n'est disponible que pour les ensembles de règles (pas pour les arbres décision).

- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Modèles C5.0 améliorés

Cette fonction est disponible dans SPSS Modeler Professional et SPSS Modeler Premium.

Lorsque vous créez un modèle C5.0 amélioré (que ce soit un ensemble de règles ou un arbre de décisions), vous créez en fait un ensemble de modèles connexes. Le navigateur de règles de modèle pour un modèle C5.0 amélioré affiche la liste des modèles figurant au niveau supérieur de la hiérarchie, ainsi que l'exactitude estimée de chaque modèle et l'exactitude globale de l'ensemble des modèles améliorés. Pour examiner les règles ou les divisions d'un modèle spécifique, sélectionnez le modèle et développez-le de la même manière que vous développez une règle ou une branche d'un modèle.

Vous pouvez également extraire un modèle spécifique de l'ensemble de modèles améliorés et créer un nouveau nugget de modèle Jeu de règles généré contenant uniquement ce modèle. Pour créer un ensemble de règles à partir d'un modèle C5.0 amélioré, sélectionnez l'ensemble de règles ou l'arbre qui vous intéresse, et choisissez **Arbre de décisions unique (palette GM)** ou **Arbre de décisions unique (espace de travail)** dans le menu Générer.

Génération de graphiques

Les noeuds Arbre fournissent de nombreuses informations ; toutefois celles-ci ne sont pas toujours dans un format facilement accessible pour les utilisateurs professionnels. Pour fournir les données d'une manière facilement incorporable aux rapports d'activité, aux présentations, etc., vous pouvez réaliser des graphiques à partir des données sélectionnées. Par exemple, à partir de l'un des onglets Modèle ou Visualiseur d'un nugget de modèle, ou à partir de l'onglet Visualiseur d'un arbre interactif, vous pouvez générer un graphique pour une partie sélectionnée de l'arbre, et ainsi ne générer un graphique que pour les observations du noeud de la branche ou de l'arbre sélectionné.

Remarque : Vous ne pouvez générer un graphique qu'à partir d'un nugget attaché à d'autres noeuds dans un flux.

Générer un graphique

La première étape consiste à sélectionner les informations à afficher dans le graphique :

- Sur l'onglet Modèle d'un nugget, développez la liste de conditions et de règles dans le panneau gauche et sélectionnez celle qui vous intéresse.
- Sur l'onglet Visualiseur d'un nugget, développez la liste de branches et sélectionnez le noeud qui vous intéresse.
- Sur l'onglet Visualiseur d'un arbre interactif, développez la liste de branches et sélectionnez le noeud qui vous intéresse.

Remarque : Vous ne pouvez pas sélectionner le premier noeud de l'un des onglets Visualiseur.

La façon de créer un graphique est la même, quelle que soit la façon dont vous sélectionnez les données à afficher :

1. Dans le menu Générer, sélectionnez **Graphique (dans la sélection)** ; vous pouvez également cliquer sur le bouton **Graphique (dans la sélection)**, dans l'onglet Visualiseur, dans le coin inférieur gauche. L'onglet Base de Représentation graphique apparaît.

   Remarque : Seuls les onglets de Base et Détaillé seront disponibles lorsque vous affichez le graphique de cette manière.
2. A l'aide des paramètres de l'onglet de Base ou Détaillé, spécifiez les détails à afficher sur le graphique.
3. Cliquez sur OK pour générer le graphique.

Le titre du graphique identifie les noeuds ou les règles que vous avez choisis d'inclure.

Nuggets de modèle Model nuggets pour le boosting, le bagging et les jeux de données très volumineux

Si vous sélectionnez **Améliorer l'exactitude du modèle (amélioration)**, **Améliorer la stabilité du modèle (agrégation)**, ou **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux** comme objectif principal sur le noeud de modélisation, IBM SPSS Modeler crée un ensemble de modèles multiples. Pour plus d'informations, voir «Modèles d'ensembles», à la page 43.

Le nugget de modèles généré contient les onglets suivants. L'onglet Modèle fournit plusieurs vues différentes du modèle.

Tableau 8. Onglets disponibles dans le nugget de modèle

Tab	Afficher	Description	Informations supplémentaires
Modèle	Récapitulatif des modèles	Affiche un récapitulatif de la qualité de l'ensemble et de sa diversité (sauf pour les modèles améliorés et les cibles continues), une mesure de la variation des prédictions sur les différents modèles.	Pour plus d'informations, voir «Récapitulatif de modèle », à la page 43.
	Importance des prédicteurs	Affiche un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur (champ d'entrée) dans l'évaluation du modèle.	Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs », à la page 44.
	Fréquence des prédicteurs	Affiche un graphique qui indique la fréquence relative avec laquelle chaque prédicteur est utilisée dans l'ensemble de modèles.	Pour plus d'informations, voir «Fréquence des prédicteurs », à la page 44.
	Exactitude des modèles de composant	Graphique affichant l'exactitude prédictive de chacun des modèles différents de l'ensemble.	
	Détails des modèles de composant	Affiche des informations sur chacun des différents modèles de l'ensemble.	Pour plus d'informations, voir «Détails d'un modèle de composant », à la page 44.

Tableau 8. Onglets disponibles dans le nugget de modèle (suite)			
Tab	**Afficher**	**Description**	**Informations supplémentaires**
	Informations	Affiche des informations sur les champs, les paramètres de création et le processus d'estimation du modèle.	Pour plus d'informations, voir «Récapitulatif / Informations sur les nuggets de modèle», à la page 41.
Paramètres		Vous permet d'inclure des confiances dans les opération de scoring.	Pour plus d'informations, voir «Paramètres du nugget de modèle Arbre de décisions/Jeu de règles», à la page 123.
Annotation		Vous permet d'ajouter des annotations descriptives, de spécifier un nom personnalisé, d'ajouter du texte aux info-bulles et de définir des mots-clés de recherche pour le modèle.	

Nuggets de modèle d'ensemble de règles Arbre C&R, CHAID, QUEST, C5.0 et Apriori

Un nugget de modèle Jeu de règles représente les règles utilisées pour effectuer une prévision sur un champ de sortie spécifique et découvertes par le noeud de modélisation des règles d'association (Apriori) ou de création d'arbre (Arbre C&RT, CHAID, QUEST, or C5.0). Dans le cas des règles d'association, l'ensemble de règles doit être généré à partir d'un nugget de règle non affiné. Pour les arbres, vous pouvez générer un ensemble de règles depuis le générateur d'arbres interactif, depuis un noeud de construction de modèle C5.0, ou depuis n'importe quel nugget de modèle d'arbre. Contrairement aux noeuds Règle non affinée, les nuggets Jeu de règles générés peuvent être utilisés dans des flux pour générer des prévisions.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget Jeu de règles, deux nouveaux champs sont ajoutés au flux, contenant la variable indépendante et le degré de confiance de chaque enregistrement. Les noms des nouveaux champs sont constitués du nom du modèle auquel des préfixes sont ajoutés. Pour les ensembles de règles d'association, le préfixe *$A-* est utilisé pour désigner le champ de prévision et le préfixe *$AC-* est utilisé pour désigner le champ contenant le degré de confiance. Pour les ensembles de règles C5.0, le préfixe *$C-* est utilisé pour désigner le champ de prévision et le préfixe *$CC-* est utilisé pour désigner le champ contenant le degré de confiance. Pour les ensembles de règles Arbre C&RT, le préfixe *$R-* est utilisé pour désigner le champ de prévision et le préfixe *$RC-* est utilisé pour désigner le champ contenant le degré de confiance. Dans un flux comportant plusieurs nuggets Jeu de règles connectés en série et effectuant une prévision sur les mêmes champs de sortie, un nombre séquentiel sera ajouté au *préfixe* du nom des nouveaux champs afin de pouvoir les distinguer. Le premier nugget Jeu de règles d'association du flux utilise les noms d'origine, le deuxième noeud les noms commençant par *$A1-* et *$AC1-*, le troisième noeud les noms commençant par *$A2-* et *$AC2-*, et ainsi de suite.

Comment les règles sont-elles appliquées ? Les ensembles de règles générés à partir de règles d'association sont différents des autres nuggets de modèle dans la mesure où plusieurs prévisions peuvent être générées pour un enregistrement et que ces prévisions peuvent être différentes. Il existe deux méthodes vous permettant de générer des prévisions à partir d'ensembles de règles.

Remarque : Les ensembles de règles générés à partir d'arbres de décisions renvoient le même résultat, quelle que soit la méthode utilisée ; en effet, les règles calculées à partir d'un arbre de décisions s'excluent mutuellement.

- **Vote.** Cette méthode tente de combiner les prévisions de toutes les règles qui s'appliquent à l'enregistrement. Pour chaque enregistrement, toutes les règles sont examinées et chaque règle qui s'applique à l'enregistrement est utilisée pour générer une prévision et un degré de confiance associé. La somme des degrés de confiance de chaque valeur de sortie est calculée et la valeur pour laquelle cette somme est la plus élevée sera retenue comme prévision finale. Le degré de confiance de la prévision finale correspond à la somme des degrés de confiance de cette valeur divisée par le nombre de règles qui se sont déclenchées pour cet enregistrement.
- **Premier résultat.** Cette méthode teste les règles les unes après les autres et la première règle qui s'applique à l'enregistrement est celle utilisée pour générer la prévision.

Vous pouvez sélectionner la méthode à utiliser dans la boîte de dialogue des options de flux.

Génération de noeuds. Le menu Générer vous permet de créer des noeuds sur la base d'un ensemble de règles.

- **Noeud Filtrer** Crée un nouveau noeud filtre pour filtrer les champs qui ne sont pas utilisés par les règles de l'ensemble de règles.
- **Noeud Sélectionner** Crée un noeud Sélectionner pour sélectionner les enregistrements auxquels la règle sélectionnée s'applique. Le noeud généré sélectionne les enregistrements pour lesquels tous les antécédents de la règle se sont avérés vrais (True). Vous devez d'abord sélectionner une règle avant d'utiliser cette option.
- **Noeud Tracer règle** Crée un super noeud pour créer un champ indiquant quelle règle a été utilisée pour calculer la prévision de chaque enregistrement. Lorsqu'un ensemble de règles est évalué à l'aide de la méthode Premier résultat, le champ créé contient simplement un symbole indiquant quelle est la première règle qui se déclenchera. En revanche, lorsqu'un ensemble de règles est évalué à l'aide de la méthode Vote, le champ créé contient une chaîne plus complexe indiquant l'entrée du mécanisme de vote.
- **Arbre de décisions unique** (espace de travail) / **Arbre de décisions unique** (palette GM). Crée un nugget d'ensemble de règles à partir de la règle actuellement sélectionnée. Cette option est disponible uniquement pour les modèles C5.0 **améliorés**. Pour plus d'informations, voir «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.
- **Modèle vers palette** Renvoie le modèle à la palette de modèles. Ceci est utile dans des situations où un collègue peut vous avoir envoyé un flux contenant le modèle mais pas le modèle même.

Remarque : Les onglets Paramètres et Récapitulatif du nugget Jeu de règles sont identiques à ceux des modèles d'arbre décision.

Onglet Modèle d'ensemble de règles

L'onglet Modèle des nugget Jeu de règles affiche la liste des règles extraites des données par l'algorithme.

Les règles sont ventilées en fonction de la conséquence (catégorie prédite) et sont représentées dans le format suivant :

```
if antecedent_1
and antecedent_2
...
and antecedent_n
then predicted value
```

où `consequent` et `antecedent__1` à `antecedent__n` sont des conditions. La règle est interprétée de la manière suivante : "pour les enregistrements où les paramètres `antecedent_1` à `antecedent_n` sont tous vrais (True), il est probable que le paramètre `consequent` soit également vrai (True)." Si vous cliquez sur le bouton **Afficher instances/confiance** dans la barre d'outils, chaque règle affiche également des informations sur le nombre d'enregistrements auxquels la règle s'applique, c'est-à-dire pour lesquels les antécédents sont vrais (True) (**Instances**) et la proportion de ces enregistrements pour lesquels la totalité de la règle est vraie (True) (**Confiance**).

Notez que le degré de confiance est calculé différemment pour les ensembles de règles C5.0. C5.0 utilise la formule suivante pour calculer le degré de confiance d'une règle :

```
(1 + nombre d'enregistrements où la règle est correcte)
/
(2 + nombre d'enregistrements pour lesquels les antécédents de la règle sont
vrais)
```

Ce calcul du degré de confiance s'ajuste au processus de généralisation de règles à partir d'un arbre de décisions (C5.0 effectue également cette opération lorsqu'il crée un ensemble de règles).

Importation de projets à partir d'AnswerTree 3.0

IBM SPSS Modeler peut importer des projets enregistrés dans AnswerTree 3.0 ou 3.1 via la boîte de dialogue Fichier > Ouvrir standard, comme suit :

1. Dans les menus IBM SPSS Modeler, sélectionnez :

   Fichier > **Ouvrir un flux**
2. Dans la liste déroulante Types de fichier, sélectionnez **Fichiers de projet AT (*.atp ; *.ats)**.

   Chaque projet importé est converti en flux IBM SPSS Modeler avec les noeuds suivants :

   - Un noeud source définissant la source de données utilisée (par exemple, un fichier de données ou une source de base de données IBM SPSS Statistics).
   - Pour chaque arbre du projet (il peut en contenir plusieurs), le noeud type créé définit les propriétés de chaque champ (variable), y compris le type, le rôle (champ d'entrée ou prédicteur, et champ de sortie ou prédit), les valeurs manquantes, etc.
   - Pour chaque arbre du projet, un noeud Partitionner partitionnant les données d'un échantillon d'apprentissage ou de test est créé, ainsi qu'un noeud générateur d'arbre définissant les paramètres de génération d'arbre (un noeud Arbre C&RT, QUEST ou CHAID).
3. Pour afficher les arbres créés, exécutez le flux.

Commentaires

- Les arbres de décisions générés dans IBM SPSS Modeler ne peuvent pas être exportés vers AnswerTree. L'importation des projets depuis AnswerTree vers IBM SPSS Modeler est unilatérale.
- Les profits définis dans AnswerTree ne sont pas conservés si le projet concerné est importé dans IBM SPSS Modeler.

Chapitre 7. Modèles de réseau Bayésien

Noeud Réseau Bayésien

Le noeud **Réseau Bayésien** permet de créer un modèle de probabilité en combinant les preuves observées et enregistrées avec les connaissances réelles "de bon sens" pour établir la probabilité des occurrences en utilisant des attributs apparemment sans lien. Le noeud est axé sur le Tree Augmented Naïve Bayes (TAN) et sur les réseaux Couverture de Markov qui servent principalement à la classification.

Les réseaux Bayésiens permettent d'effectuer des prédictions dans de nombreuses situations, par exemple :

- La sélection des opportunités de prêt avec des risques par défaut peu élevés.
- L'évaluation du moment auquel le matériel aura besoin d'être vérifié, remplacé ou nécessitera de nouvelles pièces, en fonction des données du capteur et des enregistrements existants.
- La résolution des problèmes client à l'aide des outils de dépannage en ligne.
- Le diagnostic et le dépannage des réseaux de téléphones cellulaires en temps réel.
- L'évaluation des risques et des bénéfices potentiels de projets de recherche et de développement afin de concentrer les ressources sur les meilleures opportunités.

Un réseau Bayésien est un modèle graphique qui présente des variables (souvent appelées **noeuds**) dans un de l'ensemble de données et les indépendances probabilistes ou conditionnelles qui les relient. La relation causale entre les noeuds peut être représentée par un réseau Bayésien ; cependant, les liens dans le réseau (également appelés **arcs**) ne représentent pas nécessairement un lien direct de cause à effet. Par exemple, un réseau Bayésien peut être utilisé pour calculer la probabilité d'une maladie spécifique chez un patient, en fonction de la présence ou de l'absence de certains symptômes et d'autres données importantes, si les indépendances probabilistes entre les symptômes et la maladie apparaissent comme valides dans le graphique. Ces réseaux restent très solides lorsque des informations sont manquantes et font les meilleures prédictions possibles à l'aide des informations disponibles.

Lauritzen et Spiegelhalter (1988) ont créé un exemple général et basique d'un réseau Bayésien. Il est généralement appelé le modèle "asiatique" et est une version simplifiée d'un réseau qui peut être utilisé pour diagnostiquer les nouveaux patients d'un médecin ; la direction des liens correspond grossièrement à la causalité. Chaque noeud représente une facette qui peut être liée à l'état du patient ; par exemple, "Fumeur" indique que le patient est un fumeur confirmé et "AVisitél'Asie" indique qu'il est récemment allé en Asie. La relation de probabilité est indiquée par les liens entre les noeuds ; par exemple, fumer augmente les risques que le patient développe à la fois des bronchites et un cancer des poumons, alors que l'âge semble être uniquement associé à la possibilité de développer un cancer des poumons. De la même façon, les anomalies sur une radiographie des poumons peuvent provenir de la tuberculose ou d'un cancer des poumons, alors que les risques qu'un patient ait des problèmes respiratoires (dyspnée) augmentent s'il souffre également soit d'une bronchite ou d'un cancer des poumons.

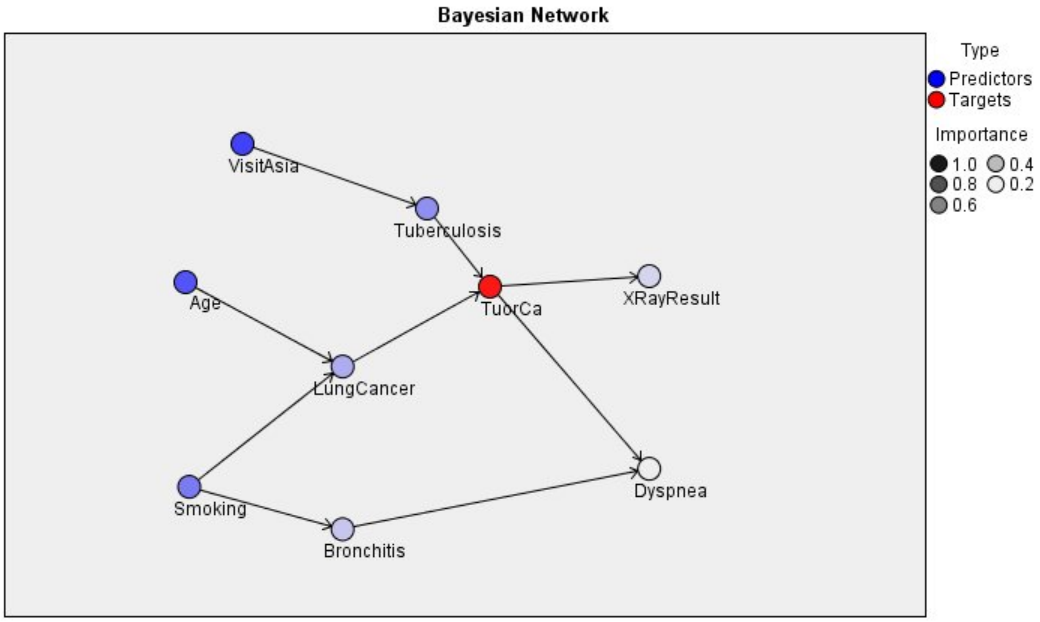


Figure 29. Exemple du réseau Asiatique de Lauritzen et Spiegelhalter

Il existe plusieurs raisons pour lesquelles vous pourriez décider d'utiliser un réseau Bayésien :

- Cela vous permet de connaître les relations causales. Ainsi, vous pouvez comprendre le contexte de la problématique et prédire les conséquences de toute intervention.
- Le réseau offre une approche efficace permettant d'éviter le surajustement des données.
- Une visualisation claire des relations impliquées est facilement accessible.

Conditions requises. Les champs cible doivent être de type catégoriel et ils peuvent comporter un niveau de mesure *Nominal*, *Ordinal*, ou *Indicateur*. Les données peuvent être des champs de tout type. Les champs de données continues (intervalle numérique) seront automatiquement discrétisés ; mais, si la proportion est asymétrique, il est possible d'obtenir de meilleurs résultats en discrétisant manuellement ces champs à l'aide du noeud Discrétiser avant d'utiliser le noeud Réseau Bayésien. Par exemple, utilisez la Création d'intervalles optimale où le **champ de superviseur** est le même que le champ **Cible** du noeud Réseau Bayésien.

Exemple. L'analyste d'une banque souhaite pouvoir prédire quels clients, ou clients potentiels, risquent de ne pas être capables de rembourser leur prêt. Vous pouvez utiliser un modèle de réseau Bayésien pour identifier les caractéristiques des clients les plus susceptibles de ne pas pouvoir rembourser leur prêt, et créer plusieurs types de modèles différents afin de choisir le meilleur modèle pour ce type de prédiction.

Exemple. Un opérateur de télécommunications souhaite réduire le nombre de clients qui le quittent (appelé " attrition ") et mettre à jour le modèle chaque mois en utilisant les données du mois précédent. Vous pouvez utiliser un modèle de réseau Bayésien pour identifier les caractéristiques des clients les plus susceptibles de partir et continuer à renseigner chaque mois le modèle avec de nouvelles données.

Options du modèle de noeud Réseau Bayésien

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer un modèle pour chaque division. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Partition. Ce champ permet d'indiquer un champ utilisé pour partitionner les données en échantillons distincts pour les étapes d'apprentissage, de test et de validation de la création d'un modèle. L'utilisation d'un échantillon pour la génération du modèle et d'un échantillon distinct pour le tester vous permet d'avoir une bonne indication de la manière dont le modèle peut se généraliser à des jeux de données plus importants, similaires aux données actuelles. Si plusieurs champs de partition sont définis via des noeuds types ou Partitionner, vous devez en sélectionner un seul dans l'onglet Champs de chaque noeud de modélisation ayant recours au partitionnement. (Dans le cas d'une seule partition, cette partition est automatiquement utilisée lorsque la fonction de partition est activée.) Notez également que, pour appliquer la partition sélectionnée à l'analyse, vous devez activer l'option de partitionnement dans l'onglet Options de modèle du noeud. (Désélectionnez cette option pour pouvoir désactiver la partition sans modifier les paramètres du champ.)

Scissions Pour des modèles découpés, sélectionnez le ou les champs de division. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Division* dans un noeud type Vous ne pouvez désigner que des champs ayant un niveau de mesure **Indicateur**, **Nominal**, **Ordinal** ou **Continu** comme champs de division. Les champs sélectionnés comme champs de division ne peuvent pas être utilisés comme champs de cible, d'entrée, de partition, de fréquence ou de pondération. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Poursuivre l'apprentissage du modèle existant. Si vous sélectionnez cette option, les résultats affichés dans l'onglet Modèle du nugget de modèle sont régénérés et mis à jour à chaque exécution du modèle. Par exemple, c'est ce que vous feriez si vous aviez ajouté une source de données nouvelle ou mise à jour à un modèle existant.

Remarque : Seul le réseau existant est mis à jour ; il ne peut ni ajouter ni supprimer des noeuds ou des connexions. Chaque fois que vous recyclez le modèle, le réseau conserve la même forme et seules les probabilités conditionnelles et l'importance des prédicteurs changent. Si vos nouvelles données sont dans l'ensemble semblables à vos anciennes données, cela importe peu car vous vous attendez à ce que les mêmes choses aient la même importance ; cependant, si vous souhaitez vérifier ou mettre à jour *ce qui* est important (en opposition à " combien " c'est important), vous devrez créer un nouveau modèle, c'est-à-dire créer un nouveau réseau

Type de structure. Sélectionnez la structure à utiliser lors de la création d'un réseau Bayésien :

- **TAN.** Le modèle Tree Augmented Naïve Bayes (TAN) crée un modèle de réseau Bayésien simple qui est un modèle Naïve Bayes standard amélioré. Il permet que chaque prédicteur dépende d'un autre prédicteur en plus de la variable cible, et d'augmenter ainsi l'exactitude de la classification.
- **Couverture de Markov.** Cela permet de sélectionner l'ensemble de noeuds du de l'ensemble de données qui contient les parents de la variable cible, ses enfants et les parents de ses enfants. Une couverture de Markov identifie principalement toutes les variables du réseau qui sont nécessaires à la prédiction de la variable cible. Cette méthode de construction de réseau est considérée comme étant la plus précise ; cependant, avec de grands jeux de données, la durée du traitement peut être plus importante en raison du grand nombre de variables concerné. Pour réduire la durée du traitement, vous pouvez utiliser les options **Sélection de fonctions** de l'onglet Expert pour sélectionner les variables qui sont nettement associées à la variable cible.

Inclure une étape de prétraitement de la sélection des fonctions. Sélectionner cette case permet d'utiliser les options de **Sélection de fonctions** de l'onglet Expert.

Méthode d'apprentissage des paramètres. Les paramètres de réseau Bayésien font référence aux probabilités conditionnelles de chaque noeud en fonction des valeurs de ses parents. Il existe deux sélections possibles permettant de contrôler la tâche d'estimation des tableaux de probabilités conditionnelles entre les noeuds où les valeurs des parents sont connues :

- **Maximum de vraisemblance.** Sélectionnez cette case lorsque vous utilisez un grand de l'ensemble de données. Il s'agit de la sélection par défaut.
- **Ajustement de Bayes pour les petits calculs de cellules.** Pour les petits jeux de données, il existe un risque de surajustement du modèle, ainsi qu'une possibilité d'un grand nombre de zéros. Sélectionnez cette option pour éviter ces problèmes en utilisant le lissage et réduire ainsi l'effet de tout zéro et de toute estimation non fiable.

Noeud Réseau Bayésien - Options expert

Les options expert du noeud vous permettent d'affiner le processus de création de modèle. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Valeurs manquantes. Par défaut, IBM SPSS Modeler utilise exclusivement les enregistrements dont les valeurs sont valides pour tous les champs du modèle. (cette stratégie est parfois appelée **suppression des observations incomplètes** des valeurs manquantes). S'il manque un grand nombre de données, cette stratégie risque d'éliminer trop d'enregistrements ; par conséquent, la quantité de données disponibles peut être insuffisante pour générer un modèle pertinent. Dans ces cas, vous pouvez désélectionner l'option **N'utiliser que les enregistrements complets**. IBM SPSS Modeler essaiera alors d'utiliser le plus de données possible pour évaluer le modèle, y compris des enregistrements dont certains champs contiennent des valeurs manquantes. (Cette stratégie est parfois appelée *suppression des valeurs manquantes appariées*.) Toutefois dans certains cas, l'utilisation d'enregistrements incomplets peut entraîner des difficultés pour le calcul de l'estimation du modèle.

Ajouter toutes les probabilités. Spécifie l'ajout ou le non-ajout des probabilités de chacune des catégories du champ de sortie à chacun des enregistrements traités par le noeud. Lorsqu'elle ne l'est pas, seule la probabilité de la catégorie prédite est ajoutée.

Test d'indépendance. Un test d'indépendance évalue si les observations par paire sur deux variables sont indépendantes. Sélectionnez le type de test à utiliser, les options disponibles sont :

- **Rapport de vraisemblance.** Teste l'indépendance des prédicteurs cible en calculant un rapport entre la probabilité maximum d'un résultat selon deux hypothèses différentes.
- **Khi-carré de Pearson.** Teste l'indépendance des prédicteurs cible en utilisant une hypothèse nulle que les fréquences relatives d'occurrence des événements observés suivent une distribution de fréquence spécifiée.

Les modèles de réseau Bayésien effectuent des tests conditionnels d'indépendance où des variables supplémentaires sont utilisées au-delà des paires testées. De plus, ces modèles n'explorent pas uniquement les relations entre la cible et les prédicteurs, mais également les relations entre les prédicteurs eux-mêmes.

Remarque : Les options du test d'indépendance sont uniquement disponibles si vous sélectionnez **Inclure une étape de prétraitement de la sélection des fonctions** ou un **Type de structure** de couverture de Markov sur l'onglet Modèle.

Niveau d'importance. Utilisé en conjonction avec les paramètres du test d'indépendance, il permet de définir une valeur-seuil à utiliser pour effectuer les tests. Plus la valeur est basse, moins il reste de liens dans le réseau ; le niveau par défaut est 0,01.

Remarque : Cette option est uniquement disponible si vous sélectionnez**Inclure une étape de prétraitement de la sélection des fonctions** ou un **Type de structure** de couverture de Markov sur l'onglet Modèle.

Taille de l'ensemble de conditionnement maximal. L'algorithme permettant de créer une structure de couverture de Markov utilise des ensembles de conditionnement de taille augmentée pour effectuer des tests d'indépendance et supprimer les liens inutiles du réseau. Parce que les tests traitant un grand nombre de variables de conditionnement nécessitent plus de temps et de mémoire pour le traitement, vous pouvez limiter le nombre de variables à inclure. Cela est particulièrement utile lors du traitement de données ayant de fortes dépendances sur plusieurs variables. Cependant, il est important de noter que le réseau en résultant peut contenir des liens superflus.

Spécifiez le nombre maximal de variables de conditionnement à utiliser pour les tests d'indépendance. La valeur par défaut est 5.

Remarque : Cette option est uniquement disponible si vous sélectionnez**Inclure une étape de prétraitement de la sélection des fonctions** ou un **Type de structure** de couverture de Markov sur l'onglet Modèle.

Sélection de fonction. Ces options permettent de réduire le nombre d'entrées utilisées lors du traitement du modèle afin de réduire la durée du processus de création de modèle. Cela est particulièrement utile

lors de la création d'une structure de couverture de Markov, en raison du nombre important d'entrées potentielles ; vous pouvez ainsi sélectionner des entrées qui sont reliées à la variable cible de manière significative.

Remarque : Les options de sélection de fonction sont uniquement disponibles si vous sélectionnez **Inclure une étape de prétraitement de la sélection des fonctions** sur l'onglet Modèle.

- **Données toujours sélectionnées.** A l'aide du sélecteur de champs (bouton à droite du champ de texte), sélectionnez les champs du de l'ensemble de données qui doivent toujours être utilisés lors de la création d'un modèle de réseau Bayésien. Le champ cible est toujours sélectionné. Notez que le réseau Bayesian peut tout de même supprimer les éléments de cette liste lors du processus de création de modèles si les autres tests ne la considèrent pas comme importante. Cette option garantit donc simplement que les éléments de la liste sont utilisés dans le processus de création de modèles lui-même et non qu'ils apparaîtront systématiquement dans le modèle Bayesian résultant.
- **Nombre maximal d'entrées** Spécifiez le nombre total d'entrées du de l'ensemble de données à utiliser lors de la création d'un modèle de réseau Bayésien. Le nombre maximum que vous pouvez saisir est le nombre total d'entrées du de l'ensemble de données.

  Remarque : Si le nombre de champs sélectionnés dans **Données toujours sélectionnées** dépasse la valeur du **Nombre maximal d'entrées**, un message d'erreur apparaît.

Nuggets de modèle de Réseau Bayésien

Remarque : Si vous sélectionnez **Poursuivre l'apprentissage du modèle existant** dans l'onglet Modèle du noeud de modélisation, les informations affichées dans l'onglet Modèle du nugget de modèle sont mises à jour chaque fois que vous régénérez le modèle.

L'onglet Modèle du nugget de modèle est divisé en deux panneaux.

Panneau de gauche

De base Cette vue contient un graphique de noeuds en réseau qui affiche la relation entre la cible et ses prédicteurs les plus importants, ainsi que la relation entre les prédicteurs. L'importance de chaque prédicteur est représentée par la densité de sa couleur : une couleur foncée représente un prédicteur important et vice versa.

Les valeurs d'intervalle des noeuds qui représentent un intervalle sont affichées dans une info-bulle lorsque le curseur de la souris passe sur le noeud.

Vous pouvez utiliser les outils de graphiques dans IBM SPSS Modeler pour interagir, modifier et enregistrer le graphique. Par exemple, pour une utilisation dans d'autres applications comme MS Word.

Conseil : Si le réseau contient un grand nombre de noeuds, vous pouvez cliquer pour sélectionner un noeud et le faire glisser pour que le graphique soit plus lisible.

Distribution Cette vue affiche les probabilités conditionnelles de chaque noeud dans le réseau sous la forme d'un mini-graphique. Passez le curseur de la souris sur un graphique pour que ses valeurs apparaissent dans une info-bulle.

Panneau de droite

Importance des prédicteurs Affiche un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'évaluation du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Probabilités conditionnelles Lorsque vous sélectionnez un noeud ou un mini-graphique de distribution dans le volet de gauche, le tableau des probabilités conditionnelles associées apparaît dans le volet de droite. Ce tableau contient la valeur de probabilité conditionnelle de chaque valeur de noeud et chaque combinaison de valeurs dans ses noeuds parent. De plus, elle contient le nombre d'enregistrements observés pour chaque valeur d'enregistrement et pour chaque combinaison de valeurs dans les noeuds parent.

Paramètres de modèle de Réseau Bayésien

L'onglet Paramètres d'un nugget de modèle de Réseau Bayésien affiche les options de modification du modèle créé. Par exemple, vous pouvez utiliser le noeud de Réseau Bayésien pour créer plusieurs modèles différents en utilisant les mêmes données et paramètres, puis utiliser cet onglet dans chaque modèle pour modifier légèrement les paramètres et voir en quoi cela influe sur les résultats.

Remarque : Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Ajouter toutes les probabilités Spécifie l'ajout ou le non-ajout des probabilités de chacune des catégories du champ de sortie à chacun des enregistrements traités par le noeud. Lorsqu'elle ne l'est pas, seule la probabilité de la catégorie prédite est ajoutée.

Le paramètre par défaut de cette case à cocher est déterminé par la case correspondante sur l'onglet Expert du noeud de modélisation. Pour plus d'informations, voir «Noeud Réseau Bayésien - Options expert», à la page 132.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Récapitulatif du modèle de Réseau Bayésien

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle contient des informations sur le modèle lui-même (*Analyse*), sur les champs utilisés dans le modèle (*Champs*), sur les paramètres utilisés pour la construction du modèle (*Créer des paramètres*), ainsi que sur l'apprentissage du modèle (*Récapitulatif de l'apprentissage*).

Lorsque vous accédez au noeud pour la première fois, l'arborescence des résultats de l'onglet Récapitulatif est réduite. Pour afficher les résultats qui vous intéressent, utilisez la commande à gauche d'un élément pour le développer ou cliquez sur le bouton **Développer tout** pour afficher tous les résultats. Pour masquer les résultats lorsque vous avez terminé de les consulter, utilisez la commande de développement pour réduire les résultats voulus ou cliquez sur le bouton **Réduire tout** pour réduire tous les résultats.

Analyse. Affiche des informations sur le modèle en question.

Champs. Répertorie les champs utilisés comme cibles et entrées lors de la création du modèle.

Paramètres de création. Contient des informations sur les paramètres utilisés lors de la création du modèle.

Récapitulatif de l'apprentissage. Indique le type du modèle, le flux utilisé pour le créer, l'utilisateur qui l'a créé, ainsi que sa date et sa durée de création.

Chapitre 8. Réseaux de neurones

Un **réseau de neurones** peut approcher une large gamme de modèles prédictifs avec un minimum de demandes sur la structure et les hypothèses du modèle. La forme des relations est déterminée pendant le processus d'apprentissage. Si une relation linéaire entre la cible et les prédicteurs est appropriée, les résultats du réseau de neurones doivent approcher étroitement ceux d'un modèle linéaire traditionnel. Si une relation non linéaire est plus adéquate, le réseau de neurones approche automatiquement la structure de modèle "appropriée".

Le compromis concernant cette flexibilité réside dans le fait que le réseau de neurones n'est pas facilement interprétable. Si vous essayez d'expliquer un processus sous-jacent à l'origine des relations entre la cible et les prédicteurs, il serait préférable d'utiliser un modèle statistique plus traditionnel. Cependant, si l'interprétabilité du modèle n'est pas importante, vous pouvez obtenir de bonnes prédictions à l'aide d'un réseau de neurones.

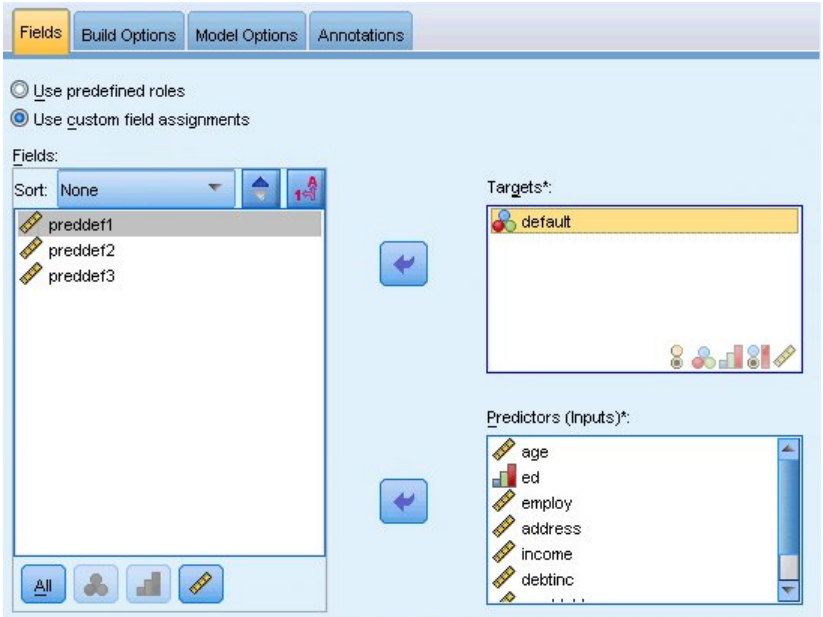


Figure 30. Onglet Champs

Exigences concernant les champs. Il doit y avoir au moins une cible et une entrée. Les champs définis sur Les deux ou Aucun sont ignorés. Il n'existe pas de restrictions concernant le niveau de mesure des cibles ou des prédicteurs (entrées). Pour plus d'informations, voir «Options de champs des noeuds modélisation», à la page 29.

Les poids initiaux affectés aux réseaux de neurones lors de la génération de modèle, et, par conséquent, les modèles finaux qui en résultent, dépendent de l'ordre des champs dans les données. SPSS Modeler trie automatiquement les données par nom de champ avant de les présenter au réseau de neurones en vue de l'apprentissage. Par conséquent, le fait de modifier l'ordre des champs dans les données en amont n'affecte pas les modèles de réseau de neurones générés lorsqu'une valeur de départ aléatoire est définie dans le générateur de modèles. Toutefois, le fait de modifier le nom des champs d'entrée d'une manière qui modifie leur ordre de tri générera des modèles de réseau de neurones différents, même si une valeur de départ aléatoire est définie dans le générateur de modèles. La modification de l'ordre de tri des noms de champ n'affectera pas de façon significative la qualité des modèles.

Modèle de réseau de neurones

Les réseaux de neurones sont des modèles simples représentant le fonctionnement du système nerveux. Les unités de base sont les **neurones**. Ils sont généralement organisés en **couches**, comme l'illustre la figure ci-dessous.

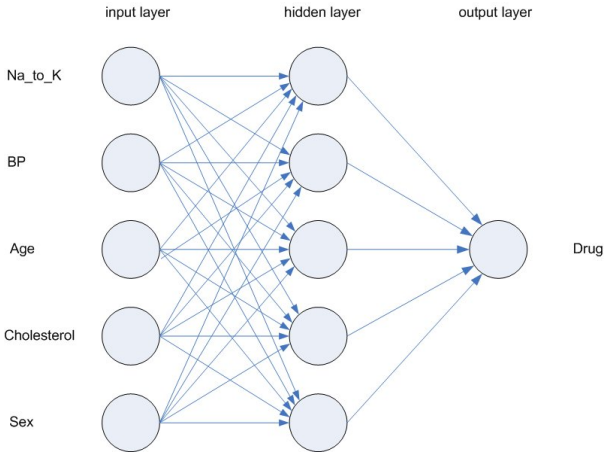


Figure 31. Structure d'un réseau de neurones

Le **noeud Réseau de neurones** est un modèle simplifié de la manière dont le cerveau humain traite les informations. Le fonctionnement de ce modèle repose sur la simulation d'un grand nombre d'unités de traitement interconnectées, qui sont en quelque sorte des versions abstraites de nos neurones.

Ces unités de traitement sont organisées en couches. Il existe généralement trois types de couche dans un réseau de neurones : une **couche d'entrée** dans laquelle les unités représentent les champs d'entrée, une ou plusieurs **couches cachées**, ainsi qu'une **couche de sortie** dans laquelle des unités représentent les champs cibles. Les unités sont reliées entre elles par des connexions de puissance (ou de **pondération**) différentes. Les données d'entrée sont présentées dans la première couche et les valeurs transmises entre les neurones d'une couche à l'autre. Le résultat final est obtenu à partir de la couche de sortie.

Lors de son apprentissage, le réseau procède à l'examen de tous les enregistrements afin de générer des prévisions et modifie les pondérations lorsque l'une de ses prévisions s'avère incorrecte. Ce processus se répète plusieurs fois et le réseau continue d'améliorer ses prévisions jusqu'à ce que l'un des critères d'arrêt soit atteint.

Au début, tous les coefficients de pondération sont aléatoires et les réponses en provenance du réseau risquent de ne pas avoir de sens. Le réseau apprend à travers l'**apprentissage**. Les exemples dont le résultat est connu sont présentés à plusieurs reprises au réseau et les réponses qu'il donne sont comparées aux résultats connus. Les informations de cette comparaison sont réacheminées via le réseau, modifiant progressivement les coefficients de pondération. Au fur et à mesure de l'apprentissage, les résultats connus répliqués par le réseau sont à chaque fois plus précis. Lorsque l'apprentissage est terminé, le réseau peut être appliqué à d'autres observations pour lesquelles le résultat est inconnu.

Utilisation des réseaux de neurones avec les flux hérités

La version 14 de IBM SPSS Modeler a présenté un nouveau noeud Réseau de neurones qui prend en charge les techniques de boosting et de bagging pour les jeux de données très volumineux. Les flux existants contenant l'ancien noeud peuvent encore créer et évaluer des modèles dans les versions ultérieures. Cependant, cette prise en charge sera supprimée dans une version future, aussi, nous vous recommandons d'utiliser la nouvelle version.

A partir de la version 13, les champs contenant des valeurs inconnues (c'est-à-dire des valeurs absentes des données d'apprentissage) ne sont plus automatiquement traités comme comportant des valeurs manquantes et sont évalués avec la valeur `$null$`. Par conséquent, si vous souhaitez évaluer les champs avec des valeurs inconnues comme des champs non nuls à l'aide d'un modèle de Réseau de neurones

plus ancien (antérieur à la version 13) de la version 13 ou d'une version ultérieure, vous devez signaler les valeurs inconnues comme des valeurs manquantes (par exemple, à l'aide du noeud type).

Notez que, pour des raisons de compatibilité, des flux existants qui contiennent encore l'ancien noeud peuvent toujours utiliser l'option *Limiter la taille de l'ensemble* dans **Outils > Propriétés du flux > Options** ; cette option s'applique uniquement aux réseaux Kohonen et aux noeuds *k* moyenne de la version 14 ou ultérieure.e.

Objectifs

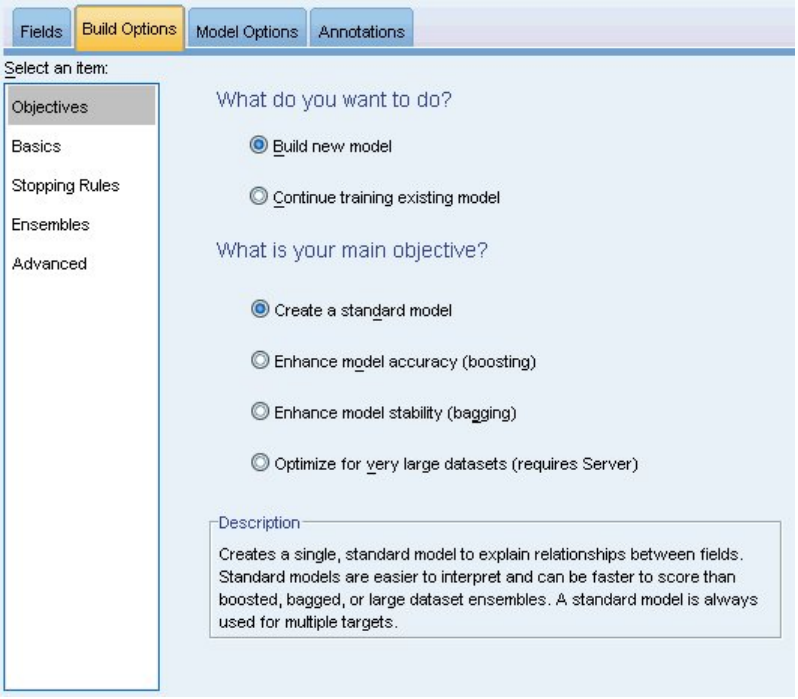


Figure 32. Paramètres des objectifs

Que souhaitez-vous faire ?

- **Créer un modèle.** Créer un modèle entièrement nouveau. Il s'agit de l'opération ordinaire du noeud.
- **Poursuivre l'apprentissage d'un modèle existant.** L'apprentissage se poursuit sur le dernier modèle généré par le noeud. Cela permet de mettre à jour ou d'actualiser un modèle existant sans avoir à accéder aux données d'origine et peut permettre d'obtenir des performances nettement plus rapides car seuls les enregistrements nouveaux ou mis à jour sont acheminés dans le flux. Les détails relatifs au modèle précédent sont stockés avec le noeud de modélisation, ce qui permet d'utiliser cette option même si le nugget de modèle précédent n'est plus disponible dans le flux ou dans la palette de modèles.

  Remarque : Lorsque cette option est activée, toutes les autres commandes des onglets Champ et Options de création sont désactivés.

Quel est votre objectif principal ? Sélectionnez l'objectif approprié.

- **Créer un modèle standard.** La méthode crée un modèle unique afin de prédire la cible à l'aide des prédicteurs. En général, les modèles standard sont plus faciles à interpréter et peuvent être plus rapides à évaluer que des jeux de données améliorés, agrégés ou volumineux.

  Remarque : Dans le cas de modèles découpés, pour utiliser cette option avec **Poursuivre l'apprentissage d'un modèle existant**, vous devez être connecté à Analytic Server.
- **Améliorer l'exactitude du modèle (boosting).** La méthode crée un modèle d'ensemble à l'aide d'une amélioration, qui génère une séquence de modèles pour obtenir des prédictions plus précises. La création et l'évaluation des ensembles peut prendre davantage de temps qu'un modèle standard.

Le boosting produit une succession de « modèles de composant », chacun généré à partir du de l'ensemble de données entier. Avant la création de chaque modèle de composant successif, les enregistrements sont pondérés en fonction des résidus du modèle de composant précédent. Les observations possédant des résidus élevés reçoivent des pondérations d'analyse relativement supérieure de manière à ce que le modèle de composant suivant donne une meilleure prédiction de ces enregistrements. Ensemble ces modèles de composant forment un modèle d'ensemble. Le modèle d'ensemble évalue les nouveaux enregistrements à l'aide d'une règle de combinaison ; les règles disponibles dépendent du niveau de mesure de la cible.

- **Améliorer la stabilité du modèle (bagging).** La méthode crée un modèle d'ensemble à l'aide du bagging (agrégation par bootstrap), qui génère plusieurs modèles pour obtenir des prédictions plus fiables. La création et l'évaluation des ensembles peut prendre davantage de temps qu'un modèle standard.

  L'agrégation par bootstrap (bagging) produit des doubles du de l'ensemble de données d'apprentissage en réalisant un échantillonnage avec remplacement à partir du de l'ensemble de données d'origine. Ceci permet de créer des échantillons de bootstrap de taille égale au de l'ensemble de données d'origine. Ensuite, un « modèle de composant » est créé à partir de chaque double. Ensemble ces modèles de composant forment un modèle d'ensemble. Le modèle d'ensemble évalue les nouveaux enregistrements à l'aide d'une règle de combinaison ; les règles disponibles dépendent du niveau de mesure de la cible.
- **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux.** La méthode crée un modèle d'ensemble en divisant l'ensemble de données en des blocs de données distincts. Sélectionnez cette option si votre de l'ensemble de données est trop volumineux pour créer l'un des modèles ci-dessus, ou pour créer un modèle incrémentiel. Cette option peut prendre moins de temps à créer, mais davantage à évaluer qu'un modèle standard.

Lorsqu'il y a plusieurs cibles, cette méthode ne crée qu'un modèle standard, quel que soit l'objectif sélectionné.

Bases

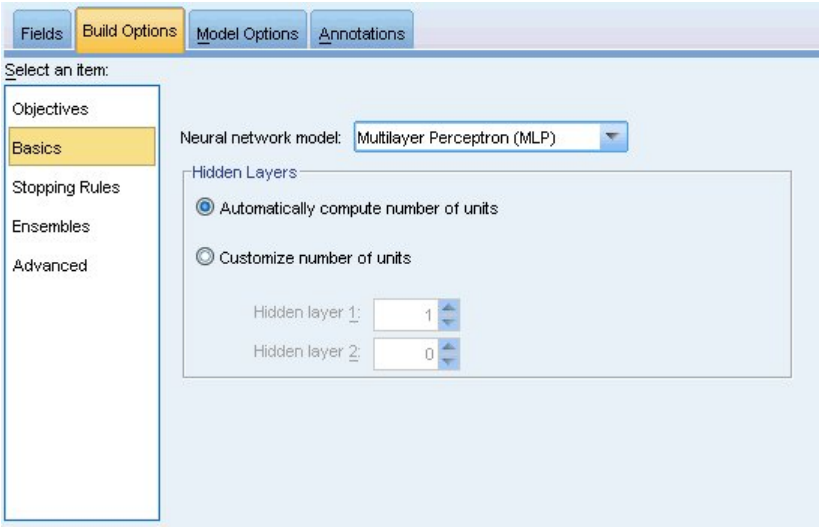


Figure 33. Paramètres de base

Modèle de réseau de neurones. Le type du modèle détermine la façon dont le réseau connecte les prédicteurs aux cibles par le biais des couches masquées. Le **perceptron multicouche (MLP)** autorise des relations plus complexes au prix d'un accroissement de la durée d'apprentissage et de scoring. La **fonction radiale de base (RBF)** peut avoir une durée d'apprentissage et de scoring inférieure au prix d'une puissance de prédiction réduite comparée au MLP.

Couches masquées. La ou les couches masquées d'un réseau de neurones contiennent des unités inobservables. La valeur de chaque unité masquée est une fonction des prédicteurs ; la forme exacte de la

fonction dépend partiellement du type de réseau. Un perceptron multicouche peut avoir une ou deux couches masquées ; un réseau de fonction radiale de base peut avoir une couche masquée.

- **Calculer automatiquement le nombre d'unités.** Cette option crée un réseau comportant une couche masquée et calcule le « meilleur » nombre d'unités dans celle-ci.
- **Personnaliser le nombre d'unités.** Cette option vous permet de spécifier le nombre d'unités de chaque couche masquée. La première couche masquée doit comporter au moins une unité. Spécifier 0 unité pour la seconde couche masquée crée un perceptron multicouche comportant une seule couche masquée.

  Remarque : Vous devez sélectionner des valeurs de sorte que le nombre de noeuds n'excède pas le nombre de prédicteurs continus plus le nombre total de modalités parmi tous les prédicteurs catégoriels (indicateurs, nominaux et ordinaux).

Règles d'arrêt

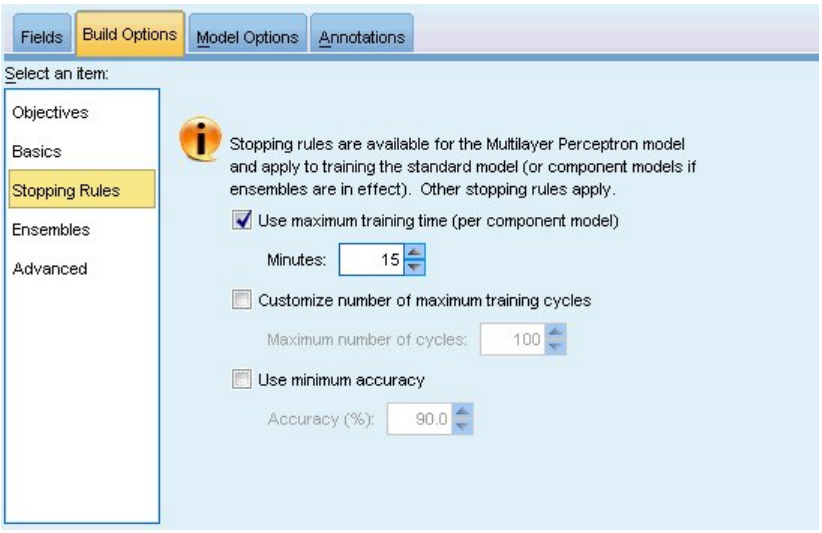


Figure 34. Paramètres des règles d'arrêt

Il s'agit des règles qui déterminent le moment d'arrêt de l'apprentissage de réseaux d'un perceptron multicouche ; ces paramètres sont ignorés lorsque l'algorithme de fonction radiale de base est utilisé. L'apprentissage exécute au moins un cycle (transmission de données) et peut alors être arrêté en fonction des critères suivants.

Utiliser la durée d'apprentissage maximale (par modèle de composant). Indiquez s'il faut spécifier un nombre maximum de minutes pour l'algorithme à exécuter. Spécifiez un nombre supérieur à 0. Lorsqu'un modèle d'ensemble est créé, il s'agit de la durée d'apprentissage autorisée pour chaque modèle de composant de l'ensemble. Veuillez noter que l'apprentissage peut se poursuive un peu au-delà de la limite imposée pour permettre au cycle d'apprentissage en cours d'être achevé.

Personnaliser le nombre de cycles d'apprentissage maximum. Le nombre maximum de cycles d'apprentissage autorisé. Si le nombre maximum de cycles est dépassé, l'apprentissage s'arrête. Spécifiez un entier supérieur à 0.

Utiliser l'exactitude minimale. Avec cette option, l'apprentissage se poursuit jusqu'à ce que l'exactitude spécifiée soit atteinte. Il est possible que l'exactitude spécifiée ne soit jamais atteinte. Cependant, vous pouvez à tout moment interrompre l'apprentissage et enregistrer le réseau en conservant la meilleure exactitude atteinte jusque-là.

L'algorithme d'apprentissage s'arrête aussi si l'erreur de l'ensemble de prévention de surajustement ne décroît pas après chaque cycle, si la modification relative de l'erreur d'apprentissage est petite ou si le rapport d'erreur d'apprentissage actuel est petit comparé à l'erreur initiale.

Ensembles

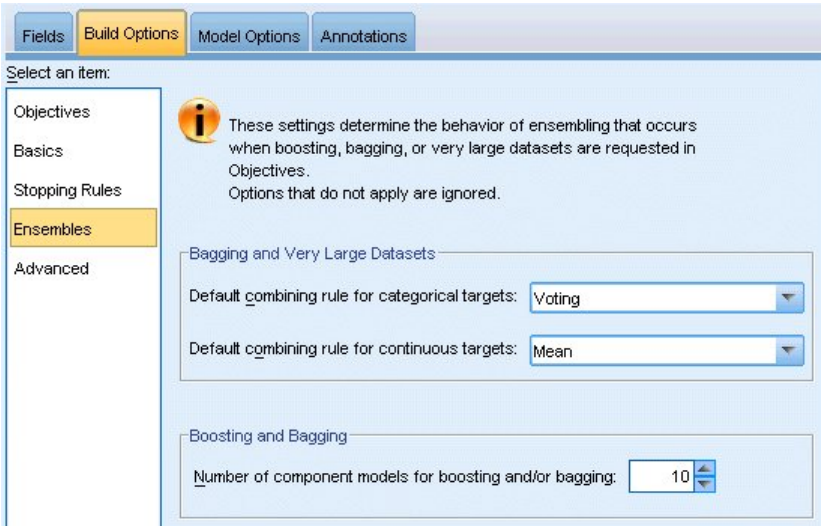


Figure 35. Paramètres des ensembles

Ces paramètres déterminent le comportement d'assemblage qui se produit lors du boosting, du bagging ou lorsque des jeux de données volumineux sont requis dans les objectifs. Les options qui ne s'appliquent pas à l'objectif sélectionné sont ignorées.

Bagging et très grands jeux de données. Lors de l'évaluation d'un ensemble, il s'agit de la règle utilisée pour combiner les valeurs prédites à partir des modèles de base pour calculer la valeur de score d'un ensemble.

- **Règle de combinaison par défaut pour les cibles catégorielles.** Des valeurs prédites d'ensemble pour ces cibles catégorielles peuvent être combinées à l'aide du vote, de la probabilité la plus élevée ou de la probabilité de moyenne la plus élevée. Le **vote** sélectionne la catégorie qui a la plus forte probabilité le plus souvent sur les mêmes modèles de base. La **probabilité la plus élevée** sélectionne la catégorie qui atteint la probabilité la plus élevée sur tous les modèles de base. La **probabilité de moyenne la plus élevée** sélectionne la catégorie dont la valeur est la plus élevée lorsqu'est effectué la moyenne des probabilités de catégorie sur les modèles de base.
- **Règle de combinaison par défaut pour les cibles continues.** Des valeurs prédites d'ensemble pour des cibles continues peuvent être combinées à l'aide de la moyenne ou de la médiane des valeurs prédites à partir des modèles de base.

Veuillez noter que lorsque l'objectif consiste à améliorer l'exactitude du modèle, les sélections de règles de combinaisons sont ignorées. Le boosting utilise toujours un vote majoritaire pondéré pour évaluer des cibles catégorielles et une médiane pondérée pour évaluer des cibles continues.

Boosting et Bagging. Spécifiez le nombre de modèles de base à créer lorsque l'objectif est d'améliorer l'exactitude ou la stabilité du modèle ; pour le bagging, il s'agit du nombre d'échantillons de bootstrap. Il doit s'agir d'un entier positif.

Avancé

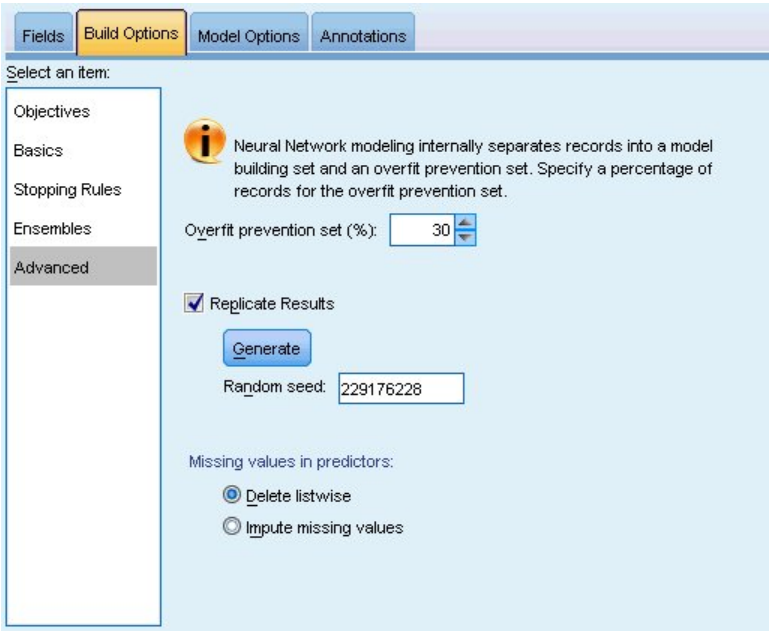


Figure 36. Paramètres avancés

Les paramètres avancés offrent un contrôle sur des options qui ne sont pas correctement adaptées à d'autres groupes de paramètres.

Ensemble de prévention du surajustement. La méthode du réseau de neurones sépare des enregistrements de manière interne en un ensemble de création de modèle et un ensemble de prévention de surajustement, qui est un ensemble d'enregistrements de données servant à tracer les erreurs pendant l'apprentissage afin d'éviter que la méthode n'effectue une modélisation d'une variation aléatoire dans les données. Spécifier un pourcentage d'enregistrements. La valeur par défaut est 30.

Dupliquer les résultats. Définir une valeur de départ aléatoire vous permet de dupliquer des analyses. Spécifiez un entier ou cliquez sur **Générer**, ce qui crée un entier pseudo-aléatoire compris entre 1 et 2147483647, inclus. Par défaut, les analyses sont dupliquées avec une valeur de départ de 229176228.

Valeurs manquantes dans les prédicteurs. Ceci spécifie la façon de traiter les valeurs manquantes. **Supprimer par liste** supprime de la création du modèle des enregistrements comportant des valeurs manquantes dans des prédicteurs. **Inclure les valeurs manquantes** remplace les valeurs manquantes dans les prédicteurs et utilise ces enregistrements dans l'analyse. Les champs continus attribuent la moyenne des valeurs minimum et maximum observées ; les champs catégoriels attribuent la modalité la plus fréquente. Veuillez noter que les enregistrements comportant des valeurs manquantes sur tous les autres champs spécifiés dans l'onglet Champ, sont toujours supprimés de la création du modèle.

Options du modèle

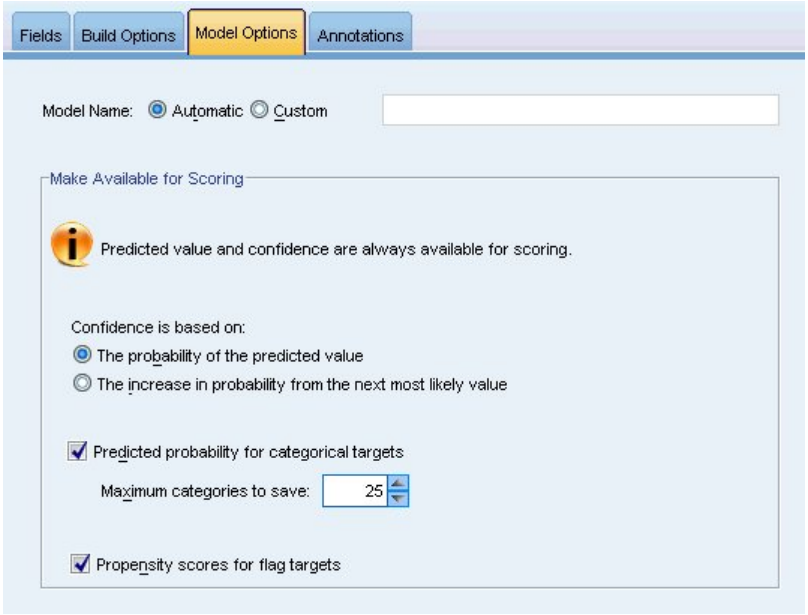


Figure 37. Onglet Options de modèle

Nom de modèle. Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle en fonction des champs cible ou spécifier un nom personnalisé. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible. S'il existe plusieurs cibles, le nom du modèle correspond aux noms des champs reliés par des perluètes. Par exemple, si *champ1 champ2 champ3* sont des cibles, alors le nom du modèle est : *champ1 & champ2 & champ3*.

Rendre disponible pour le scoring. Lorsque le modèle est évalué, les éléments sélectionnés dans ce groupe doivent être générés. La valeur prédite (pour toutes les cibles) et la confiance (pour les cibles catégorielles) sont toujours calculées lorsque le modèle est évalué. La confiance calculée peut être basée sur la probabilité de la valeur prédite (la probabilité prédite la plus élevée) ou sur la différence entre la probabilité prédite la plus élevée et la deuxième probabilité prédite la plus élevée.

- **Probabilité prédite pour les cibles catégorielles.** Ceci génère les probabilités prédites pour les cibles catégorielles. Un champ est créé pour chaque modalité.
- **Scores de propension pour les cibles indicateur.** Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Le modèle produit des scores de propension brute. Si les partitions sont activées, le modèle produit également des scores de propension ajustée basés sur la partition de test.

Récapitulatif du modèle

Model Summary

Target	Previously defaulted
Model	Multilayer Perceptron
Stopping Rule Used	Error cannot be further decreased
Hidden Layer 1 Neurons	4

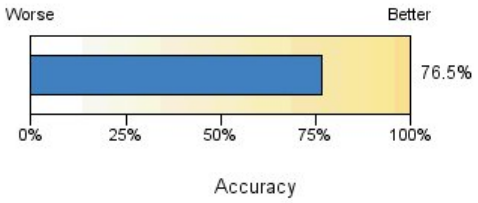


Figure 38. Vue Récapitulatif du modèle réseaux de neurones

La vue récapitulative du modèle est un instantané, un récapitulatif accessible d'un coup d'oeil du réseau de neurones prédictif ou de l'exactitude du classement.

Récapitulatif du modèle. Le tableau identifie la cible, le type de réseau de neurones formé, la règle d'arrêt qui a interrompu l'apprentissage (affichée si un réseau de perceptron multicouche a été formé) et le nombre de neurones de chaque couche masquée du réseau.

Qualité du réseau de neurones. Le graphique affiche l'exactitude du modèle final, qui est présenté en plus grand, disposant d'un meilleur format. Pour les cibles catégorielles, il s'agit du pourcentage des enregistrements pour lesquels la valeur prédite correspond à la valeur observée. Pour une cible continue, la précision est spécifiée comme la valeur R^2.

Cibles multiples. S'il y a plusieurs cibles, chacune d'elle est affichée dans la ligne **Cible** du tableau. La exactitude affichée dans le graphique correspond à la moyenne des exactitudes des cibles individuelles.

Importance des prédicteurs

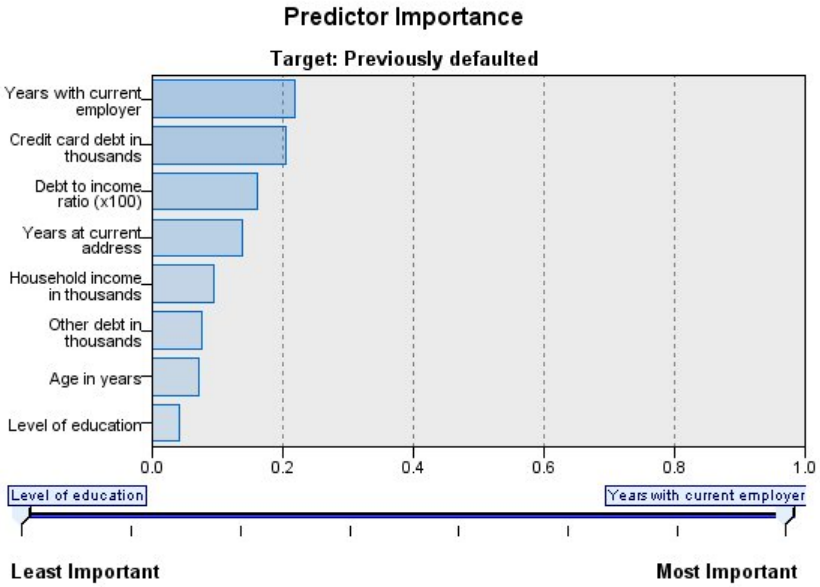


Figure 39. Vue Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

Cibles multiples. S'il existe plusieurs cibles, chacune est affichée dans un graphique distinct et une liste déroulante **Cible** contrôle la cible à afficher.

Valeurs prédites en fonction des valeurs observées

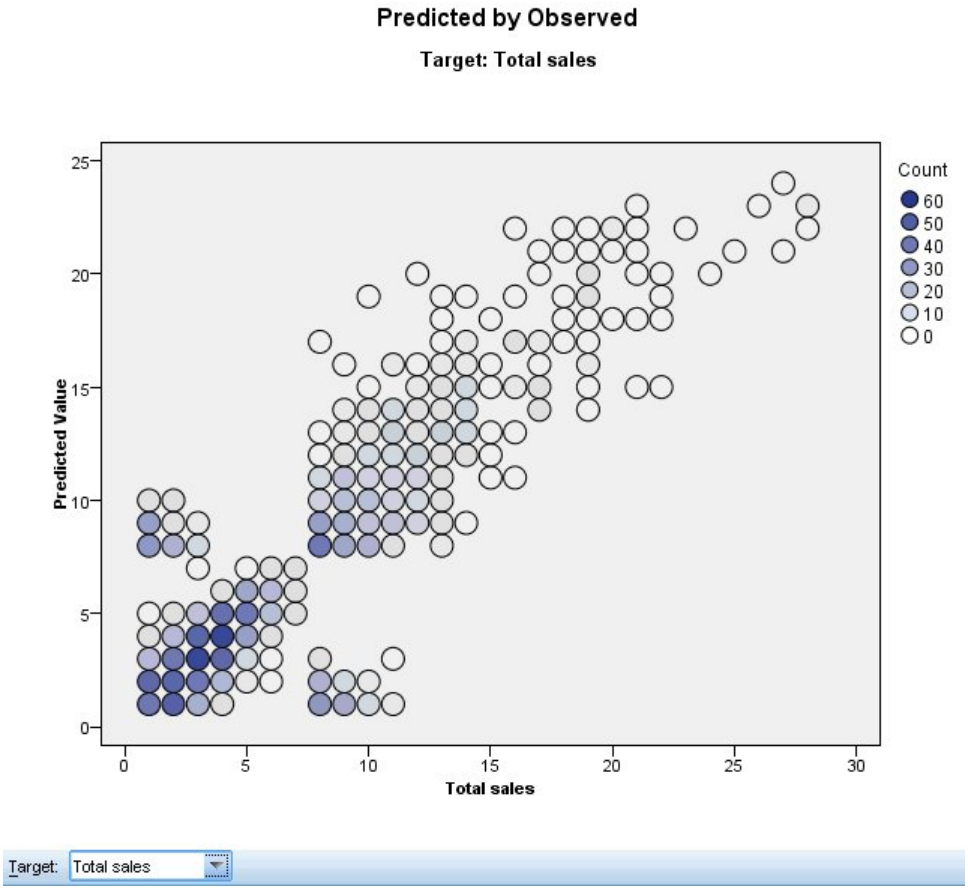


Figure 40. Vue Valeurs prédites et valeurs observées

Pour des cibles continues, ceci affiche un nuage de points regroupé par casiers des valeurs prédites sur l'axe vertical par les valeurs observées sur l'axe horizontal.

Cibles multiples. S'il existe plusieurs cibles continues, chacune est affichée dans un graphique distinct et une liste déroulante **Cible** contrôle la cible à afficher.

Classification

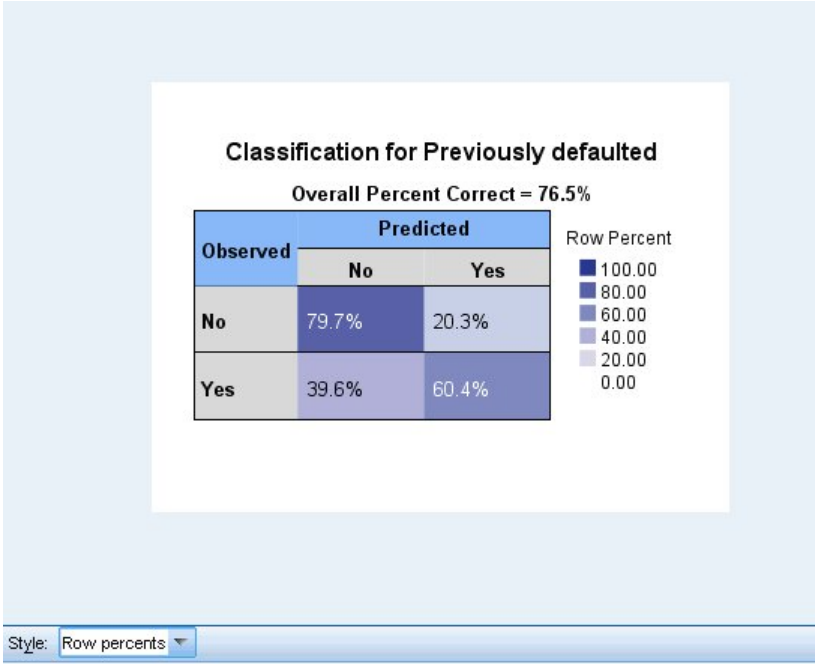


Figure 41. Vue Classification, style du pourcentage des lignes

Pour les cibles catégorielles, cette option affiche la classification croisée des valeurs observées par rapport aux valeurs prédites sur une carte de densité, ainsi que le pourcentage global correct.

Styles de tableaux. Il existe différents styles d'affichage, accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Pourcentages de ligne.** Affiche les pourcentages de ligne (les effectifs de cellules exprimés sous forme de pourcentage du nombre total de lignes) dans les cellules. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Effectifs de cellules.** Affiche les effectifs de cellules dans les cellules. L'ombrage de la carte de densité reste basé sur les pourcentages de ligne.
- **Carte de densité.** N'affiche aucune valeur dans les cellules, uniquement l'ombrage.
- **Compressé.** N'affiche aucun en-tête de ligne ou de colonne ni de valeur dans les cellules. Ceci peut être utile lorsque la cible possède de nombreuses catégories.

Manquantes. Si des enregistrements ont des valeurs manquantes sur la cible, elles sont affichées sur une ligne **(Manquant)** sous les lignes valides. Les enregistrements avec des valeurs manquantes ne contribuent pas au pourcentage général correct.

Cibles multiples. S'il existe plusieurs cibles catégorielles, chacune est affichée dans un tableau distinct et une liste déroulante **Cible** contrôle la cible à afficher.

Grands tableaux. Si la cible affichée comporte plus de 100 catégories, aucun tableau n'est affiché.

Réseau

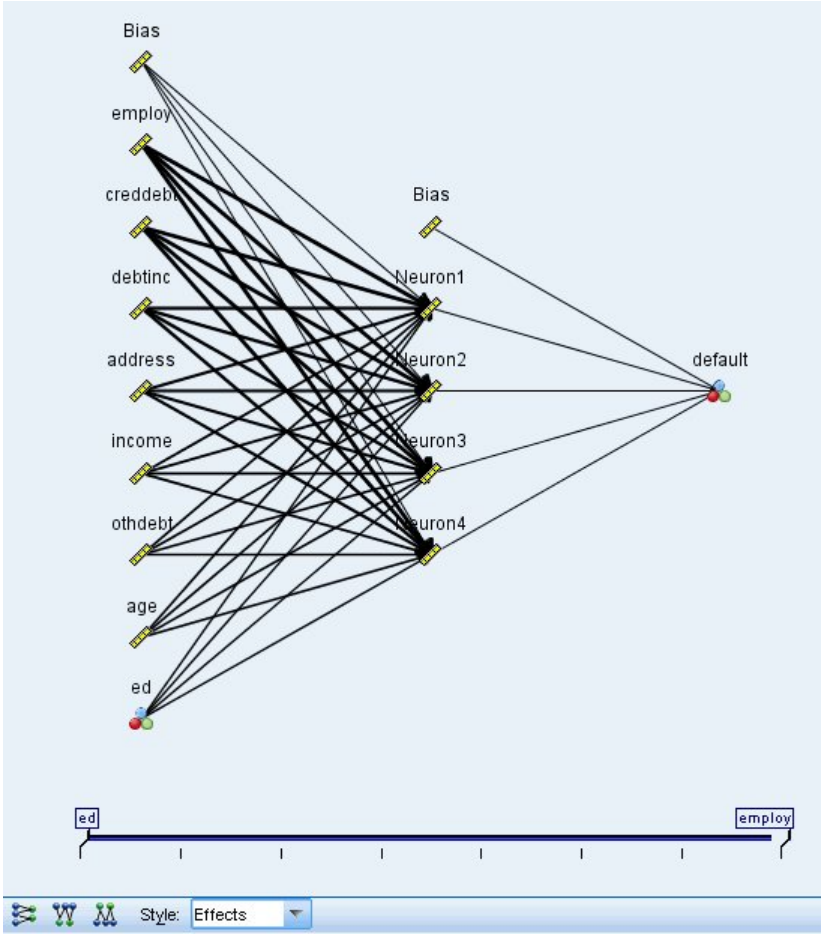


Figure 42. Vue Réseau, entrées à gauche, style d'effets

Affiche une représentation graphique du réseau de neurones.

Styles de graphique. Il existe deux styles d'affichage différents, accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Effets.** Affiche chaque prédicteur et chaque cible sous la forme d'un noeud dans le diagramme, que l'échelle de mesure soit continue ou catégorielle. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Coefficients.** Affiche des noeuds à indicateurs multiples pour des prédicteurs et des cibles indépendants. Les lignes de connexion dans le diagramme de style coefficient sont colorées en fonction de la valeur estimée de la pondération synaptique.

Orientation du diagramme. Par défaut, le diagramme du réseau est organisé avec les entrées à gauche et les cibles à droite. En utilisant les commandes de la barre d'outils, vous pouvez modifier l'orientation afin que les entrées se trouvent en haut et les cibles en bas ou que les entrées se trouvent en bas et les cibles en haut.

Importance des prédicteurs. Les lignes de connexion du diagramme sont pondérées en fonction de l'importance des prédicteurs, une largeur de ligne plus importante correspondant à une plus grande importance. Il existe un curseur de l'importance des prédicteurs dans la barre d'outils qui contrôle celles qui sont affichées dans le diagramme du réseau. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les prédicteurs les plus importants.

Cibles multiples. S'il existe plusieurs cibles, toutes sont affichées dans le graphique.

Paramètres

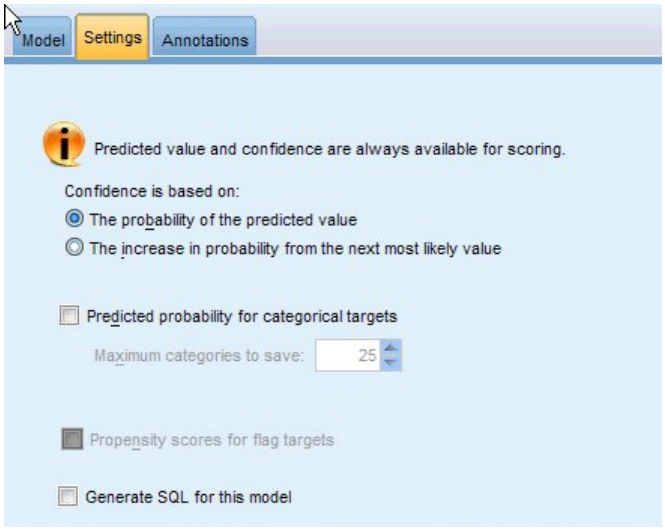


Figure 43. Onglet Paramètres

Lorsque le modèle est évalué, les éléments sélectionnés dans cet onglet doivent être générés. La valeur prédite (pour toutes les cibles) et la confiance (pour les cibles catégorielles) sont toujours calculées lorsque le modèle est évalué. La confiance calculée peut être basée sur la probabilité de la valeur prédite (la probabilité prédite la plus élevée) ou sur la différence entre la probabilité prédite la plus élevée et la deuxième probabilité prédite la plus élevée.

- **Probabilité prédite pour les cibles catégorielles.** Ceci génère les probabilités prédites pour les cibles catégorielles. Un champ est créé pour chaque modalité.
- **Scores de propension pour les cibles indicateur.** Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Le modèle produit des scores de propension brute. Si les partitions sont activées, le modèle produit également des scores de propension ajustée basés sur la partition de test.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Calculer en convertissant en SQL natif Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données.

Remarque : Bien que cette option fournisse des résultats plus rapides, la taille et la complexité du SQL natif augmentent à mesure que le modèle se complexifie.

Score en dehors de la base de données Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Chapitre 9. Liste de décision

Les modèles de la Liste de décisions identifient les sous-groupes ou les **segments**, qui présentent une probabilité plus élevée ou plus faible d'un résultat binaire (oui ou non) par rapport à l'échantillon global. Par exemple, vous pouvez rechercher les clients qui présentent la plus faible probabilité d'attrition ou qui sont les plus susceptibles de répondre favorablement à une offre ou une campagne spécifique. Le Visualiseur de liste de décisions offre un contrôle complet sur le modèle : vous avez ainsi la possibilité d'éditer des segments, d'ajouter vos propres règles métier, de spécifier les modalités de détermination du score de chaque segment et de personnaliser le modèle de plusieurs façons afin d'optimiser la proportion des correspondances dans tous les segments. Ainsi, il est particulièrement adapté à la génération de fichiers d'adresses ou à l'identification d'enregistrements à cibler pour une campagne spécifique. Vous pouvez également utiliser plusieurs **tâches d'exploration** pour combiner diverses approches de modélisation, par exemple, en identifiant les segments performants et moins performants au sein du même modèle, et en les incluant ou en les excluant à l'étape de scoring selon les besoins.

Segments, règles et conditions

Un modèle se compose d'une liste de segments, chacun étant défini par une règle qui sélectionne les enregistrements avec correspondance. Une règle donnée peut être constituée de plusieurs conditions, par exemple :

```
RFM_SCORE > 10 and
MONTHS_CURRENT <= 9
```

Les règles sont appliquées dans l'ordre indiqué, la première règle correspondante déterminant le résultat pour un enregistrement donné. Prises individuellement, les règles ou les conditions peuvent se recouper, mais l'ordre des règles résout toute ambiguïté. Si aucune règle ne correspond, l'enregistrement est attribué à la règle restante.

Maîtrise totale du scoring

Le Visualiseur de liste de décisions permet de visualiser, de modifier et de réorganiser les segments, mais également de choisir les segments à inclure ou à exclure à des fins de scoring. Vous pouvez par exemple choisir d'exclure un groupe de clients des offres à venir, en inclure d'autres et visualiser immédiatement la façon dont cette modification affecte votre taux de correspondance global. Les modèles Liste de décisions renvoient un score *Yes* (oui) pour les segments inclus et *$null$* pour tous les autres éléments, y compris le reste. Ce contrôle direct sur le scoring fait des modèles de la Liste de décisions une solution idéale pour la génération de fichiers d'adresses ; ils sont largement utilisés dans la gestion de la relation client, notamment dans les applications marketing ou de centre d'appels.

Tâches d'exploration, mesures et sélections

Le processus de modélisation est géré par les **tâches d'exploration**. Chaque tâche d'exploration lance efficacement une nouvelle exécution de modélisation et renvoie un nouvel ensemble d'autres modèles parmi lesquels vous pouvez effectuer votre choix. La tâche par défaut est fondée sur vos spécifications initiales dans le noeud Liste de décisions, mais vous pouvez définir autant de tâches personnalisées que vous le souhaitez. Vous pouvez appliquer des tâches à plusieurs reprises. Par exemple, vous pouvez lancer une recherche de forte probabilité sur la totalité de l'ensemble d'apprentissage, puis une recherche de faible probabilité sur le reste pour éliminer les segments les moins performants.

Sélections de données

Vous pouvez définir les sélections de données et les mesures de modèle personnalisées pour la génération et l'évaluation de modèles. Vous pouvez par exemple indiquer une sélection de données dans une tâche d'exploration pour adapter le modèle à une région spécifique et créer une mesure personnalisée pour évaluer les performances du modèle sur l'ensemble du pays. Contrairement aux tâches d'exploration, les mesures ne modifient pas le modèle sous-jacent mais offrent une autre vision qui permet d'évaluer ses performances.

Ajout de vos connaissances métier

En affinant ou en étendant les segments identifiés par l'algorithme, l'Visualiseur de liste de décisions permet d'incorporer vos connaissances métier dans le modèle. Vous pouvez éditer les segments générés par le modèle ou ajouter des segments en fonction de règles que vous indiquez. Vous pouvez ensuite appliquer les modifications et obtenir un aperçu des résultats.

Pour vous faire une idée plus précise, un lien dynamique à Excel permet d'exporter des données vers Excel, où vous pouvez les utiliser pour créer des graphiques de présentation et calculer des mesures personnalisées (par exemple, des mesures de profit et de retour sur investissement complexes). Vous pouvez visualiser ces éléments dans le Visualiseur de liste de décisions pendant la création du modèle.

Exemple. Le service marketing d'une institution financière souhaite obtenir des résultats plus rentables au cours des prochaines campagnes en présentant à chaque client une offre adaptée. Vous pouvez utiliser un modèle Liste de décision pour identifier les caractéristiques des clients les plus à même de répondre favorablement sur la base des promotions précédentes et pour générer un fichier d'adresses en fonction des résultats.

Conditions requises. Un champ cible catégoriel unique avec un niveau de mesure de type *Indicateur* ou *Nominal* qui indique le résultat binaire que vous souhaitez prévoir (oui/non) et au moins un champ d'entrée. Lorsque le type du champ cible est *Nominal*, vous devez choisir manuellement une valeur unique à traiter en tant que **correspondance** ou **réponse** ; toutes les autres valeurs sont regroupées en tant qu'**absence de correspondance**. Il est également possible de spécifier un champ de fréquence facultatif. Les champs date/heure continus sont ignorés. Les entrées d'intervalle numériques continues sont automatiquement mises en intervalles par l'algorithme, comme indiqué dans l'onglet Expert du noeud de modélisation. Pour un contrôle plus précis de la création d'intervalles, ajoutez un noeud Discrétiser en amont et utilisez le champ mis en intervalles en tant qu'entrée avec un niveau de mesure *Ordinal*.

Options du modèle Liste de décision

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Mode. Indique la méthode utilisée pour créer le modèle.

- **Générer un modèle.** Génère automatiquement un modèle sur la palette Modèles lorsque le noeud est exécuté. Le modèle obtenu peut être ajouté à des flux, à des fins de scoring, mais ne peut plus être modifié.
- **Lancer une session interactive.** Ouvre la fenêtre (de sortie) de modélisation interactive du Visualiseur de liste de décisions, qui permet de faire une sélection parmi plusieurs choix et d'appliquer à plusieurs reprises l'algorithme avec différents paramètres, afin de développer ou de modifier progressivement le modèle. Pour plus d'informations, voir « Visualiseur de liste de décisions », à la page 155.
- **Utiliser les informations de session interactive enregistrées.** Lance une session interactive à l'aide de paramètres précédemment enregistrés. Il est possible d'enregistrer les paramètres interactifs à partir du Visualiseur de liste de décisions, à l'aide du menu Générer (pour créer un modèle ou un noeud de modélisation) ou du menu Fichier (pour mettre à jour le noeud à partir duquel la session a été lancée).

Valeur cible. Spécifie la valeur du champ cible qui indique le résultat à modéliser. Par exemple, si l'attrition du champ cible est codée `0 = no` et `1 = yes`, spécifiez 1 pour identifier les règles qui indiquent les enregistrements qui ont une probabilité d'attrition.

Rechercher les segments avec. Indique si la recherche de la variable cible doit rechercher une **Probabilité élevée** ou une **Probabilité faible** d'occurrence. Le fait de rechercher et d'exclure ces

segments peut s'avérer utile pour améliorer votre modèle, en particulier lorsque la probabilité du reste est faible.

Nombre maximal de segments. Spécifie le nombre maximal de segments à renvoyer. Les *N* premiers segments sont créés, dans lesquels le meilleur segment est celui dont la probabilité est la plus forte ou, si plusieurs modèles ont la même probabilité, la couverture la plus élevée. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Taille de segment minimale. Les deux valeurs ci-dessous indiquent la taille minimale du segment. La valeur la plus importante des deux est prioritaire. Par exemple, si la valeur de pourcentage est supérieure à la valeur absolue, la valeur de pourcentage est prioritaire.

- **Comme pourcentage du segment précédent (%).** Spécifie la taille minimale du groupe en pourcentage d'enregistrements. Les valeurs minimale et maximale autorisées sont respectivement 0 et 99,9.
- **Comme valeur absolue (N).** Spécifie la taille minimale du groupe en nombre absolu d'enregistrements. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Règles de segment.

Nombre maximal d'attributs. Indique le nombre maximal de conditions par règle de segment. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

- **Autoriser la réutilisation d'attribut.** Si cette option est activée, chaque cycle peut prendre en compte tous les attributs, même ceux qui ont été utilisés dans des cycles précédents. Les conditions d'un segment se font sous forme de cycles, où chaque cycle ajoute une nouvelle condition. Le nombre de cycles est défini à l'aide du paramètre **Nombre maximal d'attributs**.

Intervalle de confiance des nouvelles conditions (%). Spécifie le niveau de confiance pour les tests de signification des segments. Ce paramètre joue un rôle significatif dans le nombre de segments (le cas échéant) renvoyés ainsi que dans le nombre de conditions par règle de segment. Plus la valeur est élevée, plus l'ensemble de résultats renvoyé est petit. Les valeurs minimale et maximale autorisées sont respectivement 50 et 99,9.

Noeud Liste de décision - Options expert

Les options Expert permettent d'affiner le processus de création de modèle.

Méthode de regroupement par casiers. Méthode utilisée pour regrouper des champs continus (Nombre égal ou Largeur égale).

Nombre de casiers. Nombre de casiers à créer pour les champs continus. La valeur minimale autorisée est 2. Aucune valeur maximale n'est définie.

Largeur de recherche de modèle. Nombre maximal de résultats de modèle par cycle pouvant être utilisés pour le cycle suivant. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Largeur de recherche de règle. Nombre maximal de résultats de règle par cycle pouvant être utilisés pour le cycle suivant. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Facteur de fusion de casiers. Augmentation minimale d'un segment lors de sa fusion avec son voisin. La valeur minimale autorisée est 1,01 ; aucune valeur maximale n'est définie.

- **Autoriser les valeurs manquantes dans les conditions.** `True` pour permettre le test `IS MISSING` dans les règles.
- **Supprimer les résultats intermédiaires.** Lorsque la valeur est `True`, seuls les résultats finaux du processus de recherche sont renvoyés. Un résultat final est un résultat ayant atteint le dernier stade d'affinage dans le processus de recherche. Lorsque la valeur est `False`, les résultats intermédiaires sont également renvoyés.

  Nombre maximal d'alternatives. Spécifie le nombre maximal d'alternatives qui pourront être obtenues au moment de l'exécution de la tâche d'exploration. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Notez que la tâche d'exploration ne renvoie que le nombre réel d'alternatives, jusqu'au maximum spécifié. Par exemple, si le maximum est fixé à 100 et que seules 3 alternatives sont trouvées, seules ces 3 dernières sont affichées.

Nugget du modèle Liste de décision

Un modèle se compose d'une liste de **segments**, chacun étant défini par une **règle** qui sélectionne les enregistrements avec correspondance. Vous pouvez facilement visualiser ou modifier les segments avant de générer le modèle, et choisir les segments à inclure ou exclure. Lorsqu'ils sont utilisés au cours du scoring, les modèles Liste de décision renvoient *Yes* (oui) pour les segments inclus et *$null$* pour tous les autres éléments, y compris le reste. Ce contrôle direct sur le scoring fait des modèles Liste de décision une solution idéale pour la génération de fichiers d'adresses ; ils sont largement utilisés dans la gestion de la relation client, notamment dans les applications marketing ou de centre d'appels.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un modèle Liste de décision, le noeud ajoute trois nouveaux champs contenant le score *1* (signifiant *Yes* (oui)) pour les champs inclus ou *$null* pour les champs exclus, la probabilité (taux de correspondance) du segment dans lequel se situe l'enregistrement et le numéro ID du segment. Le nom des nouveaux champs est formé à partir du nom du champ de sortie sur lequel porte la prévision, auquel est ajouté le préfixe *$D-* pour désigner le score, *$DP-* pour désigner la probabilité et *$DI-* pour désigner l'ID du segment.

L'évaluation du modèle est basée sur la valeur cible spécifiée au moment de la création du modèle. Vous pouvez exclure manuellement des segments de façon à ce que leur score soit *$null$*. Par exemple, si vous exécutez une recherche à faible probabilité pour trouver les segments présentant des taux de correspondance inférieurs à la moyenne, le score de ces segments à "faible taux" sera *Yes* (oui) sauf si vous les excluez manuellement. Si nécessaire, les valeurs nulles peuvent être recodées sous la forme *No* (non) à l'aide d'un noeud Calculer ou Remplacer.

PMML

Un modèle Liste de décision peut être stocké sous la forme d'un modèle PMML RuleSetModel présentant un critère de sélection "Premier résultat". Toutefois, il est prévu que toutes les règles aient le même score. Pour permettre des modifications du champ cible ou de la valeur cible, plusieurs modèles Jeu de règles peuvent être stockés dans un fichier et être appliqués dans l'ordre, les observations sans correspondance avec le premier modèle étant transmises au deuxième, etc. Le nom d'algorithme *DecisionList* est utilisé pour indiquer ce comportement hors normes ; seuls les modèles Jeu de règles portant ce nom sont reconnus en tant que modèles Liste de décision et évalués comme tels.

Paramètres du nugget du modèle Liste de décision

L'onglet Paramètres pour un nugget du modèle Liste de décision vous permet d'obtenir les scores de propension et d'activer ou de désactiver l'optimisation SQL. Cet onglet est disponible uniquement après l'ajout d'un nugget de modèle à un flux.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Calculer en convertissant en SQL natif** Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données.

  Remarque : Bien que cette option fournisse des résultats plus rapides, la taille et la complexité du SQL natif augmentent à mesure que le modèle se complexifie.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Visualiseur de liste de décisions

L'interface graphique conviviale de Visualiseur de liste de décisions, basée sur les tâches, simplifie le processus de création de modèles ; en effet, elle vous libère des détails de bas niveau des techniques d'exploration de données et vous permet de vous concentrer sur les parties de l'analyse qui nécessitent l'intervention de l'utilisateur, telles que la définition d'objectifs, le choix de groupes cible, l'analyse des résultats et la sélection du modèle optimal.

Panneau du modèle de travail

Le panneau du modèle de travail affiche le modèle actuel, notamment les tâches d'exploration et d'autres actions qui s'appliquent au modèle de travail.

ID. Identifie l'ordre séquentiel des segments. Les segments du modèle sont calculés de façon séquentielle, conformément à leur numéro d'identification.

Règles de segment. Fournit le nom du segment et les conditions définies correspondantes. Par défaut, le nom de segment est le nom de champ ou les noms de champ concaténés utilisés dans les conditions, séparés par une virgule.

Score. Champ que vous voulez prévoir et dont la valeur est censée avoir un lien avec les valeurs des autres champs (les prédicteurs).

Remarque : L'affichage de ces options peut être activé via la boîte de dialogue «Organisation des mesures de modèle», à la page 165.

Couverture. Le graphique circulaire identifie de manière visuelle la couverture de chaque segment par rapport à la couverture globale.

Couverture (n). Répertorie la couverture de chaque segment par rapport à la couverture globale.

Fréquence. Répertorie le nombre de correspondances reçues par rapport à la couverture. Par exemple, une couverture de 79 et un effectif de 50 indiquent l'obtention de 50 réponses sur 79 pour le segment sélectionné.

Probabilité. Indique la probabilité du segment. Par exemple, pour une couverture de 79 et un effectif de 50, la probabilité du segment est de 63,29 % (50 divisé par 79).

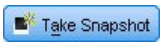
Erreur. Indique l'erreur du segment.

Les informations situées au bas du panneau indiquent la couverture, l'effectif et la probabilité du modèle global.

Barre d'outils du modèle de travail

La barre d'outils du panneau du modèle de travail fournit les fonctions suivantes.

Remarque : Certaines fonctions sont également disponibles en cliquant avec le bouton droit de la souris sur un segment du modèle.

Tableau 9. Boutons de la barre d'outils du modèle de travail	
Bouton de la barre d'outils	**Description**
	Lance la boîte de dialogue Générer un nouveau modèle qui fournit des options permettant de créer un nouveau nugget de modèle.
	Enregistre l'état actuel de la session interactive. Le noeud de modélisation Liste de décision est mis à jour avec les paramètres en cours, y compris les tâches d'exploration, les instantanés de modèle, les sélections de données et les mesures personnalisées. Pour restaurer une session à cet état, cochez la case **Utiliser les informations de session interactive enregistrées** de l'onglet Modèle du noeud de modélisation et cliquez sur **Exécuter**.
	Affiche la boîte de dialogue Organiser les mesures de modèle. Pour plus d'informations, voir «Organisation des mesures de modèle», à la page 165.
	Affiche la boîte de dialogue Organiser les sélections de données. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Organisation des sélections de données», à la page 160.
	Affiche l'onglet Instantanés. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Onglet Instantanés», à la page 157.
	Affiche l'onglet Alternatives. Pour plus d'informations, voir «Onglet Alternatives», à la page 156.
	Prend un instantané de la structure du modèle actuel. Les instantanés apparaissent dans l'onglet Instantanés, et sont couramment utilisés à des fins de comparaison de modèles.
	Lance la boîte de dialogue Insertion de segments qui fournit des options permettant de créer des segments de modèle.
	Lance la boîte de dialogue Edition de règles de segment qui fournit des options permettant d'ajouter des conditions aux segments de modèle ou de modifier des conditions préalablement définies.
	Déplace le segment sélectionné vers le haut de la hiérarchie du modèle.
	Déplace le segment sélectionné vers le bas de la hiérarchie du modèle.
	Supprime le segment sélectionné.
	Indique si le segment sélectionné est inclus dans le modèle. En cas d'exclusion, les résultats du segment sont ajoutés au reste. Cette fonction est différente de la suppression d'un segment car vous avez, ici, la possibilité de le réactiver.

Onglet Alternatives

Généré lorsque vous cliquez sur **Rechercher les segments**, l'onglet Alternatives répertorie tous les autres résultats de l'exploration pour le modèle ou le segment sélectionné dans le panneau du modèle de travail.

Pour convertir une alternative en modèle de travail, surlignez l'alternative et cliquez sur **Charger** ; le modèle alternatif est affiché dans le panneau du modèle de travail.

Remarque : L'onglet Alternatives ne s'affiche que si vous avez défini le **Nombre maximal d'alternatives** dans l'onglet Expert du noeud de modélisation Liste de décision afin de créer plus d'une alternative.

Chaque alternative de modèle générée affiche des informations spécifiques sur le modèle :

Nom. Chaque alternative est numérotée de manière séquentielle. La première alternative comporte généralement les meilleurs résultats.

Cible. Indique la valeur cible. Par exemple : 1, qui est égale à "true" (vrai).

Nbre de segments. Le nombre de règles de segment utilisées dans le modèle alternatif.

Couverture. La couverture du modèle alternatif.

Fréq. Le nombre de correspondances par rapport à la couverture.

Prob. Indique le pourcentage de probabilité du modèle alternatif.

Remarque : Les résultats alternatifs ne sont pas enregistrés avec le modèle ; ils ne sont valides que pendant la session active.

Onglet Instantanés

Un instantané constitue une vue d'un modèle à un moment spécifique dans le temps. Par exemple, vous pouvez prendre un instantané du modèle lorsque vous souhaitez charger un modèle alternatif différent dans le panneau de modèle de travail, mais ne souhaitez pas perdre le travail effectué sur le modèle actuel. L'onglet Instantanés répertorie tous les instantanés de modèle pris manuellement pour n'importe quel nombre d'états de modèle de travail.

Remarque : Les instantanés sont enregistrés avec le modèle. Nous vous recommandons de prendre un instantané lorsque vous chargez le premier modèle. Cet instantané préservera alors la structure du modèle d'origine, vous pouvez toujours revenir à l'état du modèle initial. Le nom de l'instantané généré est affiché sous la forme d'un horodatage indiquant quand l'instantané a été généré.

Création d'un instantané de modèle

1. Sélectionnez l'alternative/le modèle approprié à afficher dans le panneau du modèle de travail.
2. Apportez les modifications nécessaires au modèle de travail.
3. Cliquez sur **Prendre un instantané**. Un nouvel instantané apparaît dans l'onglet Instantanés.

   Nom. Nom de l'instantané. Vous pouvez modifier le nom d'un instantané en double-cliquant sur son nom.

   Cible. Indique la valeur cible. Par exemple : 1, qui est égale à "true" (vrai).

   Nbre de segments. Le nombre de règles de segment utilisés dans le modèle.

   Couverture. La couverture du modèle.

   Fréq. Le nombre de correspondances par rapport à la couverture.

   Prob. Indique le pourcentage de probabilité du modèle.
4. Pour convertir un instantané en modèle de travail, surlignez l'instantané et cliquez sur **Charger** ; le modèle de l'instantané est affiché dans le panneau du modèle de travail.
5. Vous pouvez supprimer un instantané en cliquant sur **Supprimer**, ou en cliquant dessus avec le bouton droit de la souris, puis en choisissant **Supprimer** dans le menu.

Utilisation du Visualiseur de liste de décisions

La création d'un modèle destiné à prévoir au mieux la réponse et le comportement du client s'effectue à diverses étapes. Lorsque le Visualiseur de liste de décisions démarre, le modèle de travail reçoit les segments et les mesures de modèle définis, afin que vous puissiez commencer une tâche d'exploration, modifier les segments/mesures selon les besoins, et générer un nouveau modèle ou un nouveau noeud de modélisation.

Vous pouvez ajouter une ou plusieurs règles de segment jusqu'à développer un modèle satisfaisant. Vous pouvez ajouter des règles de segment au modèle en exécutant des tâches d'exploration ou à l'aide de la fonction **Editer la règle de segment**.

Au cours du processus de création du modèle, vous pouvez évaluer la performance du modèle en validant le modèle par rapport aux données de mesure, en visualisant le modèle dans un graphique ou en générant des mesures Excel personnalisées.

Lorsque vous êtes certain de la qualité du modèle, vous pouvez générer un nouveau modèle et le placer dans l'espace de travail IBM SPSS Modeler ou dans la palette Modèle.

Tâches d'exploration

Une **tâche d'exploration** est un ensemble de paramètres qui détermine la manière dont les nouvelles règles sont générées. Certains de ces paramètres peuvent être sélectionnés, ce qui confère la flexibilité d'adaptation des modèles à de nouvelles situations. Une tâche est constituée d'un modèle de tâche (type), d'une cible et d'un build (de l'ensemble de données d'exploration).

Les sections suivantes décrivent les diverses opérations de tâche d'exploration :

- «Exécution de tâches d'exploration», à la page 158
- «Création et modification d'une tâche d'exploration», à la page 159
- «Organisation des sélections de données», à la page 160

Exécution de tâches d'exploration

Le Visualiseur de liste de décisions permet d'ajouter manuellement des règles de segment à un modèle en exécutant des tâches d'exploration, ou en copiant et collant des règles de segment entre les modèles. Une tâche d'exploration contient des informations sur la manière de générer de nouvelles règles de segment (les paramètres d'exploration de données tels que la stratégie de recherche, les attributs source, la largeur de recherche, le niveau de confiance, etc.), le comportement du client à prévoir et les données à examiner. L'objectif d'une tâche d'exploration est de rechercher les meilleures règles de segment possibles.

Pour générer une règle de segment de modèle en exécutant une tâche d'exploration :

1. Cliquez sur la ligne **Reste**. Si des segments sont déjà affichés dans le panneau du modèle de travail, vous pouvez également sélectionner l'un des segments pour rechercher d'autres règles en fonction de ce segment. Après avoir sélectionné le reste ou le segment, utilisez l'une des méthodes suivantes pour générer le modèle ou des modèles alternatifs :

- Dans le menu Outils, sélectionnez **Rechercher les segments**.
- Cliquez avec le bouton droit de la souris sur la ligne/le segment **Reste** et choisissez **Rechercher les segments**.
- Cliquez sur le bouton **Rechercher les segments** dans le panneau du modèle de travail.

Pendant le traitement de la tâche, la progression du traitement est affichée en bas de l'espace de travail et vous êtes informé lorsque la tâche est terminée. La durée exacte d'exécution d'une tâche dépend de la complexité de la tâche d'exploration et de la taille du de l'ensemble de données. S'il n'y a qu'un modèle unique dans les résultats, il est affiché dans le panneau de l'espace de travail aussitôt que la tâche est terminée ; cependant, si les résultats contiennent plus d'un modèle, ils sont affichés dans l'onglet Alternatives.

Remarque : Les résultats d'une tâche comprennent un modèle ou n'en comprennent aucun, ou la tâche échoue.

Le processus de recherche de nouvelles règles de segment peut être répété jusqu'à ce qu'aucune nouvelle règle ne soit ajoutée au modèle. Cela signifie que tous les groupes de clients significatifs ont été trouvés.

Il est possible d'exécuter une tâche d'exploration sur n'importe quel segment de modèle existant. Si le résultat de la tâche n'est pas celui recherché, vous pouvez lancer une autre tâche d'exploration sur le

même segment. Vous obtiendrez ainsi d'autres règles basées sur le segment sélectionné. Les segments « au-dessous » du segment sélectionné (à savoir, ajoutés au modèle plus tard que le segment sélectionné) sont remplacés par les nouveaux segments car chaque segment dépend de ses prédécesseurs.

Création et modification d'une tâche d'exploration

Une tâche d'exploration constitue le mécanisme qui recherche l'ensemble des règles constituant un modèle de données. Parallèlement aux critères de recherche définis dans le modèle sélectionné, une tâche définit également la cible (la question réelle ayant motivé l'analyse, telle que le nombre de clients susceptibles de répondre à un publipostage) et identifie les jeux de données à utiliser. L'objectif d'une tâche d'exploration est de rechercher les meilleurs modèles possibles.

Créer une tâche d'exploration

Pour créer une tâche d'exploration :

1. Sélectionnez le segment à partir duquel exploiter des conditions de segment supplémentaires.
2. Cliquez sur **Paramètres**. La boîte de dialogue Créer/Editer une tâche d'exploration apparaît. Cette boîte de dialogue propose des options destinées à la définition de la tâche d'exploration.
3. Procédez à toutes les modifications nécessaires puis cliquez sur **OK** pour revenir au panneau du modèle de travail. Le Visualiseur de liste de décisions utilise les paramètres comme valeurs par défaut pour exécuter chaque tâche jusqu'à ce qu'une tâche ou des paramètres alternatifs soient sélectionnés.
4. Cliquez sur **Rechercher les segments** pour lancer la tâche d'exploration sur le segment sélectionné.

Editer une tâche d’exploration

La boîte de dialogue Créer/Editer une tâche d'exploration fournit des options permettant de définir une nouvelle tâche d'exploration ou d'éditer une tâche déjà existante.

La plupart des paramètres disponibles pour les tâches d'exploration sont semblables à ceux présents dans le noeud Liste de décision. Les exceptions sont affichées en dessous. Pour plus d'informations, voir «Options du modèle Liste de décision», à la page 152.

Charger les paramètres : Si vous avez créé plus d'une tache d'exploration, sélectionnez la tâche requise.

Nouveau... Cliquez pour créer une nouvelle tache d'exploration basée sur les paramètres de la tâche actuellement affichée.

Cible

Champ cible : Champ que vous voulez prévoir et dont la valeur est censée avoir un lien avec les valeurs des autres champs (les prédicteurs).

Valeur cible. Spécifie la valeur du champ cible qui indique le résultat à modéliser. Par exemple, si l'attrition du champ cible est codée `0 = no` et `1 = yes`, spécifiez 1 pour identifier les règles qui indiquent les enregistrements qui ont une probabilité d'attrition.

Paramètres simples

Nombre maximal d'alternatives. Spécifie le nombre d'alternatives qui seront affichées au moment de l'exécution de la tâche d'exploration. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Paramètres Expert

Editer... Ouvre la boîte de dialogue **Editer les paramètres avancés**, qui permet de définir les paramètres avancés. Pour plus d'informations, voir «Editer les paramètres avancés», à la page 160.

Données

Sélection de création. Fournit des options permettant de spécifier la mesure d'évaluation que le Visualiseur de liste de décisions doit analyser pour trouver de nouvelles règles. Les mesures d'évaluation répertoriées sont créées/éditées dans la boîte de dialogue Organiser les sélections de données.

Champs disponibles. Fournit des options permettant d'afficher tous les champs ou de sélectionner manuellement les champs à afficher.

Editer... Si l'option **Personnalisé** est sélectionnée, la boîte de dialogue **Personnaliser les champs disponibles** s'ouvre, ce qui permet de sélectionner les champs disponibles en tant qu'attributs de segment trouvés par la tâche d'exploration. Pour plus d'informations, voir «Personnaliser les champs disponibles», à la page 160.

Editer les paramètres avancés

La boîte de dialogue Editer les paramètres avancés fournit les options de configuration suivantes.

Méthode de regroupement par casiers. Méthode utilisée pour regrouper des champs continus (Nombre égal ou Largeur égale).

Nombre de casiers. Nombre de casiers à créer pour les champs continus. La valeur minimale autorisée est 2. Aucune valeur maximale n'est définie.

Largeur de recherche de modèle. Nombre maximal de résultats de modèle par cycle pouvant être utilisés pour le cycle suivant. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Largeur de recherche de règle. Nombre maximal de résultats de règle par cycle pouvant être utilisés pour le cycle suivant. La valeur minimale autorisée est 1. Aucune valeur maximale n'est définie.

Facteur de fusion de casiers. Augmentation minimale d'un segment lors de sa fusion avec son voisin. La valeur minimale autorisée est 1,01 ; aucune valeur maximale n'est définie.

- **Autoriser les valeurs manquantes dans les conditions.** `True` pour permettre le test `IS MISSING` dans les règles.
- **Supprimer les résultats intermédiaires.** Lorsque la valeur est `True`, seuls les résultats finaux du processus de recherche sont renvoyés. Un résultat final est un résultat ayant atteint le dernier stade d'affinage dans le processus de recherche. Lorsque la valeur est `False`, les résultats intermédiaires sont également renvoyés.

Personnaliser les champs disponibles

La boîte de dialogue Personnaliser les champs disponibles permet de sélectionner les champs disponibles en tant qu'attributs de segment trouvés par la tâche d'exploration.

Disponible. Répertorie les champs actuellement disponibles comme attributs de segment. Pour supprimer des champs de la liste, sélectionnez ces champs, et cliquez sur **Supprimer >>**. Les champs sélectionnés passent de la liste Disponible à la liste Non disponible.

Non disponible. Répertorie les champs non disponibles comme attributs de segment. Pour inclure des champs dans la liste Disponible, sélectionnez ces champs et cliquez sur **<< Ajouter**. Les champs sélectionnés passent de la liste Non disponible à la liste Disponible.

Organisation des sélections de données

En organisant des sélections de données (un de l'ensemble de données d'exploration), vous pouvez spécifier les mesures d'évaluation que l'Visualiseur de liste de décisions doit analyser pour trouver de nouvelles règles et choisir les sélections de données utilisées comme base des mesures.

Pour organiser des sélections de données :

1. Dans le menu Outils, sélectionnez **Organiser les sélections de données**, ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur un segment et sélectionnez cette option. La boîte de dialogue Organiser les sélections de données apparaît.

   Remarque : La boîte de dialogue Organiser les sélections de données permet également d'éditer ou de supprimer des sélections de données existantes.
2. Cliquez sur le bouton **Ajouter une nouvelle sélection de données**. Une nouvelle entrée de sélection de données est ajoutée à la table existante.
3. Cliquez sur **Nom** et entrez un nom de sélection approprié.

4. Cliquez sur **Partitionner** et sélectionnez un type de partition approprié.
5. Cliquez sur **Condition** et sélectionnez une option de condition appropriée. Lorsque vous sélectionnez **Spécifier**, la boîte de dialogue Indiquer la condition de sélection apparaît, fournissant des options permettant de définir des conditions de champ spécifiques.
6. Définissez la condition appropriée et cliquez sur **OK**.

Les sélections de données sont disponibles via la liste déroulante Sélection de création de la boîte de dialogue Créer/Editer une tâche d'exploration. Cette liste permet de sélectionner la mesure d'évaluation utilisée pour une tâche d'exploration spécifique.

Règles de segment

Pour trouver des règles de segment de modèle, exécutez une tâche d'exploration en fonction d'un modèle de tâche. Vous pouvez ajouter manuellement des règles de segment à un modèle à l'aide des fonctions Insérer un segment ou Editer la règle de segment.

Si vous choisissez d'explorer de nouvelles règles de segment, les résultats éventuels sont affichés dans l'onglet Visualiseur de la boîte de dialogue Liste interactive. Vous pouvez rapidement affiner votre modèle en sélectionnant les résultant alternatifs à partir de la boîte de dialogue Albums de modèles et en cliquant sur **Charger**. Ainsi, vous pouvez tester différents résultats jusqu'à ce que vous soyez prêt à concevoir un modèle décrivant avec exactitude votre groupe cible optimal.

Insertion de segments

Vous pouvez ajouter manuellement des règles de segment à un modèle à l'aide de la fonction Insérer un segment.

Pour ajouter une condition de règle de segment à un modèle :

1. Dans la boîte de dialogue Liste interactive, sélectionnez un emplacement de modèle où ajouter un nouveau segment. Le nouveau segment sera directement inséré au-dessus du segment sélectionné.
2. Dans le menu Edition, choisissez **Insérer un segment** ou accédez à cette option en cliquant avec le bouton droit de la souris sur un segment.

   La boîte de dialogue Insérer un segment apparaît, vous permettant d'insérer les conditions de règle de ce nouveau segment.
3. Cliquez sur **Insérer**. La boîte de dialogue Insérer une condition apparaît, vous permettant de définir les attributs de la nouvelle condition de règle.
4. Sélectionnez un champ et un opérateur dans les listes déroulantes.

   Remarque : Si vous sélectionnez l'opérateur **Absent**, la condition sélectionnée fonctionnera comme une condition d'exclusion et apparaîtra en rouge dans la boîte de dialogue Insérer une règle. Par exemple, lorsque la condition `region = 'TOWN'` apparaît en rouge, `TOWN` est alors exclu de l'ensemble de résultats.
5. Entrez une ou plusieurs valeurs, ou cliquez sur l'icône **Insérer une valeur** pour afficher la boîte de dialogue Insérer une valeur. La boîte de dialogue permet de sélectionner une valeur définie pour le champ sélectionné. Par exemple, le champ **marié** proposera les valeurs **Oui** et **Non**.
6. Cliquez sur **OK** pour revenir à la boîte de dialogue Insérer un segment. Cliquez une nouvelle fois sur **OK** pour ajouter le segment créé au modèle.

Le nouveau segment apparaîtra à l'emplacement de modèle indiqué.

Edition de règles de segment

La fonctionnalité Editer la règle de segment permet d'ajouter, de changer ou de supprimer des conditions de règle de segment.

Pour modifier une condition de règle de segment :

1. Sélectionnez le segment de modèle à éditer.

2. Dans le menu Edition, choisissez **Editer la règle de segment** ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur la règle pour accéder à cette sélection.

   La boîte de dialogue Editer la règle de segment apparaît.

3. Sélectionnez la condition appropriée et cliquez sur **Edition**.

   La boîte de dialogue Editer la condition qui apparaît permet de définir les attributs pour la condition de règle sélectionnée.

4. Sélectionnez un champ et un opérateur dans les listes déroulantes.

   Remarque : Si vous sélectionnez l'opérateur **Absent**, la condition sélectionnée fonctionnera comme une condition d'exclusion et apparaîtra en rouge dans la boîte de dialogue Editer la règle de segment. Par exemple, lorsque la condition `region = 'TOWN'` apparaît en rouge, `TOWN` est alors exclu de l'ensemble de résultats.

5. Entrez une ou plusieurs valeurs, ou cliquez sur le bouton **Insérer une valeur** pour afficher la boîte de dialogue Insérer une valeur. La boîte de dialogue permet de sélectionner une valeur définie pour le champ sélectionné. Par exemple, le champ **marié** proposera les valeurs **Oui** et **Non**.

6. Cliquez sur **OK** pour revenir à la boîte de dialogue Editer la règle de segment. Cliquez une seconde fois sur **OK** pour revenir au modèle de travail.

Le segment sélectionné apparaît, présentant les conditions de règle mises à jour.

Suppression de conditions de règle de segment

Pour supprimer une condition de règle de segment :

1. Sélectionnez le segment de modèle qui contient les conditions de règle à supprimer.
2. Dans le menu Edition, sélectionnez **Editer la règle de segment**, ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur le segment pour accéder à cette sélection.

   La boîte de dialogue Editer la règle de segment apparaît et permet de supprimer une ou plusieurs conditions de règle de segment.

3. Sélectionnez la condition de règle appropriée et cliquez sur **Supprimer**.
4. Cliquez sur **OK**.

Lorsque vous supprimez au moins une condition de règle de segment, le panneau du modèle de travail actualise ses mesures.

Copie de segments

Le Visualiseur de liste de décisions propose une méthode pratique pour la copie de segments de modèle. Lorsque vous souhaitez appliquer un segment d'un modèle à un autre modèle, il vous suffit de copier (ou de couper) ce segment et de le coller dans l'autre modèle. Vous pouvez également copier un segment d'un modèle affiché dans le panneau Aperçu de l'alternative et le coller dans le modèle affiché dans le panneau du modèle de travail. Ces fonctions Couper, Copier et Coller utilisent le Presse-papiers pour stocker ou extraire des données temporaires. En d'autres termes, les conditions et la cible sont copiées dans le Presse-papiers. L'utilisation du contenu du Presse-papiers n'est pas uniquement réservée au Visualiseur de liste de décisions car ce contenu peut également être collé dans d'autres applications. Par exemple, lorsqu'il est collé dans un éditeur de texte, les conditions et la cible sont collées au format XML.

Pour copier ou couper des segments de modèle :

1. Sélectionnez le segment de modèle que vous souhaitez utiliser dans un autre modèle.
2. Dans le menu Edition, sélectionnez **Copier** (ou **Couper)**, ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur le segment de modèle, et sélectionnez **Copier** ou **Couper**.
3. Ouvrez le modèle approprié (dans lequel le segment de modèle sera collé).
4. Sélectionnez l'un des segments de modèle et cliquez sur **Coller**.

Remarque : A la place des commandes **Couper**, **Copier** et **Coller**, vous pouvez utiliser les combinaisons de touches : **Ctrl+X**, **Ctrl+C** et **Ctrl+V**.

Le segment copié (ou coupé) est inséré au-dessus du segment de modèle précédemment sélectionné. Les mesures du segment collé et des segments situés au-dessous sont recalculées.

Remarque : Les deux modèles de cette procédure doivent être basés sur le même modèle sous-jacent et contenir la même cible, sans quoi un message d'erreur apparaît.

Modèles alternatifs

Lorsqu'il y a plus d'un résultat, l'onglet Alternatives affiche les résultats de chaque tâche d'exploration. Chaque résultat comprend les conditions des données sélectionnées correspondant le plus à la cible, ainsi que les alternatives « acceptables ». Le nombre total d'alternatives affichées dépend des critères de recherche utilisés dans le processus d'analyse.

Pour afficher les modèles alternatifs :

1. Cliquez sur le modèle alternatif dans l'onglet Alternatives. Les segments du modèle alternatif apparaissent ou remplacent les segments du modèle actuel dans le panneau Aperçu de l'alternative.
2. Pour travailler avec un modèle alternatif dans le panneau de modèle de travail, sélectionnez le modèle puis cliquez sur **Charger** dans le panneau Aperçu de l'alternative ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur le nom de l'alternative dans l'onglet Alternatives et sélectionnez **Charger**.

Remarque : Les modèles alternatifs ne sont pas enregistrés lorsque vous générez un nouveau modèle.

Personnalisation d'un modèle

Les données ne sont pas statiques. Les clients déménagent, se marient et changent d'emploi. Les produits perdent leur positionnement sur le marché et deviennent obsolètes.

Le Visualiseur de liste de décisions offre aux utilisateurs professionnels la possibilité d'adapter les modèles à de nouvelles situations rapidement et aisément. Vous pouvez modifier un modèle en procédant à une édition, à un classement par ordre de priorité, à une suppression ou à la désactivation de segments de modèle spécifiques.

Classement de segments par ordre de priorité

Vous pouvez classer les règles de modèle dans n'importe quel ordre. Par défaut, les segments de modèle apparaissent dans l'ordre de priorité, le premier segment présentant la priorité la plus élevée. Lorsque vous attribuez une priorité différente à un ou plusieurs segments, le modèle est modifié en conséquence. Vous pouvez modifier le modèle selon les besoins en déplaçant des segments vers un niveau de priorité supérieur ou inférieur.

Pour classer des segments de modèle par ordre de priorité :

1. Sélectionnez le segment de modèle auquel vous souhaitez attribuer une priorité différente.
2. Cliquez sur l'un des deux boutons fléchés de la barre d'outils du panneau du modèle de travail pour déplacer le segment de modèle sélectionné vers le haut ou le bas de la liste.

Une fois le classement pas ordre de priorité effectué, tous les résultats d'évaluation précédents sont recalculés et les nouvelles valeurs sont affichées.

Suppression de segments

Pour supprimer un ou plusieurs segments :

1. Sélectionnez un segment de modèle.
2. Dans le menu Edition, sélectionnez **Supprimer le segment**, ou cliquez sur le bouton de suppression de la barre d'outils du panneau du modèle de travail.

Les mesures du modèle modifié sont recalculées et le modèle est actualisé en conséquence.

Exclusion de segments

En recherchant des groupes spécifiques, vous baserez probablement vos actions sur une sélection de segments du modèle. Lorsque vous déployez un modèle, vous pouvez en exclure des segments. Les

segments exclus sont évalués en tant que valeurs nulles. Exclure un segment ne signifie pas que ce segment n'est pas utilisé ; cela signifie que tous les enregistrements correspondant à cette règle sont exclus de la liste de diffusion. La règle est toujours appliquée, mais d'une façon différente.

Pour exclure des segments de modèle spécifiques :

1. Sélectionnez un segment dans le panneau du modèle de travail.
2. Cliquez sur le bouton **Basculer l'exclusion de segment** situé sur la barre d'outils du panneau du modèle de travail. La mention **Exclusion** apparaît à présent dans la colonne Cible sélectionnée du segment sélectionné.

Remarque : Contrairement aux segments supprimés, les segments exclus peuvent être réutilisés dans le modèle final. Les segments exclus affectent les résultats des graphiques.

Utiliser une autre valeur cible

La boîte de dialogue Changer la valeur cible permet de modifier la valeur cible du champ cible actuel.

Les instantanés et les résultats de session comportant une valeur cible différente de celle du modèle de travail sont identifiés via l'attribution de la couleur jaune à l'arrière-plan de cette ligne. Ceci indique que le résultat d'instantané/de session est obsolète.

La boîte de dialogue **Créer/Editer une tâche d'exploration** affiche la valeur cible du modèle de travail actuel. La valeur cible n'est pas enregistrée avec la tâche d'exploration. Elle est, au contraire, extraite de la valeur du modèle de travail.

Lorsque vous convertissez un modèle enregistré en modèle de travail comportant une valeur cible différente de celle du modèle de travail actuel (par exemple, en éditant un résultat alternatif ou une copie d'un instantané), la valeur cible du modèle enregistré est modifiée de manière à être identique à celle du modèle de travail (la valeur cible affichée dans le panneau du modèle de travail n'est pas modifiée). Les mesures du modèle sont réévaluées avec la nouvelle cible.

Générer un nouveau modèle

La boîte de dialogue Générer un nouveau modèle fournit des options permettant de nommer le modèle et de sélectionner l'emplacement où doit être créé le noeud.

Nom de modèle. Sélectionnez **Personnalisé** pour modifier le nom généré automatiquement ou créer un nom unique pour le noeud selon son affichage dans l'espace de travail.

Créer le noeud sur. Sélectionner **Espace de travail** place le nouveau modèle dans l'espace de travail, sélectionner **Palette GM** le place dans la palette Modèles et sélectionner **Les deux** le place à la fois dans l'espace de travail et dans la palette Modèles.

Inclure l'état de session interactive. Lorsque cette option est activée, l'état de session interactive est préservé dans le modèle généré. Lorsque vous générez par la suite un noeud de modélisation à partir du modèle, l'état est repris et utilisé pour initialiser la session interactive. Que l'option soit sélectionnée ou non, le modèle évalue lui-même les nouvelles données de manière identique. Lorsque l'option n'est pas sélectionnée, le modèle peut toujours créer un noeud de création, mais un noeud de création plus générique qui lance une nouvelle session interactive au lieu de reprendre là où l'ancienne session s'est arrêtée. Si vous modifiez les paramètres de noeud, mais procédez à l'exécution avec un état enregistré, les paramètres modifiés sont ignorés au bénéfice des paramètres issus de l'état enregistré.

Remarque : Les mesures standard sont les seules mesures conservées avec le modèle. Les autres mesures sont préservées avec l'état interactif. Le modèle généré ne représente pas l'état de tâche d'exploration interactif. Une fois le Visualiseur de liste de décisions lancé, il affiche les paramètres initialement définis via le Visualiseur.

Pour plus d'informations, voir «Régénération d'un noeud de modélisation», à la page 46.

Evaluation du modèle

Une modélisation réussie nécessite d'évaluer avec soin le modèle avant que la mise en oeuvre dans l'environnement de production n'ait lieu. Le Visualiseur de liste de décisions fournit des mesures

statistiques et commerciales permettant d'évaluer l'impact d'un modèle dans le monde réel. Ces mesures incluent des graphiques de gains et une interopérabilité totale avec Excel, ce qui permet de simuler des scénarios coût-bénéfice pour l'évaluation de l'impact du déploiement.

Vous pouvez évaluer votre modèle de plusieurs manières :

- En utilisant des mesures de modèles statistiques et commerciales prédéfinies disponibles dans l'Visualiseur de liste de décisions (probabilité, effectif).
- En évaluant des mesures importées à partir de Microsoft Excel.
- En visualisant le modèle à l'aide d'un graphique de gain.

Organisation des mesures de modèle

Le Visualiseur de liste de décisions fournit des options permettant de définir les mesures calculées et affichées sous forme de colonnes. Chaque segment peut inclure les mesures de couverture, d'effectif, de probabilité et d'erreur par défaut représentées sous forme de colonnes. Vous pouvez également créer des mesures qui seront affichées sous forme de colonnes.

Définition de mesures de modèle

Pour ajouter une mesure à votre modèle, ou définir une mesure existante :

1. Dans le menu Outils, choisissez **Organiser les mesures du modèle** ou cliquez avec le bouton droit de la souris sur le modèle pour effectuer cette sélection. La boîte de dialogue Organiser les mesures du modèle apparaît.
2. Cliquez sur le bouton **Ajouter une nouvelle mesure de modèle** (à droite de la colonne Afficher). Une nouvelle mesure apparaît dans la table.
3. Spécifiez un nom de mesure et sélectionnez une option d'affichage, une sélection et un type appropriés. La colonne Afficher indique si la mesure sera ou non affichée pour le modèle de travail. Lorsque vous définissez une mesure existante, sélectionnez une mesure et une sélection appropriées, et indiquez si la mesure sera affichée pour le modèle de travail.
4. Cliquez sur **OK** pour revenir à l'espace de travail du Visualiseur de liste de décisions. Si la colonne Afficher de la nouvelle mesure a été sélectionnée, la nouvelle mesure est affichée pour le modèle de travail.

Mesures personnalisées dans Excel

Pour plus d'informations, voir «Evaluation dans Excel», à la page 165.

Rafraîchir les mesures

Dans certains cas, il peut être nécessaire de recalculer les mesures de modèle (par exemple, lorsque vous appliquez un modèle existant à un nouvel ensemble de clients).

Pour recalculer (Rafraîchir) les mesures de modèle :

Dans le menu Edition, sélectionnez **Rafraîchir toutes les mesures**.

ou

Appuyez sur F5.

Toutes les mesures sont recalculées et les nouvelles valeurs sont affichées pour le modèle de travail.

Evaluation dans Excel

Le Visualiseur de liste de décisions peut être intégré à Microsoft Excel, ce qui vous permet d'utiliser vos propres calculs de valeur et formules de profit directement dans le processus de création de modèles pour simuler des scénarios coût-bénéfice. Le lien à Excel vous permet d'exporter des données vers Excel, où vous pouvez les utiliser pour créer des graphiques de présentation et calculer des mesures personnalisées (par exemple, des mesures de profit et de retour sur investissement complexes) et les afficher dans le Visualiseur de liste de décisions pendant la création du modèle.

Remarque : Pour que vous puissiez utiliser une feuille de calcul Excel, l'expert CRM analytique doit définir des informations de configuration pour la synchronisation du Visualiseur de liste de décisions avec Microsoft Excel. La configuration est stockée dans un fichier de feuilles de calcul Excel et indique les informations transférées depuis le Visualiseur de liste de décisions vers Excel et vice versa.

Les étapes suivantes ne sont valides que si MS Excel est installé. Si Excel n'est pas installé, les options de synchronisation de modèles avec Excel ne sont pas affichées.

Pour synchroniser des modèles avec MS Excel :

1. Ouvrez le modèle, lancez une session interactive, puis choisissez **Organiser les mesures de modèle** dans le menu Outils.
2. Sélectionnez **Oui** pour l'option **Calculer des mesures personnalisées dans Excel**. Le champ **Classeur** s'active, ce qui vous permet de sélectionner un modèle de classeur Excel préconfiguré.
3. Cliquez sur le bouton **Connecter à Excel**. La boîte de dialogue Ouvrir qui apparaît vous permet de naviguer jusqu'à l'emplacement du modèle préconfiguré sur votre système de fichiers local ou réseau.
4. Sélectionnez le modèle Excel approprié et cliquez sur **Ouvrir**. Le modèle Excel sélectionné est lancé; utilisez la barre des tâches Windows (ou appuyez sur Alt+Tab) pour revenir à la boîte de dialogue Choisir les entrées de mesures personnalisées.
5. Sélectionnez les mises en correspondance appropriées entre les noms de mesure définis dans le modèle Excel et les noms de mesure du modèle, puis cliquez sur **OK**.

Une fois le lien établi, Excel démarre avec le modèle Excel préconfiguré affichant les règles du modèle dans la feuille de calcul. Les résultats calculés dans Excel sont affichés en tant que nouvelles colonnes dans l'Visualiseur de liste de décisions.

Remarque : Les mesures Excel ne sont pas conservées lorsque le modèle est enregistré ; elles ne sont valides que pendant la session active. Cependant, vous pouvez créer des instantanés incluant des mesures Excel. Les mesures Excel enregistrées dans les instantanés ne sont valides qu'à des fins de comparaison historique et ne sont pas réactualisées lorsqu'elles sont rouvertes. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Onglet Instantanés», à la page 157. Les mesures Excel n'apparaissent dans les instantanés que lorsque vous rétablissez la connexion au modèle Excel.

Configuration de l'intégration à MS Excel

L'intégration entre le Visualiseur de liste de décisions et Microsoft Excel s'effectue via l'utilisation d'un modèle de feuille de calcul Excel préconfiguré. Ce modèle est constitué de trois feuilles de calcul :

Mesure de modèle. Affiche les mesures importées du Visualiseur de liste de décisions, les mesures Excel personnalisées et les totaux des calculs (définis dans la feuille de calcul Paramètres).

Paramètres. Fournit les variables pour générer des calculs en fonction des mesures du Visualiseur de liste de décisions importées et des mesures Excel personnalisées.

Configuration. Fournit des options permettant de spécifier les mesures importées à partir du Visualiseur de liste de décisions et de définir les mesures Excel personnalisées.

AVERTISSEMENT : La structure de la feuille de calcul Configuration est définie de façon rigoureuse. Ne **PAS** éditer les cellules de la zone ombrée verte.

- **Mesures depuis le modèle.** Indique les mesures Visualiseur de liste de décisions utilisées dans les calculs.
- **Mesures vers le modèle.** Indique la ou les mesures générées par Excel qui vont être renvoyées à le Visualiseur de liste de décisions. Les mesures générées par Excel sont affichées en tant que nouvelles colonnes de mesures dans le Visualiseur de liste de décisions.

Remarque : Les mesures Excel ne sont pas conservées avec le modèle lorsque vous générez un nouveau modèle ; elles ne sont valides que pendant la session active.

Modification des mesures de modèle

Les exemples suivants expliquent les différentes façons de modifier les mesures de modèle :

- Changer une mesure existante.
- Importer une mesure standard supplémentaire depuis le modèle.
- Exporter une mesure standard supplémentaire vers le modèle.

Changer une mesure existante

1. Ouvrez le modèle, et sélectionnez la feuille de calcul Configuration.
2. Editez le **Nom** ou la **Description** en les surlignant et en tapant un nouveau contenu.

   Notez que si l'on souhaite modifier une mesure, par exemple pour inviter l'utilisateur à choisir Probabilité au lieu d'Effectif, il suffit de modifier le nom et la description dans **Mesures depuis le modèle**cela s'affiche alors dans le modèle, ce qui permet à l'utilisateur de choisir la mesure appropriée à mapper.

Importez une mesure standard supplémentaire depuis le modèle.

1. Ouvrez le modèle, et sélectionnez la feuille de calcul Configuration.
2. Dans les menus, sélectionnez :

   Outils > **Protection** > **Oter la protection de la feuille**
3. Sélectionnez la cellule A5, qui est ombrée jaune et contient le mot **Fin**.
4. Dans les menus, sélectionnez :

   Insérer > **Lignes**
5. Entrez le **Nom** et la **Description** de la nouvelle mesure. Par exemple, **Erreur** et **Erreur associée à un segment**.
6. Dans la cellule C5, entrez la formule **=COLUMN('Model Measures'!N3)**.
7. Dans la cellule C5, entrez la formule **=ROW('Model Measures'!N3)+1**.

   Ces formules entraîneront l'affichage de la nouvelle mesure dans la colonne N de la feuille de calcul Mesures de modèle qui, pour le moment, est vide.
8. Dans les menus, sélectionnez :

   Outils > **Protection** > **Protéger la feuille**
9. Cliquez sur **OK**.
10. Sur la feuille de calcul Mesures de modèle, assurez-vous que la cellule N3 a **Erreur** comme titre pour la nouvelle colonne.
11. Sélectionnez toute la colonne N.
12. Dans les menus, sélectionnez :

    Format > **Cellules**
13. Par défaut, toutes les cellules ont un format de nombre **Standard**. Cliquez sur **Pourcentage** pour modifier l'affichage des chiffres. En plus de vous aider à vérifier vos chiffres sous Excel, cela vous permet d'utilisez les données d'autres façons, par exemple pour une sortie sous forme de graphique.
14. Cliquez sur **OK**.
15. Enregistrez la feuille de calcul en tant que modèle Excel 2003, avec un nom unique et l'extension de fichier *.xlt*. Pour retrouver facilement le nouveau modèle, nous vous recommandons de l'enregistrer dans l'emplacement préconfiguré pour les modèles sur votre système de fichiers local ou réseau.

Exportez une mesure personnalisée supplémentaire vers le modèle.

1. Ouvrez le modèle auquel vous avez ajouté la colonne Erreur dans l'exemple précédent ; sélectionnez la feuille de calcul Configuration.
2. Dans les menus, sélectionnez :

   Outils > **Protection** > **Oter la protection de la feuille**
3. Sélectionnez la cellule A14, qui est ombrée jaune et contient le mot **Fin**.

4. Dans les menus, sélectionnez :

   Insérer > **Lignes**
5. Entrez le **Nom** et la **Description** de la nouvelle mesure. Par exemple, **Erreur mise à l'échelle** et **Mise à l'échelle appliquée à une erreur provenant d'Excel**.
6. Dans la cellule C14, entrez la formule **=COLUMN('Model Measures'!O3)**.
7. Dans la cellule D14, entrez la formule **=ROW('Model Measures'!O3)+1**.

   Ces formules indiquent que la colonne O contiendra la nouvelle mesure pour le modèle.
8. Sélectionnez la feuille de calcul Paramètres.
9. Dans la cellule A17, entrez la description **'- Erreur mise à l'échelle**.
10. Dans la cellule B17, entrez le facteur d'échelle **10**.
11. Sur la feuille de calcul Mesures de modèle, entrez la description **Erreur mise à l'échelle** dans le cellule O3 comme titre de la nouvelle colonne.
12. Dans la cellule O4, entrez la formule **=N4*Settings!B17**.
13. Cliquez sur le coin de la cellule O4, et faites-le glisser vers la cellule O22 pour recopier la formule dans chaque cellule.
14. Dans les menus, sélectionnez :

    Outils > **Protection** > **Protéger la feuille**
15. Cliquez sur **OK**.
16. Enregistrez la feuille de calcul en tant que modèle Excel 2003, avec un nom unique et l'extension de fichier *.xlt*. Pour retrouver facilement le nouveau modèle, nous vous recommandons de l'enregistrer dans l'emplacement préconfiguré pour les modèles sur votre système de fichiers local ou réseau.

Lors de la connexion à Excel en utilisant ce modèle, la valeur Erreur est disponible comme nouvelle mesure personnalisée.

Visualisation de modèles

La meilleure manière de comprendre l'impact d'un modèle est de le visualiser. Un graphique de gain permet une compréhension précieuse et au jour le jour du métier et du bénéfice technique de votre modèle en étudiant l'effet de différentes solutions en temps réel. La section «Graphique de gain», à la page 168 présente l'avantage d'un modèle par rapport à une prise de décision aléatoire et permet la comparaison directe de plusieurs graphiques lorsqu'il existe des modèles alternatifs.

Graphique de gain

Le graphique de gain représente les valeurs affichées dans la colonne *Gain (%)* du tableau. Les gains sont définis en tant que proportion des correspondances de chaque incrément par rapport au nombre total de correspondances de l'arbre via l'équation suivante :

(correspondances de l'incrément / nombre total de correspondances) x 100 %

Les graphiques de gains permettent d'illustrer efficacement dans quelle mesure vous devez élargir vos perspectives pour obtenir un pourcentage précis de correspondances de l'arbre. La diagonale représente la réponse attendue pour l'échantillon complet si vous n'utilisiez pas le modèle. Dans ce cas, le taux de réponse serait constant, car une personne est susceptible de répondre comme une autre. Pour doubler ce nombre, vous devriez interroger deux fois plus de personnes. La courbe fournit la valeur d'amélioration possible du taux de réponse en n'incluant que les valeurs comprises dans les centiles plus élevés basés sur les gains. Par exemple, si les premiers 50 % sont ajoutés, vous pouvez obtenir plus de 70 % des réponses positives. Plus la courbe s'accentue, plus les gains sont élevés.

Pour afficher un graphique de gain :

1. Ouvrez un flux contenant un noeud Liste de décision et lancez une session interactive à partir du noeud.

2. Cliquez sur l'onglet **Gains**. En fonction des partitions spécifiées, un ou deux graphiques peuvent apparaître (par exemple, deux graphiques si les partitions d'apprentissage et de test sont définies pour les mesures de modèle).

Par défaut, les graphiques s'affichent en tant que segments. Vous pouvez passer à un affichage de quantiles en sélectionnant **Quantiles**, puis en sélectionnant la méthode de quantile appropriée dans le menu déroulant.

Options de graphique

La fonction Options de graphique fournit des options permettant de sélectionner les modèles et instantanés représentés graphiquement, ainsi que les partitions tracées. Elle permet également d'indiquer si les libellés de segment sont affichées.

Modèles à représenter graphiquement

Modèles actuels. Permet de sélectionner les modèles à représenter par graphique. Vous pouvez sélectionner le modèle de travail ou n'importe quel modèle d'instantané créé.

Partitions à représenter graphiquement

Partitions du graphique de gauche. La liste déroulante fournit des options permettant d'afficher toutes les partitions définies ou toutes les données.

Partitions du graphique de droite. La liste déroulante fournit des options permettant d'afficher toutes les partitions définies, toutes les données ou uniquement le graphique de gauche. Lorsque l'option **Représenter uniquement les éléments de gauche** est sélectionnée, seul le graphique de gauche est affiché.

Afficher les libellés de segment. Lorsque cette option est activée, chaque libellé de segment est affiché dans les graphiques.

Chapitre 10. Modèles statistiques

Les modèles statistiques utilisent des équations mathématiques pour coder les informations extraites à partir des données. Dans certains cas, les techniques de modélisation statistique peuvent fournir des modèles adéquats très rapidement. Même dans des situations où des techniques d'apprentissage automatique (telles que les réseaux de neurones) peuvent donner de meilleurs résultats, vous pouvez utiliser des modèles statistiques en tant que modèles prédictifs de référence qui permettent d'évaluer les performances de techniques plus avancées.

Les noeuds modélisation statistique suivants sont disponibles.

Les modèles de régression linéaire prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

La régression logistique est une technique statistique de classification des enregistrements sur la base des valeurs des champs d'entrée. Excepté le fait qu'elle utilise un champ cible catégoriel et non pas numérique, cette régression est similaire à la régression linéaire.

Le noeud ACP/Analyse factorielle propose des techniques de factorisation puissantes qui vous permettent de réduire la complexité de vos données. L'analyse en composantes principales (ACP) recherche les combinaisons linéaires des champs d'entrée qui permettent de capturer au mieux la variance dans l'ensemble de champs, où les composantes sont orthogonales (perpendiculaires) les unes par rapport aux autres. L'analyse factorielle a pour but d'identifier les facteurs sous-jacents qui expliquent la tendance des corrélations dans un ensemble de champs observés. Quelle que soit l'approche choisie, le but consiste à trouver un nombre limité de champs dérivés récapitulant les informations contenues dans l'ensemble de champs d'origine.

L'analyse discriminante crée des hypothèses plus strictes que la régression logistique mais peut constituer une alternative ou un complément précieux à une analyse de régression logistique lorsque ces hypothèses sont réunies.

La procédure Modèles linéaires généralisés développe le modèle linéaire général de sorte que la variable dépendante soit linéairement reliée aux facteurs et covariables via une fonction de lien précise. En outre, le modèle permet à la variable dépendante de suivre une distribution non normale. Il couvre les fonctionnalités d'un grand nombre de modèles statistiques, notamment le modèle de régression linéaire, le modèle de régression logistique, le modèle log-linéaire pour les données d'effectif et le modèle de survie avec censure par intervalle.

Un modèle mixte linéaire généralisé (MMLG) élargit le modèle linéaire de sorte que la cible puisse avoir une distribution non normale, qu'elle soit liée linéairement aux facteurs et covariables via une fonction de lien spécifiée, et que les observations puissent être corrélées. Les modèles mixtes linéaires généralisés couvrent une large variété de modèles, depuis les modèles de régression linéaire simple aux modèles multi-niveaux complexes destinés aux données longitudinales non normales.

Le noeud de régression de Cox vous permet de créer un modèle de survie pour les données de durée jusqu'à l'événement en présence d'enregistrements censurés. Ce modèle produit une fonction de survie qui prédit la probabilité que l'événement en question se soit produit à un moment (*t*) pour des valeurs données des variables d'entrée.

Noeud linéaire

La régression linéaire est une technique statistique ordinaire de classification des enregistrements sur la base des valeurs des champs d'entrée numériques. La régression linéaire correspond à une ligne droite ou à une surface qui minimise les écarts entre les valeurs prédites et les valeurs réelles des résultats.

Conditions requises. Seuls les champs numériques sont autorisés dans un modèle de régression linéaire. Vous devez avoir exactement un champ cible (avec le rôle défini sur **Cible**) et un ou plusieurs prédicteurs (avec le rôle défini sur **Entrée**). Les champs avec un rôle de type **Les deux** ou **Aucun** sont ignorés, tout comme les champs non numériques. (Si nécessaire, les champs non numériques peuvent être recodés grâce à un noeud Dériver.)

Puissance. Les modèles de régression linéaire sont relativement simples et produisent une formule mathématique de génération de prévisions pouvant facilement être interprétée. Dans la mesure où la régression linéaire est une technique statistique ancienne, les propriétés des modèles qu'elle génère sont bien connues. D'autre part, leur apprentissage est très rapide. Le noeud linéaire contient des méthodes de sélection automatique des champs, ce qui permet d'éliminer de l'équation les champs d'entrée non pertinents.

Remarque : Lorsque le champ cible est un champ catégoriel plutôt qu'un intervalle continu, par exemple **oui/non** ou **attrition/non attrition**, la régression logistique est une alternative. La régression logistique offre également une prise en charge des entrées non numériques, supprimant ainsi la nécessité de recoder ces champs. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Logistique», à la page 182.

Modèles linéaires

Les modèles linéaires prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

Les modèles linéaires sont relativement simples et produisent une formule mathématique pouvant facilement être évaluée. Les propriétés de ces modèles sont bien comprises et peuvent généralement être créées très rapidement, en comparaison d'autres types de modèles (tels que les arbres de décisions ou les réseaux de neurones), sur le même de l'ensemble de données.

Exemple. Une compagnie d'assurances disposant de ressources restreintes pour enquêter sur les demandes de remboursement des propriétaires de biens immobiliers, souhaite construire un modèle pour estimer les coûts des réclamations. En déployant ce modèle vers les centres de service, les représentants ont la possibilité d'entrer les informations relatives à la réclamation pendant leur conversation avec les clients et d'obtenir immédiatement une estimation du coût sur la base de réclamations antérieures.

Exigences concernant les champs. Il doit y avoir une cible et au moins une entrée. Par défaut, les champs avec des rôles prédéfinis sur Les deux ou Aucun ne sont pas utilisés. La cible doit être continue (échelle). Il n'existe pas de restrictions des niveaux de mesure sur les prédicteurs (d'entrée) ; les champs catégoriels (indicateurs, nominaux, et ordinaux) sont utilisés comme facteurs dans le modèle et les champs continus sont utilisés comme covariables.

Objectifs

Que souhaitez-vous faire ?

- **Créer un modèle.** Créer un modèle entièrement nouveau. Il s'agit de l'opération ordinaire du noeud.

- **Poursuivre l'apprentissage d'un modèle existant.** L'apprentissage se poursuit sur le dernier modèle généré par le noeud. Cela permet de mettre à jour ou d'actualiser un modèle existant sans avoir à accéder aux données d'origine et peut permettre d'obtenir des performances nettement plus rapides car seuls les enregistrements nouveaux ou mis à jour sont acheminés dans le flux. Les détails relatifs au modèle précédent sont stockés avec le noeud de modélisation, ce qui permet d'utiliser cette option même si le nugget de modèle précédent n'est plus disponible dans le flux ou dans la palette de modèles.

  Remarque : Lorsque cette option est activée, toutes les autres commandes des onglets Champ et Options de création sont désactivés.

Quel est votre objectif principal ? Sélectionnez l'objectif approprié.

- **Créer un modèle standard.** La méthode crée un modèle unique afin de prédire la cible à l'aide des prédicteurs. En général, les modèles standard sont plus faciles à interpréter et peuvent être plus rapides à évaluer que des jeux de données améliorés, agrégés ou volumineux.

  Remarque : Dans le cas de modèles découpés, pour utiliser cette option avec **Poursuivre l'apprentissage d'un modèle existant**, vous devez être connecté à Analytic Server.
- **Améliorer l'exactitude du modèle (boosting).** La méthode crée un modèle d'ensemble à l'aide d'une amélioration, qui génère une séquence de modèles pour obtenir des prédictions plus précises. La création et l'évaluation des ensembles peut prendre davantage de temps qu'un modèle standard.

  Le boosting produit une succession de « modèles de composant », chacun généré à partir du de l'ensemble de données entier. Avant la création de chaque modèle de composant successif, les enregistrements sont pondérés en fonction des résidus du modèle de composant précédent. Les observations possédant des résidus élevés reçoivent des pondérations d'analyse relativement supérieure de manière à ce que le modèle de composant suivant donne une meilleure prédiction de ces enregistrements. Ensemble ces modèles de composant forment un modèle d'ensemble. Le modèle d'ensemble évalue les nouveaux enregistrements à l'aide d'une règle de combinaison ; les règles disponibles dépendent du niveau de mesure de la cible.
- **Améliorer la stabilité du modèle (bagging).** La méthode crée un modèle d'ensemble à l'aide du bagging (agrégation par bootstrap), qui génère plusieurs modèles pour obtenir des prédictions plus fiables. La création et l'évaluation des ensembles peut prendre davantage de temps qu'un modèle standard.

  L'agrégation par bootstrap (bagging) produit des doubles du de l'ensemble de données d'apprentissage en réalisant un échantillonnage avec remplacement à partir du de l'ensemble de données d'origine. Ceci permet de créer des échantillons de bootstrap de taille égale au de l'ensemble de données d'origine. Ensuite, un « modèle de composant » est créé à partir de chaque double. Ensemble ces modèles de composant forment un modèle d'ensemble. Le modèle d'ensemble évalue les nouveaux enregistrements à l'aide d'une règle de combinaison ; les règles disponibles dépendent du niveau de mesure de la cible.
- **Créer un modèle pour des jeux de données très volumineux.** La méthode crée un modèle d'ensemble en divisant l'ensemble de données en des blocs de données distincts. Sélectionnez cette option si votre de l'ensemble de données est trop volumineux pour créer l'un des modèles ci-dessus, ou pour créer un modèle incrémentiel. Cette option peut prendre moins de temps à créer, mais davantage à évaluer qu'un modèle standard.

Voir «Ensembles », à la page 175 pour les paramètres liés au boosting, au bagging et aux très grands jeux de données.

Bases

Préparer automatiquement les données. Cette option permet à la procédure de transformer en interne la cible et les prédicteurs afin de maximiser la puissance de prédiction du modèle. Toute modification est enregistrée avec le modèle et appliquée aux nouvelles données pour le scoring. Les versions originales de champs transformés sont exclues du modèle. Par défaut, les préparations automatiques de données suivantes sont réalisées.

- **Gestion de la date et de l'heure.** Chaque prédicteur de date est transformé en un nouveau prédicteur continu qui contient la durée écoulée depuis une date de référence (01/01/1970). Chaque prédicteur d'heure est transformé en un nouveau prédicteur continu qui contient la durée écoulée depuis une heure de référence (00:00:00).
- **Régler le niveau de mesure.** Les prédicteurs continus ayant moins de 5 valeurs distinctes sont reconverties en prédicteurs ordinaux. Les prédicteurs ordinaux ayant plus de 10 valeurs distinctes sont reconvertis en prédicteurs continus.
- **Gestion des valeurs extrêmes.** Les valeurs de prédicteurs continus qui se trouvent au-delà d'une valeur de césure (écart type de 3 par rapport à la moyenne) sont définies sur la valeur de césure.
- **Traitement des valeurs manquantes.** Les valeurs manquantes de prédicteurs nominaux sont remplacées par le mode de la partition d'apprentissage. Les valeurs manquantes de prédicteurs ordinaux sont remplacées par la médiane de la partition d'apprentissage. Les valeurs manquantes de prédicteurs continus sont remplacées par la moyenne de la partition d'apprentissage.
- **Fusion supervisée.** Crée un modèle plus petit en réduisant le nombre de champs à traiter en association avec la cible. Les modalités similaires sont identifiées en fonction de la relation entre l'entrée et la cible. Les modalités ne différant pas de manière significative (c'est-à-dire ayant une valeur p supérieure à 0,1), sont fusionnées. Si toutes les catégories sont fusionnées en une seule, les versions d'origine et dérivées du champ sont exclues du modèle car elles n'ont pas de valeur de prédicteur.

Niveau de confiance. Il s'agit du niveau de confiance utilisé pour calculer les estimations d'intervalle des coefficients de modèle dans la vue Coefficients. Spécifiez une valeur supérieure à 0 et inférieure à 100. La valeur par défaut est 95.

Sélection de modèle

Méthode de sélection du modèle. Choisissez l'une des méthodes de sélection du modèle (détails ci-dessous) ou l'option **Inclure tous les prédicteurs**, qui entre simplement tous les prédicteurs disponibles en tant que termes des effets principaux du modèle. Le modèle **Pas à pas ascendant** est utilisé par défaut.

Sélection de la méthode Pas à pas ascendante. Elle commence sans effet dans le modèle et ajoute et supprime des effets une étape à la fois jusqu'à ce qu'aucune autre ne puisse être ajoutée ou supprimée en fonction des critères pas à pas.

- **Critères d'entrée/suppression.** Il s'agit des statistiques utilisées pour savoir si un effet doit être ajouté ou supprimé du modèle. **Critère d'information (AICC)** est basé sur la vraisemblance du modèle fourni à l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. **Statistiques F** est basé sur un test statistique de l'amélioration dans l'erreur d'un modèle. **R-carré ajusté** est basé sur l'adéquation de l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. Le **Critère de prévention du surajustement (ASE)** est basé sur l'adéquation (erreur de la moyenne des carrés) de l'ensemble de prévention de surajustement. L'ensemble de prévention de surajustement est un sous-échantillon aléatoire contenant approximativement 30 % des données de l'ensemble de données original. Il n'est pas utilisé pour former le modèle.

  Si un autre critère que **Statistiques F** est sélectionné, à chaque étape l'effet qui correspond à l'accroissement positif le plus important dans le critère est ajouté au modèle. Tous les effets du modèle qui correspondent à une diminution du critère sont supprimés.

  Si **Statistiques F** est sélectionné en tant que critère, à chaque étape l'effet ayant la plus petite valeur *p*inférieure au seuil spécifié, **Inclure les effets avec des valeurs p inférieures à**, est ajouté au modèle. La valeur par défaut est 0.05. Tous les effets du modèle ayant une valeur *p* supérieure au seuil spécifié, **Supprimer les effets ayant des valeurs p supérieures à**, sont supprimés. La valeur par défaut est 0.10.
- **Personnaliser le nombre maximum d'effets dans le modèle final.** Par défaut, tous les effets disponibles peuvent être entrés dans le modèle. Si l'algorithme pas à pas se termine à une étape avec le nombre spécifié d'effets, l'algorithme s'arrête à l'ensemble d'effets en cours.

- **Personnaliser le nombre maximal d'étapes.** L'algorithme pas à pas s'arrête après un certain nombre d'étapes. Par défaut, il s'agit de 3 fois le nombre d'effets disponibles. Vous pouvez également spécifier un nombre entier positif maximum d'étapes.

Sélection des meilleurs sous-ensembles. Ceci permet de vérifier "tous les modèles possibles" ou au moins un sous-ensemble plus important des modèles possibles qu'en pas à pas ascendant, pour choisir le meilleur en fonction du critère des meilleurs sous-ensembles. **Critère d'information (AICC)** est basé sur la vraisemblance du modèle fourni à l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. **R-carré ajusté** est basé sur l'adéquation de l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. Le **Critère de prévention du surajustement (ASE)** est basé sur l'adéquation (erreur de la moyenne des carrés) de l'ensemble de prévention de surajustement. L'ensemble de prévention de surajustement est un sous-échantillon aléatoire contenant approximativement 30 % des données de l'ensemble de données original. Il n'est pas utilisé pour former le modèle.

Le modèle ayant la plus grande valeur de critère est sélectionné comme meilleur modèle.

Remarque : La sélection des meilleurs sous-ensembles demande plus de ressources de calcul que la sélection pas à pas ascendante. Lorsque la sélection des meilleurs sous-ensemble est effectuée en conjonction avec le boosting, le bagging ou le traitement de jeux de données très volumineux, elle peut être plus longue que la création d'un modèle standard à l'aide de la sélection pas à pas ascendante.

Ensembles

Ces paramètres déterminent le comportement d'assemblage qui se produit lors du boosting, du bagging ou lorsque des jeux de données volumineux sont requis dans les objectifs. Les options qui ne s'appliquent pas à l'objectif sélectionné sont ignorées.

Bagging et très grands jeux de données. Lors de l'évaluation d'un ensemble, il s'agit de la règle utilisée pour combiner les valeurs prédites à partir des modèles de base pour calculer la valeur de score d'un ensemble.

- **Règle de combinaison par défaut pour les cibles continues.** Des valeurs prédites d'ensemble pour des cibles continues peuvent être combinées à l'aide de la moyenne ou de la médiane des valeurs prédites à partir des modèles de base.

Veuillez noter que lorsque l'objectif consiste à améliorer l'exactitude du modèle, les sélections de règles de combinaisons sont ignorées. Le boosting utilise toujours un vote majoritaire pondéré pour évaluer des cibles catégorielles et une médiane pondérée pour évaluer des cibles continues.

Boosting et Bagging. Spécifiez le nombre de modèles de base à créer lorsque l'objectif est d'améliorer l'exactitude ou la stabilité du modèle ; pour le bagging, il s'agit du nombre d'échantillons de bootstrap. Il doit s'agir d'un entier positif.

Avancé

Dupliquer les résultats. Définir une valeur de départ aléatoire vous permet de dupliquer des analyses. Le générateur de nombres aléatoires est utilisé pour choisir les enregistrements de l'ensemble de prévention de surajustement. Spécifiez un entier ou cliquez sur **Générer**, ce qui crée un entier pseudo-aléatoire compris entre 1 et 2147483647, inclus. La valeur par défaut est 54752075.

Options de modèle

Nom de modèle. Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle en fonction des champs cible ou spécifier un nom personnalisé. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible.

Veuillez noter que la valeur prédite est toujours calculée lorsque le modèle est évalué. Le nom du nouveau champ est le nom du champ cible auquel le préfixe *$L-* a été ajouté. Par exemple, si un champ cible est nommé *ventes*, le nouveau champ sera alors intitulé *$L-ventes*.

Récapitulatif du modèle

La vue récapitulative du modèle est un instantané, un récapitulatif accessible d'un coup d'oeil du modèle et de son ajustement.

Tableau
Le tableau identifie certains paramètres de haut niveau du modèle, notamment :

- Le nom de la cible spécifié sur l'onglet Champs,
- Si la préparation automatique des données a été exécutée tel qu'indiqué sur l'onglet Paramètres de base,
- La méthode de sélection de modèle et le critère de sélection spécifiés dans les paramètres de sélection de modèle. La valeur du critère de sélection du modèle final est également affiché et est présenté en plus petit, pour une meilleure mise en forme.

Graphique
Le graphique affiche l'exactitude du modèle final, qui est présenté en plus grand, disposant d'un meilleur format. La valeur est de 100 x le R^2 ajusté pour le modèle final.

Préparation automatique des données

Cette vue affiche des informations concernant les champs qui ont été exclus et la façon dont les champs transformés ont été dérivés dans l'étape de préparation automatique des données (ADP). Pour chaque champ transformé ou exclu, le tableau répertorie le nom du champ, son rôle au sein de l'analyse et l'action entreprise par l'étape ADP. Les champs sont triés selon l'ordre alphabétique croissant des noms de champ. Les actions possibles pour chaque champ comprennent :

- **Dériver la durée : mois** calcule le temps écoulé en mois à partir des valeurs d'un champ de dates et de la date système en cours.
- **Dériver la durée : heures** calcule le temps écoulé en heures à partir des valeurs d'un champ contenant des heures et de l'heure système en cours.
- **Modifier le niveau de mesure de continu en ordinal** convertit les champs continus de moins de cinq valeurs uniques en champs ordinaux.
- **Modifier le niveau de mesure d'ordinal en continu** convertit les champs ordinaux de plus de dix valeurs uniques en champs continus.
- **Supprimer les valeurs extrêmes** définit les valeurs de prédicteurs continus qui se trouvent au-delà d'une valeur de césure (écart type de 3 par rapport à la moyenne) sur la valeur de césure.
- **Remplacer les valeurs manquantes** remplace les valeurs manquantes des champs nominaux par le mode, des champs ordinaux par la médiane et des champs continus par la moyenne.
- **Fusionner les catégories pour optimiser l'association à la cible** identifie les modalités similaires des prédicteurs en fonction de la relation entre l'entrée et la cible. Les modalités ne différant pas de manière significative (c'est-à-dire ayant une valeur *p* supérieure à 0,05), sont fusionnées.
- **Exclure les prédicteurs constants / après le traitement des valeurs extrêmes / après la fusion des catégories** supprime les prédicteurs qui comportent une seule valeur, après que les autres actions ADP ont été réalisées.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

Valeurs prédites en fonction des valeurs observées

Ceci affiche un nuage de points mis en intervalles des valeurs prédites sur l'axe vertical par les valeurs observées sur l'axe horizontal. Idéalement, les points devraient se trouver sur une ligne de 45 degrés ; cette vue peut vous indiquer si des enregistrements sont particulièrement mal prédits par le modèle.

Résidus

Ceci affiche un graphique de diagnostique des résidus du modèle.

Styles de graphique. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style** .

- **Histogramme :** Il s'agit d'un histogramme à intervalles des résidus de Student avec une superposition de la distribution normale. Les modèles linéaires supposent que les résidus ont une distribution normale, de sorte que l'histogramme doit, dans l'idéal, approcher étroitement la ligne de lissage.
- **Diagramme P-P.** Il s'agit d'un diagramme probabilité-probabilité mis en intervalles qui compare des résidus de Student à une distribution normale. Si la pente des points représentés est moins forte que la ligne normale, les résidus affichent une plus grande variabilité qu'une distribution normale ; si la pente est plus forte, les résidus affichent une moins grande variabilité qu'une distribution normale. Si les points représentés ont une courbe en S, la distribution des résidus est asymétrique.

Valeurs extrêmes

Ce tableau répertorie les enregistrements qui exercent une influence excessive sur le modèle et affiche l'ID d'enregistrement (s'il est spécifié dans l'onglet Champs), la valeur cible et la distance de Cook. La distance de Cook est une mesure du degré de modification des résidus de tous les enregistrements si un enregistrement donné est exclu des calculs des coefficients de modèle. Une distance de Cook importante signifie que l'exclusion d'un enregistrement modifie de manière importante les coefficients et doit donc être considérée comme ayant une influence.

Les enregistrements ayant une influence doivent être examinés soigneusement afin de déterminer si vous pouvez leur octroyer une pondération inférieure dans l'estimation du modèle, tronquer les valeurs extrêmes à un seuil acceptable ou supprimer complètement les enregistrements ayant une influence.

Effets

Cette vue affiche la taille de chaque effet dans le modèle.

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Diagramme.** Il s'agit d'un graphique dans lequel les effets sont triés de haut en bas en diminuant l'importance du prédicteur. Les lignes de connexion du diagramme sont pondérées en fonction de la signification de l'effet, une largeur de ligne plus importante correspondant à des effets plus importants (valeurs *p* plus petites). Lorsque vous placez la souris sur une ligne de connexion, une info-bulle apparaît et affiche la valeur *p* et l'importance de l'effet. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Table.** Il s'agit d'un tableau ANOVA pour le modèle général et les effets de modèle individuels. Il s'agit d'effets individuels triés de haut en bas en diminuant l'importance du prédicteur. Remarque : par défaut, le tableau est réduit et n'affiche que les résultats du modèle global. Pour afficher les résultats des effets du modèle individuel, cliquez sur la cellule **Modèle corrigé** dans le tableau.

Importance des prédicteurs. Il existe un curseur de l'importance des prédicteurs qui contrôle celles qui sont affichées dans la vue. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les prédicteurs les plus importants. Par défaut, les 10 premiers effets sont affichés.

Signification. Il existe un curseur de signification qui offre des contrôles plus avancées sur les effets affichés dans la vue, en plus de celles affichées en fonction de l'importance du prédicteur. Les effets ayant des valeurs de signification plus grandes que la valeur du curseur sont masqués. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les effets les plus importants. Par défaut, la valeur est de 1,00, de sorte qu'aucun effet n'est filtré en fonction de la signification.

Coefficients

Cette vue affiche la valeur de chaque coefficient du modèle. Veuillez noter que les facteurs (prédicteurs indépendants) sont codés par un indicateur dans le modèle, de sorte que les **effets** comportant des facteurs ont généralement plusieurs **coefficients** associés, un pour chaque catégorie exceptée la catégorie correspondant au paramètre redondant (de référence).

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Diagramme.** Il s'agit d'un graphique qui affiche d'abord la constante, puis trie les effets de haut en bas en diminuant l'importance du prédicteur. Au sein des effets contenant des facteurs, les coefficients sont triés dans l'ordre croissant de la valeur des données. Les lignes de connexion du diagramme sont coloriées en fonction du signe du coefficient (voir la légende du diagramme) et pondérées en fonction de la signification du coefficient, avec une largeur de ligne plus importante correspondant à des coefficient plus importants (valeurs *p* plus petites). Lorsque vous placez la souris sur une ligne de connexion, une info-bulle apparaît et affiche la valeur du coefficient, sa valeur *p* et l'importance de l'effet auquel est associé le paramètre. Il s'agit du style par défaut.
- **Table.** Affiche les valeurs, les tests de signification et les intervalles de confiance des coefficients de modèles individuels. Après la constante, les effets sont triés de haut en bas en diminuant l'importance du prédicteur. Au sein des effets contenant des facteurs, les coefficients sont triés dans l'ordre croissant de la valeur des données. Remarque : par défaut, le tableau est réduit et n'affiche que le coefficient, la signification et l'importance de chaque paramètre du modèle. Pour afficher l'erreur standard, la statistique *t* et l'intervalle de confiance, cliquez sur la cellule **Coefficient** dans le tableau. Lorsque vous placez la souris sur le nom d'un paramètre de modèle dans le tableau, une info-bulle apparaît et affiche le nom du paramètre, l'effet auquel est associé le paramètre et (pour les prédicteurs indépendants) les libellés de valeur associées au paramètre du modèle. Ceci est particulièrement utile pour afficher les nouvelles catégories créées lorsque la préparation automatique des données fusionne les catégories similaires d'un prédicteur indépendant.

Importance des prédicteurs. Il existe un curseur de l'importance des prédicteurs qui contrôle celles qui sont affichées dans la vue. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les prédicteurs les plus importants. Par défaut, les 10 premiers effets sont affichés.

Signification. Il existe un curseur de signification qui offre des contrôles plus avancées sur les coefficients affichés dans la vue, en plus de celle affichée en fonction de l'importance du prédicteur. Les coefficients ayant des valeurs de signification plus grandes que la valeur du curseur sont masqués. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les coefficients les plus importants. Par défaut, la valeur est de 1,00, de sorte qu'aucun coefficient n'est filtré en fonction de la signification.

Moyennes estimées

Il s'agit de graphiques affichés pour des prédicteurs significatifs. Le graphique affiche la valeur estimée par le modèle de la cible sur l'axe vertical pour chaque valeur du prédicteur de l'axe horizontal en conservant tous les autres prédicteurs. Il offre une visualisation pratique des effets des coefficients de chaque prédicteur sur la cible.

Remarque : Si aucun prédicteur n'est significatif, aucune moyenne estimée n'est générée.

Récapitulatif de génération de modèle

Lorsqu'un algorithme de sélection de modèle différent de **Aucun** est sélectionné dans les paramètres de sélection de modèles, il propose certains détails concernant le processus de création du modèle.

Pas à pas ascendant. Lorsque l'algorithme de sélection est étape par étape ascendant, le tableau affiche les 10 dernières étapes de l'algorithme étape par étape. Pour chaque étape, la valeur du critère de sélection et les effets du modèle à cette étape sont affichés. Ceci vous offre un aperçu de l'ampleur de la contribution de chaque étape au modèle. Chaque colonne vous permet de trier les lignes afin que vous puissiez voir plus facilement les effets qui se trouvent dans le modèle à chaque étape donnée.

Meilleurs sous-ensembles. Lorsque l'algorithme de sélection est Meilleurs sous-ensembles, le tableau affiche les 10 meilleurs modèles. Pour chaque modèle, la valeur du critère de sélection et les effets du modèle sont affichés. Ceci vous donne un aperçu de la stabilité des meilleurs modèles ; s'ils ont tendance à avoir des effets similaires avec quelques différences, vous pouvez alors avoir une confiance raisonnable dans le "meilleur" modèle ; s'ils ont tendance à avoir des effets très différents, certains des effets peuvent être trop similaires et doivent être associés (ou l'un d'entre eux doit être supprimé). Chaque colonne vous permet de trier les lignes afin que vous puissiez voir plus facilement les effets qui se trouvent dans le modèle à chaque étape donnée.

Paramètres

Veuillez noter que la valeur prédite est toujours calculée lorsque le modèle est évalué. Le nom du nouveau champ est le nom du champ cible auquel le préfixe *$L-* a été ajouté. Par exemple, si un champ cible est nommé *ventes*, le nouveau champ sera alors intitulé *$L-ventes*.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Calculer en convertissant en SQL natif** Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données.

  Remarque : Bien que cette option fournisse des résultats plus rapides, la taille et la complexité du SQL natif augmentent à mesure que le modèle se complexifie.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud Linear-AS

IBM SPSS Modeler dispose de deux versions différentes du noeud Linéaire :

- **Linéaire** correspond au noeud traditionnel s'exécutant sur IBM SPSS Modeler Server.
- **Linear-AS** peut être exécuté lorsqu'il est connecté à IBM SPSS Analytic Server.

La régression linéaire est une technique statistique ordinaire de classification des enregistrements sur la base des valeurs des champs d'entrée numériques. La régression linéaire correspond à une ligne droite ou à une surface qui minimise les écarts entre les valeurs prédites et les valeurs réelles des résultats.

Conditions requises. Seuls les champs numériques et les prédicteurs indépendants sont autorisés dans un modèle de régression linéaire. Vous devez avoir exactement un champ cible (avec le rôle défini sur **Cible**) et un ou plusieurs prédicteurs (avec le rôle défini sur **Entrée**). Les champs avec un rôle de type **Les deux** ou **Aucun** sont ignorés, tout comme les champs non numériques. (Si nécessaire, les champs non numériques peuvent être recodés grâce à un noeud Dériver.)

Puissance. Les modèles de régression linéaire sont relativement simples et produisent une formule mathématique de génération de prévisions pouvant facilement être interprétée. Dans la mesure où la régression linéaire est une technique statistique ancienne, les propriétés des modèles qu'elle génère sont bien connues. D'autre part, leur apprentissage est très rapide. Le noeud linéaire contient des méthodes de sélection automatique des champs, ce qui permet d'éliminer de l'équation les champs d'entrée non pertinents.

Remarque : Lorsque le champ cible est un champ catégoriel plutôt qu'un intervalle continu, par exemple **oui/non** ou **attrition/non attrition**, la régression logistique est une alternative. La régression logistique

offre également une prise en charge des entrées non numériques, supprimant ainsi la nécessité de recoder ces champs. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Logistique», à la page 182.

Modèles Linear-AS

Les modèles linéaires prédisent une cible continue en fonction de relations linéaires entre la cible et un ou plusieurs prédicteurs.

Les modèles linéaires sont relativement simples et produisent une formule mathématique pouvant facilement être évaluée. Les propriétés de ces modèles sont bien comprises et peuvent généralement être créées très rapidement, en comparaison d'autres types de modèles (tels que les arbres de décisions ou les réseaux de neurones), sur le même de l'ensemble de données.

Exemple. Une compagnie d'assurances disposant de ressources restreintes pour enquêter sur les demandes de remboursement des propriétaires de biens immobiliers, souhaite construire un modèle pour estimer les coûts des réclamations. En déployant ce modèle vers les centres de service, les représentants ont la possibilité d'entrer les informations relatives à la réclamation pendant leur conversation avec les clients et d'obtenir immédiatement une estimation du coût sur la base de réclamations antérieures.

Exigences concernant les champs. Il doit y avoir une cible et au moins une entrée. Par défaut, les champs avec des rôles prédéfinis sur Les deux ou Aucun ne sont pas utilisés. La cible doit être continue (échelle). Il n'existe pas de restrictions des niveaux de mesure sur les prédicteurs (d'entrée) ; les champs catégoriels (indicateurs, nominaux, et ordinaux) sont utilisés comme facteurs dans le modèle et les champs continus sont utilisés comme covariables.

Bases

Inclure la constante. Cette option inclut un décalage sur l'axe Y lorsque l'axe X est 0. La constante est généralement incluse dans le modèle. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Envisager d'utiliser l'interaction bidirectionnelle. Cette option indique au modèle de comparer chaque paire d'entrées possible pour déterminer si la tendance de l'une affecte l'autre. Si tel est le cas, ces entrées sont davantage susceptibles d'être incluses dans la matrice de la conception.

Intervalle de confiance pour les estimations de coefficient (%). Il s'agit de l'intervalle de confiance utilisé pour calculer les estimations des coefficients de modèle dans la vue Coefficients. Spécifiez une valeur supérieure à 0 et inférieure à 100. La valeur par défaut est 95.

Ordre de tri des prédicteurs indépendants. Ces commandes déterminent l'ordre des catégories des facteurs (entrées catégorielles) afin de déterminer la "dernière" catégorie. Le paramètre ordre de tri est ignoré si l'entrée n'est pas catégorielle ou si une catégorie de référence personnalisée est spécifiée. o

Sélection de modèle

Méthode de sélection du modèle. Choisissez l'une des méthodes de sélection du modèle (détails ci-dessous) ou l'option **Inclure tous les prédicteurs**, qui entre simplement tous les prédicteurs disponibles en tant que termes des effets principaux du modèle. Le modèle **Pas à pas ascendant** est utilisé par défaut.

Sélection de la méthode Pas à pas ascendante. Elle commence sans effet dans le modèle et ajoute et supprime des effets une étape à la fois jusqu'à ce qu'aucune autre ne puisse être ajoutée ou supprimée en fonction des critères pas à pas.

- **Critères d'entrée/suppression.** Il s'agit des statistiques utilisées pour savoir si un effet doit être ajouté ou supprimé du modèle. **Critère d'information (AICC)** est basé sur la vraisemblance du modèle fourni à l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. **Statistiques F** est basé sur un test statistique de l'amélioration dans l'erreur d'un modèle. **R-carré ajusté** est basé sur l'adéquation de l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. Le **Critère de prévention du surajustement (ASE)** est basé sur l'adéquation (erreur de la moyenne des carrés) de l'ensemble de prévention de surajustement. L'ensemble de prévention de surajustement est

un sous-échantillon aléatoire contenant approximativement 30 % des données de l'ensemble de données original. Il n'est pas utilisé pour former le modèle.

Si un autre critère que **Statistiques F** est sélectionné, à chaque étape l'effet qui correspond à l'accroissement positif le plus important dans le critère est ajouté au modèle. Tous les effets du modèle qui correspondent à une diminution du critère sont supprimés.

Si **Statistiques F** est sélectionné en tant que critère, à chaque étape l'effet ayant la plus petite valeur *p*inférieure au seuil spécifié, **Inclure les effets avec des valeurs p inférieures à**, est ajouté au modèle. La valeur par défaut est 0.05. Tous les effets du modèle ayant une valeur *p* supérieure au seuil spécifié, **Supprimer les effets ayant des valeurs p supérieures à**, sont supprimés. La valeur par défaut est 0.10.

- **Personnaliser le nombre maximum d'effets dans le modèle final.** Par défaut, tous les effets disponibles peuvent être entrés dans le modèle. Si l'algorithme pas à pas se termine à une étape avec le nombre spécifié d'effets, l'algorithme s'arrête à l'ensemble d'effets en cours.
- **Personnaliser le nombre maximal d'étapes.** L'algorithme pas à pas s'arrête après un certain nombre d'étapes. Par défaut, il s'agit de 3 fois le nombre d'effets disponibles. Vous pouvez également spécifier un nombre entier positif maximum d'étapes.

Sélection des meilleurs sous-ensembles. Ceci permet de vérifier "tous les modèles possibles" ou au moins un sous-ensemble plus important des modèles possibles qu'en pas à pas ascendant, pour choisir le meilleur en fonction du critère des meilleurs sous-ensembles. **Critère d'information (AICC)** est basé sur la vraisemblance du modèle fourni à l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. **R-carré ajusté** est basé sur l'adéquation de l'ensemble d'apprentissage, et est ajusté afin de pénaliser des modèles trop complexes. Le **Critère de prévention du surajustement (ASE)** est basé sur l'adéquation (erreur de la moyenne des carrés) de l'ensemble de prévention de surajustement. L'ensemble de prévention de surajustement est un sous-échantillon aléatoire contenant approximativement 30 % des données de l'ensemble de données original. Il n'est pas utilisé pour former le modèle.

Le modèle ayant la plus grande valeur de critère est sélectionné comme meilleur modèle.

Remarque : La sélection des meilleurs sous-ensembles demande plus de ressources de calcul que la sélection pas à pas ascendante. Lorsque la sélection des meilleurs sous-ensemble est effectuée en conjonction avec le boosting, le bagging ou le traitement de jeux de données très volumineux, elle peut être plus longue que la création d'un modèle standard à l'aide de la sélection pas à pas ascendante.

Options de modèle

Nom de modèle. Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle en fonction des champs cible ou spécifier un nom personnalisé. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible.

Veuillez noter que la valeur prédite est toujours calculée lorsque le modèle est évalué. Le nom du nouveau champ est le nom du champ cible auquel le préfixe *$L-* a été ajouté. Par exemple, si un champ cible est nommé *ventes*, le nouveau champ sera alors intitulé *$L-ventes*.

Sortie interactive

Une fois l'exécution d'un modèle Linear-AS terminée, la sortie suivante est disponible.

Informations sur le modèle

La vue Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Le tableau identifie certains paramètres de modèle de niveau supérieur, notamment :

- Le nom de la cible spécifié sur l'onglet Champs
- Le champ de pondération de régression
- La méthode de génération de modèle indiquée dans les paramètres Sélection de modèle
- Le nombre d'entrées de prédicteurs

- Le nombre de prédicteurs dans le modèle final
- Critère d'information d'Akaike (AICC). AICC est une mesure de sélection et de comparaison des modèles mixtes basée sur la valeur -2 de log de vraisemblance (restreinte). Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AICC « corrige » l'AIC pour obtenir des tailles d'échantillon plus petites. Plus la taille de l'échantillon augmente, plus l'AICC converge vers l'AIC.
- R-carré. Mesure de la qualité d'ajustement d'un modèle linéaire, parfois appelée coefficient de détermination. Il s'agit de la proportion de la variation de la variable dépendante, expliquée par le modèle de régression. Elle varie entre 0 et 1. Des valeurs faibles indiquent que le modèle n'est pas bien ajusté aux données.
- R-carré ajusté

Récapitulatif des enregistrements

La vue Récapitulatif des enregistrements fournit des informations sur le nombre et le pourcentage d'enregistrements (observations) incluses et exclues du modèle.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

Valeurs prédites en fonction des valeurs observées

Ceci affiche un nuage de points mis en intervalles des valeurs prédites sur l'axe vertical par les valeurs observées sur l'axe horizontal. Idéalement, les points devraient se trouver sur une ligne de 45 degrés ; cette vue peut vous indiquer si des enregistrements sont particulièrement mal prédits par le modèle.

Paramètres

Veuillez noter que la valeur prédite est toujours calculée lorsque le modèle est évalué. Le nom du nouveau champ est le nom du champ cible auquel le préfixe *$L-* a été ajouté. Par exemple, si un champ cible est nommé *ventes*, le nouveau champ sera alors intitulé *$L-ventes*.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus.** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de donnée** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud Logistique

La **régression logistique**, également appelée **régression nominale**, est une technique statistique permettant de classer des enregistrements en fonction des valeurs de leurs champs d'entrée. Excepté le fait qu'elle utilise un champ cible catégoriel et non pas numérique, cette régression est semblable à la

régression linéaire. A la fois les modèles binomiaux (pour les cibles avec deux catégories discrètes) et les modèles multinomiaux (pour les cibles avec plus de deux catégories) sont pris en charge.

La régression logistique crée un ensemble d'équations qui associent les valeurs de champ d'entrée aux probabilités rattachées à chacune des catégories de champ de sortie. Une fois le modèle créé, il peut être utilisé pour générer des probabilités sur de nouvelles données. Pour chaque enregistrement, une probabilité d'appartenance est calculée pour chaque catégorie de sortie. La catégorie cible présentant la plus forte probabilité devient la valeur de sortie prédite de l'enregistrement.

Exemple binomial. Un fournisseur de télécommunications souhaite connaître le nombre de clients qui partent à la concurrence. Grâce aux données d'utilisation du service, vous pouvez créer un modèle binomial pour prévoir quels sont les clients susceptibles de s'adresser à un autre fournisseur et pour personnaliser les offres de façon à fidéliser autant de clients que possible. Le modèle binomial est justifié par le fait que la cible présente deux catégories distinctes (passer à un autre fournisseur/ne pas passer à un autre fournisseur).

Remarque : Pour les modèles binomiaux uniquement, les champs de type chaîne sont limités à huit caractères. Si nécessaire, les chaînes les plus longues peuvent être recodées à l'aide d'un noeud Recoder ou du noeud Anonymiser.

Exemple multinomial. Un fournisseur de services de télécommunication a segmenté sa base de clients par type d'utilisation des services en catégorisant les clients en quatre groupes. En utilisant des données démographiques pour prévoir l'affectation des groupes, vous pouvez créer un modèle multinomial pour classer les clients potentiels dans des groupes, puis personnaliser les offres pour chacun d'entre eux.

Conditions requises. Un ou plusieurs champs d'entrée et un seul champ de cible catégorielle avec deux catégories au minimum. Un modèle binomial requiert une cible avec un niveau de mesure *Indicateur*. Pour un modèle multinomial, la cible peut avoir un niveau de mesure *Indicateur*, ou *Nominal* avec deux catégories minimum. Les champs paramétrés sur *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés.

Puissance. Les modèles de régression logistique sont souvent très précis. Ils peuvent traiter des champs d'entrée symboliques et numériques. Ils peuvent fournir des probabilités prédites pour toutes les catégories cible, ce qui permet d'obtenir facilement une deuxième meilleure prévision. Les modèles logistiques montrent une efficacité optimale lorsque l'affectation des groupes représente un champ réellement catégoriel ; si l'affectation des groupes est basée sur les valeurs d'un champ d'intervalle continu (par exemple, QI élevé contre QI faible), envisagez d'utiliser une régression linéaire pour bénéficier des informations plus riches offertes par l'intervalle complet de valeurs. Les modèles logistiques peuvent également exécuter une sélection automatique des champs, même si d'autres approches comme le composant Sélection de fonction ou les modèles d'arbre exécutent cette sélection plus rapidement sur les jeux de données volumineux. Enfin, étant donné que les modèles logistiques sont bien maîtrisés par de nombreux analystes et Data miners, ils peuvent constituer une référence par rapport à laquelle il est possible de comparer d'autres techniques de modélisation.

Lors du traitement de jeux de données volumineux, vous pouvez considérablement améliorer les performances en désactivant l'option Tests de rapport de vraisemblance (option de résultat avancée). Pour plus d'informations, voir «Sorties avancées du noeud Régression logistique», à la page 188.

Important : Si l'espace du disque temporaire est faible, la régression logistique binomiale risque de ne pas réussir la génération et d'afficher une erreur. Lors de la génération à partir d'un fichier de grande taille (10 Go ou plus), la même quantité d'espace disque libre est nécessaire. Vous pouvez utiliser la variable d'environnement SPSSTMPDIR pour définir l'emplacement du répertoire temporaire.

Noeud Logistique - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Procédure. Spécifie la création d'un modèle binomial ou d'un modèle multinomial. Les options disponibles dans la boîte de dialogue varient selon le type de procédure de modélisation sélectionné.

- **Binomial.** Utilisé lorsque le champ cible est un champ indicateur ou nominal avec deux valeurs discrètes (dichotomiques), telles que *oui*/*non*, *activé*/*désactivé*, *mâle*/*femelle*.
- **Multinomial.** Option utilisée lorsque le champ cible est un champ nominal avec plus de deux valeurs. Vous pouvez spécifier **Effets principaux**, **Factoriel complet** ou **Personnalisé**.

Inclure la constante dans l'équation. Cette option détermine si les équations finales incluront ou non une constante. Il est conseillé de sélectionner cette option dans la plupart des situations.

Modèles binomiaux

Pour les modèles binomiaux, les méthodes et options suivantes sont disponibles :

Méthode. Indiquez la méthode devant être utilisée pour créer le modèle de régression logistique.

- **Entrée.** Cette méthode par défaut intègre directement toutes les caractéristiques dans l'équation. Aucune sélection de champ n'intervient dans la création du modèle.
- **Pas à pas montante.** Cette méthode de sélection de champ construit l'équation par étapes, comme son nom le suggère. Le modèle initial est le modèle le plus simple : son équation ne comporte aucune caractéristique de modèle (à l'exception de la constante). A chaque étape, les caractéristiques qui n'ont pas encore été intégrées au modèle sont évaluées et celles qui améliorent de manière significative la puissance de prévision du modèle sont alors ajoutées au modèle. De plus, les caractéristiques déjà intégrées au modèle sont réévaluées afin de déterminer si certaines d'entre elles peuvent être supprimées sans que cela affecte le fonctionnement du modèle. Si c'est le cas, elles sont supprimées. Le processus se répète et d'autres caractéristiques sont donc ajoutées et/ou supprimées. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, ou qu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, le modèle final est généré.
- **Pas à pas descendante.** Cette méthode est fondamentalement l'opposée de la méthode Pas à pas montante. Avec cette méthode, le modèle initial utilise toutes les caractéristiques en tant que prédicteurs. A chaque étape, les caractéristiques du modèle sont évaluées et celles dont la suppression n'a aucune incidence sur le fonctionnement du modèle sont supprimées. De plus, les caractéristiques précédemment supprimées sont réévaluées afin de déterminer si la meilleure d'entre elles améliore de manière significative la puissance de prévision du modèle. Si c'est le cas, elle est rajoutée au modèle. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, et qu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, le modèle final est généré.

Entrées catégorielles. Répertorie les champs identifiés comme catégoriels, c'est-à-dire ceux avec un niveau de mesure indicateur, nominal ou ordinal. Vous pouvez définir le contraste et la catégorie de base de chaque champ catégoriel.

- **Nom du champ.** Cette colonne indique les noms de champ des entrées catégorielles. Pour ajouter des entrées continues ou numériques à cette colonne, cliquez sur l'icône Ajouter un champ à droite de la liste et sélectionnez les entrées requises.
- **Contraste.** L'interprétation des coefficients de régression d'un champ catégoriel dépend des contrastes utilisés. Le contraste détermine le mode de définition des tests d'hypothèse pour la comparaison des moyennes estimées. Par exemple, si vous savez qu'un champ catégoriel présente un ordre implicite, tel qu'un motif ou un regroupement, vous pouvez utiliser le contraste pour modéliser cet ordre. Les contrastes disponibles sont les suivants :

  Indicateur. Les contrastes indiquent la présence ou l'absence d'appartenance à la modalité. Il s'agit de la méthode par défaut.

  Simple. Chaque catégorie du champ prédicteur, à l'exception de la catégorie de référence, est comparée à la catégorie de référence.

Différence. Chaque catégorie du champ prédicteur, à l'exception de la première catégorie, est comparée à l'effet moyen des catégories précédentes. (Aussi connu sous le nom de contrastes inversés d'Helmert.)

Helmert. Chaque catégorie du champ prédicteur, à l'exception de la dernière catégorie, est comparée à l'effet moyen des catégories suivantes.

Répété. Chaque catégorie du champ prédicteur, à l'exception de la première catégorie, est comparée à la catégorie qui la précède.

Modèle polynomial. Contraste polynomial orthogonal. On part de l'hypothèse que les modalités sont espacées de manière équivalente. Les contrastes polynomiaux ne sont disponibles que pour les champs numériques.

Ecart. Chaque catégorie du champ prédicteur, à l'exception de la catégorie de référence, est comparée à l'effet global.

- **Catégorie de base.** Spécifie la façon dont la catégorie de référence est déterminée pour le type de contraste sélectionné. Sélectionnez **Premiers** afin d'utiliser la première catégorie pour le champ d'entrée (trié dans l'ordre alphabétique) ou **Derniers** pour utiliser la dernière catégorie. La catégorie de base par défaut s'applique à des variables qui sont répertoriées dans la zone **Entrées catégorielles**.

  Remarque : Ce champ n'est pas disponible si le paramètre de contraste est Différence, Helmert, Répété ou Polynomial.

L'estimation de l'effet de chaque champ sur la réponse générale est calculée comme une augmentation ou une diminution de la vraisemblance de chacune des autres catégories en rapport avec la catégorie de référence. Vous pouvez alors éventuellement identifier les champs et valeurs dont la probabilité de fournir une réponse spécifique est plus élevée.

La catégorie de base apparaît dans la sortie sous la forme 0,0. En effet, la comparaison de la catégorie de base avec elle-même engendre un résultat nul. Toutes les autres catégories sont présentées sous forme d'équations en rapport avec la catégorie de base. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle logistique - Détails», à la page 190.

Modèles multinomiaux

Pour les modèles multinomiaux, les méthodes et options suivantes sont disponibles :

Méthode. Indiquez la méthode devant être utilisée pour créer le modèle de régression logistique.

- **Entrée.** Cette méthode par défaut intègre directement toutes les caractéristiques dans l'équation. Aucune sélection de champ n'intervient dans la création du modèle.
- **Pas à pas.** Comme son nom l'indique, la méthode de sélection de champs pas à pas génère l'équation par étapes. Le modèle initial est le modèle le plus simple : son équation ne comporte aucune caractéristique de modèle (à l'exception de la constante). A chaque étape, les caractéristiques qui n'ont pas encore été intégrées au modèle sont évaluées et celles qui améliorent de manière significative la puissance de prévision du modèle sont alors ajoutées au modèle. De plus, les caractéristiques déjà intégrées au modèle sont réévaluées afin de déterminer si certaines d'entre elles peuvent être supprimées sans que cela affecte le fonctionnement du modèle. Si c'est le cas, elles sont supprimées. Le processus se répète et d'autres caractéristiques sont donc ajoutées et/ou supprimées. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, ou qu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, le modèle final est généré.
- **Ascendante.** Cette méthode de sélection des champs est similaire à la méthode Pas à pas dans la mesure où les modèles sont également générés par étapes. Cependant, avec cette méthode, le modèle initial est le modèle le plus simple, et seules la constante et les caractéristiques peuvent être ajoutées à ce modèle. A chaque étape, les caractéristiques non encore intégrées au modèle sont testées : le système évalue leur contribution à l'amélioration du modèle et les meilleures d'entre elles sont ajoutées au modèle final. Lorsqu'il est impossible d'ajouter des caractéristiques supplémentaires, ou que le meilleur candidat lui-même n'améliore pas le modèle de façon significative, le modèle final est généré.

- **Descendante.** Cette méthode est le contraire de la méthode Ascendante. Avec cette méthode, le modèle initial utilise toutes les caractéristiques en tant que prédicteurs. Il est donc seulement possible de supprimer des caractéristiques du modèle. Les caractéristiques de modèle contribuant peu à l'amélioration du modèle sont supprimées une à une : lorsque la suppression d'une autre caractéristique ne peut que dégrader le modèle, le modèle final est généré.
- **Pas à pas descendante.** Cette méthode est le contraire de la méthode Pas à pas. Avec cette méthode, le modèle initial utilise toutes les caractéristiques en tant que prédicteurs. A chaque étape, les caractéristiques du modèle sont évaluées et celles dont la suppression n'a aucune incidence sur le fonctionnement du modèle sont supprimées. De plus, les caractéristiques précédemment supprimées sont réévaluées afin de déterminer si la meilleure d'entre elles améliore de manière significative la puissance de prévision du modèle. Si c'est le cas, elle est rajoutée au modèle. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, et qu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, le modèle final est généré.

Remarque : Les méthodes de sélection de champs automatiques (Pas à pas, Ascendante, et Descendante) sont des méthodes d'apprentissage extrêmement flexibles qui ont une forte tendance à surajuster les données d'apprentissage. Lorsque vous utilisez ces méthodes, il est important de vérifier la validité du modèle généré, soit à l'aide de nouvelles données, soit à l'aide d'un échantillon de test retenu créé à l'aide du noeud Partitionner.

Catégorie de base de la cible. Indique le mode de détermination de la catégorie de référence. Il s'agit de la référence par rapport à laquelle les équations de régression de toutes les autres catégories de la cible sont estimées. Sélectionnez **Premiers** afin d'utiliser la première catégorie pour le champ cible actuel (trié dans l'ordre alphabétique) ou **Derniers** pour utiliser la dernière catégorie. Vous pouvez également sélectionner **Spécifier** pour choisir une catégorie spécifique, puis sélectionner la valeur souhaitée dans la liste. Les valeurs disponibles peuvent être définies pour chaque champ d'un noeud type.

La catégorie spécifiée est souvent celle qui, en tant que catégorie de base, vous intéresse le moins, par exemple un produit d'appel. Les autres catégories sont alors liées à cette catégorie de base de façon relative afin d'identifier ce qui les rend plus susceptibles d'être dans leur propre catégorie. Vous pouvez alors éventuellement identifier les champs et valeurs dont la probabilité de fournir une réponse spécifique est plus élevée.

La catégorie de base apparaît dans la sortie sous la forme 0,0. En effet, la comparaison de la catégorie de base avec elle-même engendre un résultat nul. Toutes les autres catégories sont présentées sous forme d'équations en rapport avec la catégorie de base. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle logistique - Détails», à la page 190.

Type de modèle. Deux options permettent de définir les caractéristiques de votre modèle. Les modèles **Effets principaux** incluent les champs d'entrée individuellement et ne testent pas les interactions (effets multiplicateurs) entre les champs d'entrée. Les modèles **Factoriel complet** incluent toutes les interactions, ainsi que les effets principaux des champs d'entrée. Plus performants dans la capture de relations complexes, les modèles Factoriel complet sont également beaucoup plus difficiles à interpréter et davantage sujets au phénomène de surajustement. En raison du nombre potentiellement élevé de combinaisons possibles, les méthodes de sélection automatique des champs (autres que la méthode Entrée) sont désactivées pour les modèles Factoriel complet. Les modèles **personnalisés** comprennent uniquement les caractéristiques (effets principaux et interactions) que vous indiquez. Lorsque cette option est sélectionnée, utilisez la liste Caractéristiques du modèle pour ajouter des caractéristiques au modèle ou pour en supprimer.

Caractéristiques du modèle. Lorsque vous créez un modèle personnalisé, vous devez indiquer explicitement ses caractéristiques. La liste répertorie toutes les caractéristiques actuelles du modèle. Les boutons situés à droite de la liste Caractéristiques du modèle permettent d'ajouter et de supprimer des caractéristiques (termes) de modèle.

- Pour ajouter des caractéristiques au modèle, cliquez sur le bouton *Ajouter de nouvelles caractéristiques au modèle*.
- Pour supprimer des caractéristiques, sélectionnez-les, puis cliquez sur le bouton *Supprimer les caractéristiques du modèle sélectionné*.

Ajout de caractéristiques à un modèle de régression logistique

Lorsque vous demandez un modèle de régression logistique personnalisé, vous pouvez ajouter des caractéristiques à ce modèle en cliquant sur le bouton *Ajouter de nouvelles caractéristiques au modèle* de l'onglet Modèle de régression logistique. Dans la boîte de dialogue Nouveaux termes qui apparaît, vous pouvez indiquer les caractéristiques souhaitées.

Type de caractéristique à ajouter. Il existe plusieurs méthodes pour ajouter des caractéristiques au modèle. Ces méthodes dépendent de la sélection des champs d'entrée dans la liste Champs disponibles.

- **Interaction simple.** Insère la caractéristique représentant l'interaction de tous les champs sélectionnés.
- **Effets principaux.** Insère une caractéristique effet principal (le champ lui-même) pour chaque champ d'entrée sélectionné.
- **Toutes les interactions bidirectionnelles.** Insère une interaction de second ordre (le produit des champs d'entrée) pour chaque paire possible de champs d'entrée sélectionnés. Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B* et *C* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B*, *A * C* et *B * C*.
- **Toutes les interactions à trois directions.** Insère un terme d'interaction à trois directions (le produit des champs d'entrée) pour chaque combinaison possible de champs d'entrée sélectionnés (trois à la fois). Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B*, *C* et *D* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B * C*, *A * B * D*, *A * C * D* et *B * C * D*.
- **Toutes les interactions à quatre directions.** Insère un terme d'interaction à quatre directions (le produit des champs d'entrée) pour chaque combinaison possible de champs d'entrée sélectionnés (quatre à la fois). Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B*, *C*, *D* et *E* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B * C * D*, *A * B * C * E*, *A * B * D * E*, *A * C * D * E* et *B * C * D * E*.

Champs disponibles. Répertorie les champs d'entrée disponibles à utiliser lors de la création des caractéristiques de modèle.

Aperçu. Affiche les caractéristiques qui seront ajoutées au modèle si vous cliquez sur **Insérer**, en fonction des champs sélectionnés et du type de caractéristique.

Insérer. Insère les caractéristiques du modèle (en fonction des champs et du type de caractéristique sélectionnés), puis ferme la boîte de dialogue.

Noeud Logistique - Options expert

Si vous la régression logistique vous est familière, utilisez les options expert pour affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Echelle (modèles multinomiaux uniquement). Indiquez une valeur d'échelle de dispersion qui servira à corriger l'estimation de la matrice de covariances des paramètres. **Pearson** estime la valeur de l'échelle à l'aide des statistiques du khi-deux de Pearson. L'option **Déviance** estime la valeur de l'échelle en fonction de la déviance (khi-deux du rapport de vraisemblance). Vous pouvez également spécifier votre propre valeur d'échelle. Il doit s'agir d'une valeur numérique positive.

Ajouter toutes les probabilités. Lorsque cette option est sélectionnée, les probabilités de chacune des catégories du champ de sortie sont ajoutées à chacun des enregistrements traités par le noeud. Lorsqu'elle ne l'est pas, seule la probabilité de la catégorie prédite est ajoutée.

Par exemple, un tableau contenant les résultats d'un modèle multinomial avec trois catégories inclura cinq nouvelles colonnes. Une colonne indique la probabilité d'une prévision correcte du résultat ; la colonne suivante indique la probabilité de la prévision d'être une correspondance ou une absence de correspondance et trois colonnes supplémentaires indiquent la probabilité de la prévision de chaque catégorie d'être une correspondance ou une absence de correspondance. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle logistique», à la page 190.

Remarque : Cette option est toujours sélectionnée pour les modèles binomiaux.

Tolérance de singularité. Indiquez la tolérance utilisée pour la vérification des singularités.

Convergence. Ces options vous permettent de contrôler les paramètres de convergence des modèles. Lorsque vous exécutez le modèle, les paramètres de convergence contrôlent le nombre d'exécutions répétées des différents paramètres pour déterminer leur degré d'adéquation. Plus les essais de paramètres sont nombreux, plus les résultats sont proches (en d'autres termes, plus les résultats convergent). Pour plus d'informations, voir «Options de convergence de la régression logistique», à la page 188.

Sortie. Ces options vous permettent de demander des statistiques supplémentaires, qui apparaîtront dans les sorties avancées du nugget du modèle créé par le noeud. Pour plus d'informations, voir «Sorties avancées du noeud Régression logistique», à la page 188.

Pas à pas. Ces options vous permettent de contrôler les critères d'ajout et de suppression des champs avec les méthodes Pas à pas, Ascendante, Descendante ou Pas à pas descendante. (Le bouton est désactivé si la méthode Entrée est sélectionnée.) Pour plus d'informations, voir «Régression logistique - Options pas à pas», à la page 189.

Options de convergence de la régression logistique

Vous pouvez définir les paramètres de convergence pour l'estimation du modèle de régression logistique.

Nombre maximal d'itérations. Indiquez le nombre maximal d'itérations à utiliser pour l'évaluation du modèle.

Découpage maximal d'étape en deux. Cette technique de régression logistique permet de traiter les complexités du processus d'estimation. Dans des circonstances normales, il est conseillé d'utiliser le paramètre par défaut.

Convergence du log de vraisemblance. Les itérations sont interrompues lorsque la modification relative du log de vraisemblance est inférieure à la valeur indiquée. Le critère n'est pas utilisé si la valeur est 0.

Convergence des paramètres. Les itérations sont interrompues lorsque la modification absolue ou relative des estimations des paramètres est inférieure à la valeur indiquée. Le critère n'est pas utilisé si la valeur est 0.

Delta (modèles multinomiaux uniquement). Spécifiez une valeur comprise entre 0 et 1 qui sera ajoutée à chacune des cellules vides (combinaison des valeurs des champs d'entrée et de sortie). L'algorithme d'estimation peut ainsi traiter des données dans lesquelles un grand nombre de combinaisons de valeurs de champ sont possibles (lorsqu'il existe un grand nombre d'enregistrements). La valeur par défaut est 0.

Sorties avancées du noeud Régression logistique

Sélectionnez le résultat facultatif à afficher dans la sortie avancée du nugget de modèle de régression. Pour visualiser les sorties avancées, parcourez le nugget du modèle et cliquez sur l'onglet **Options avancées**. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle Logistique - Sorties avancées», à la page 192.

Options binomiales

Sélectionnez les types de sortie à générer pour le modèle. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle Logistique - Sorties avancées», à la page 192.

Afficher. Choisissez d'afficher les résultats à chaque étape ou à la fin de toutes les étapes.

IC pour exp(B) Sélectionnez les intervalles de confiance pour chaque coefficient (indiqué sous la forme Bêta) de l'expression. Indiquez le niveau de l'intervalle de confiance (la valeur par défaut étant 95 %).

Diagnostic des résidus. Demande un tableau de diagnostic des observations des résidus.

- **Valeurs extrêmes en dehors (écart type.).** Indique uniquement les observations résiduelles pour lesquelles la valeur standardisée absolue de la variable répertoriée est au moins aussi grande que la valeur spécifiée. La valeur par défaut est 2.

- **Toutes les observations.** Inclut toutes les observations dans le tableau de diagnostic des observations des résidus.

  Remarque : Etant donné que cette option répertorie chaque enregistrement d'entrée, elle peut aboutir à un tableau exceptionnellement grand dans le rapport, avec une ligne pour chaque enregistrement.

Césure de classification. Permet de déterminer le point de césure pour la classification des observations. Les observations avec des prévisions qui excèdent la limite de classification sont classées positives tandis que celles dont les prévisions sont inférieures à la limite sont classées négatives. Pour modifier la valeur par défaut, entrez une valeur entre 0.01 et 0.99.

Options multinomiales

Sélectionnez les types de sortie à générer pour le modèle. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle Logistique - Sorties avancées», à la page 192.

Remarque : La sélection de l'option de **tests de rapport de vraisemblance** accroît considérablement la durée de création d'un modèle de régression logistique. Si la création du modèle s'avère trop longue, désactivez cette option ou utilisez les statistiques de Wald et de score. Pour plus d'informations, voir «Régression logistique - Options pas à pas», à la page 189.

Historique d'itération de chaque. Sélectionnez l'intervalle d'étape devant être utilisé pour l'impression du statut de l'itération dans la sortie avancée.

Intervalle de confiance. Intervalles de confiance des coefficients dans les équations. Indiquez le niveau de l'intervalle de confiance (la valeur par défaut étant 95 %).

Régression logistique - Options pas à pas

Ces options vous permettent de contrôler les critères d'ajout et de suppression des champs avec les méthodes Pas à pas, Ascendante, Descendante ou Pas à pas descendante.

Nombre de termes du modèle (modèles multinomiaux uniquement). Vous pouvez indiquer le nombre minimal de caractéristiques pour les modèles Descendante et Pas à pas descendante, ainsi que le nombre maximal de caractéristiques pour les modèles Ascendante et Pas à pas. Si vous indiquez une valeur minimale supérieure à 0, le modèle contiendra le nombre de caractéristiques indiqué alors que certaines d'entre elles auraient été supprimées sur la base des critères statistiques. La valeur minimale est ignorée pour les modèles Ascendante, Pas à pas et Entrée. Si vous indiquez une valeur maximale, certaines caractéristiques peuvent être supprimées du modèle, alors qu'elles auraient été sélectionnées sur la base des critères statistiques. Le paramètre **Indiquer valeur maximale** est ignoré pour les modèles Descendante, Pas à pas descendante et Entrée.

Critère d'entrée (modèles multinomiaux uniquement). Sélectionnez **Score** pour optimiser la vitesse du traitement. L'option **Rapport de vraisemblance** peut fournir des estimations un peu plus fiables, mais les calculs effectués sont plus longs. Par défaut, il convient d'utiliser les statistiques de score.

Critère de suppression. Sélectionnez **Rapport de vraisemblance** pour obtenir un modèle plus fiable. Pour réduire la durée de création de ce modèle, vous pouvez essayer de sélectionner **Wald**. Toutefois, si les données sont totalement ou quasiment séparées (ce que vous pouvez déterminer dans l'onglet Options avancées du nugget de modèle), les statistiques de Wald ne sont pas fiables et ne doivent pas être utilisées. Par défaut, il convient d'utiliser les statistiques de rapport de vraisemblance. Pour les modèles binomiaux, il existe l'option supplémentaire **Conditionnel**. Elle fournit un test de suppression basé sur la probabilité de la statistique du rapport de vraisemblance, en fonction des estimations des paramètres conditionnels.

Seuils de signification des critères. Cette option vous permet de spécifier des critères de sélection basés sur la probabilité statistique (la valeur *p*) associée à chaque champ. Les champs sont ajoutés au modèle uniquement si la valeur *p* associée est inférieure à la valeur spécifiée dans le champ **Entrée** ; ils sont supprimés uniquement si la valeur *p* est supérieure à la valeur spécifiée dans le champ **Suppression**. La valeur du champ **Entrée** doit être inférieure à la valeur du champ **Suppression**.

Conditions requises de saisie ou de suppression (modèles multinomiaux uniquement). Pour certaines applications, l'ajout de caractéristiques d'interaction au modèle n'a aucun sens mathématique, sauf si le modèle contient également les caractéristiques d'ordre inférieur pour les champs concernés par la

caractéristique d'interaction. Par exemple, l'ajout de *A * B* au modèle peut n'avoir aucun sens, sauf si *A* et *B* font également partie du modèle. Les options suivantes vous permettent de déterminer le mode de traitement de ces dépendances au cours de la sélection des caractéristiques pas à pas.

- **Hiérarchie des effets discrets.** Les effets d'ordre supérieur (interactions impliquant plus de champs) seront ajoutés au modèle uniquement si tous les effets d'ordre inférieur (effets principaux ou interactions impliquant moins de champs) des champs correspondants se trouvent déjà dans le modèle. De plus, les effets d'ordre inférieur ne seront pas supprimés si les effets d'ordre supérieur impliquant les mêmes champs se trouvent dans le modèle. Cette option s'applique uniquement aux champs catégoriels.
- **Hiérarchie de tous les effets.** Cette option fonctionne de la même façon que l'option précédente, sauf qu'elle s'applique à tous les champs d'entrée.
- **Imbrication de tous les effets.** Les effets peuvent être inclus dans le modèle uniquement si tous les effets contenus dans un effet sont également inclus dans le modèle. Cette option est identique à l'option **Hiérarchie de tous les effets**, sauf que les champs continus sont traités de manière quelque peu différente. Pour un effet qui doit en contenir un autre, l'effet (d'ordre inférieur) contenu doit comprendre *tous* les champs continus de l'effet (d'ordre supérieur) contenant et tous les champs catégoriels de l'effet contenu doivent représenter un sous-ensemble de ceux qui se trouvent dans l'effet contenant. Par exemple, si *A* et *B* sont des champs catégoriels et que *X* est un champ continu, la caractéristique *A * B * X* contient les caractéristiques *A * X* et *B * X*.
- **Aucune.** Aucune relation n'est appliquée : les caractéristiques sont ajoutées et supprimées séparément dans le modèle.

Nugget de modèle logistique

Un nugget de modèle logistique représente l'équation estimée par un noeud Logistique. Il contient toutes les informations rassemblées par le modèle de régression logistique, ainsi que des informations sur la structure et les performances du modèle. Ce type d'équation peut également être généré par d'autres modèles comme Oracle SVM.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèle logistique, le noeud crée deux champs contenant la prévision du modèle et la probabilité associée. Les noms des nouveaux champs sont formés du nom du champ de sortie sur lequel porte la prévision, auquel est ajouté le préfixe *$L-* pour désigner la catégorie de prévision et *$LP-* pour désigner le champ de la probabilité associée. Par exemple, si le nom du champ de sortie est *prefcoul*, les nouveaux champs seront alors intitulés *$L-prefcoul* et *$LP-prefcoul*. De plus, si vous avez sélectionné l'option **Ajouter toutes les probabilités** dans le noeud Logistique, un champ supplémentaire sera créé pour chaque catégorie du champ de sortie et affichera la probabilité associée à la catégorie. Les noms de ces champs supplémentaires sont basés sur les valeurs du champ de sortie auxquelles le préfixe *$LP-* est ajouté. Par exemple, si les valeurs valides du champ *prefcoul* sont *Rouge*, *Vert* et *Bleu*, les trois nouveaux champs suivants sont ajoutés : *$LP-Rouge*, *$LP-Vert* et *$LP-Bleu*.

Génération d'un noeud filtre. Le menu Générer vous permet de créer un noeud filtre pour transmettre des champs d'entrée en fonction des résultats du modèle. Les champs supprimés du modèle à cause de la multicolinéarité sont filtrés par le noeud généré, ainsi que les champs qui ne sont pas utilisés dans le modèle.

Nugget de modèle logistique - Détails

Pour des modèles multinomiaux, l'onglet Modèle d'un nugget de modèle logistique possède un affichage divisé avec les équations du modèle dans le panneau gauche et l'importance des prédicteurs dans le panneau droit. Pour des modèles binomiaux, l'onglet affiche uniquement l'importance des prédicteurs. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Equations de modèle

Pour des modèles multinomiaux, le panneau de gauche affiche les équations réelles estimées pour le modèle de régression logistique. Il y a une équation par catégorie dans le champ cible, à l'exception de la catégorie de référence. Les équations apparaissent sous forme d'arbres. Ce type d'équation peut également être généré par certains autres modèles tels qu'Oracle SVM.

Equation de. Affiche les équations de régression utilisées pour calculer les probabilités de catégorie cible, selon un ensemble de prédicteurs. La dernière catégorie du champ cible est considérée comme la **catégorie de référence**. Les équations affichées donnent les log-odds des autres catégories cible par rapport à la référence, pour un ensemble particulier de prédicteurs. La probabilité prédite de chaque catégorie du modèle de prédicteur indiqué provient de ces valeurs de log-odds.

Comment les probabilités sont calculées

Chaque équation calcule les log-odds d'une catégorie cible donnée, par rapport à la catégorie de référence. Les **log-odds**, ou **logits**, sont le rapport de la probabilité de la catégorie cible spécifiée sur celui de la catégorie de référence, la fonction de logarithme naturel étant appliquée au résultat. Pour la catégorie de référence, l'incidence de la catégorie par rapport à elle-même est de 1,0. Les log-odds ont donc pour valeur 0. Pour simplifier, imaginez qu'il s'agit d'une équation implicite de la catégorie de référence où tous les coefficients ont pour valeur 0.

Pour calculer la probabilité à partir des log-odds d'une catégorie cible précise, reprenez la valeur de logit calculée par l'équation de cette catégorie et appliquez la formule suivante :

$P(group_i) = \exp(g_i) / \Sigma_k \exp(g_k)$

g correspondant aux log-odds calculés, *i* à l'index de catégorie et *k* étant compris entre 1 et le nombre de catégories cible.

importance des prédicteurs

Un graphique illustrant l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle peut également être affiché dans l'onglet Modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Ce graphique n'est disponible que si **Calculer l'importance des prédicteurs** a été sélectionné dans l'onglet Analyse avant la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Remarque : Le calcul de l'importance des prédicteurs peut prendre davantage de temps pour une régression logistique que pour d'autres types de modèles et il n'est pas sélectionné par défaut dans l'onglet Analyse. La sélection de cette option peut ralentir les performances, en particulier pour des jeux de données volumineux.

Nugget de modèle logistique - Récapitulatif

Le récapitulatif d'un modèle de régression logistique affiche les champs et paramètres utilisés pour la génération du modèle. En outre, si vous avez exécuté un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figureront également dans cette section. Pour obtenir des informations générales quant à l'utilisation du navigateur de modèle, reportez-vous à «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Nugget de modèle logistique - Paramètres

L'onglet Paramètres d'un nugget de modèle logistique propose des options pour les confiances, les probabilités, les scores de propension et la génération SQL lors du scoring du modèle. Cet onglet est uniquement disponible une fois que le nugget de modèle a été ajouté à un flux et affiche différentes options en fonction du type de modèle et de cible.

Modèles multinomiaux

Pour les modèles multinomiaux, les options suivantes sont disponibles.

Calculer les confiances Indique si les confiances sont calculées au cours de la détermination du score.

Calculer les scores de propension brute (cibles indicateur uniquement) Pour les modèles disposant de cibles indicateur uniquement, vous pouvez demander des scores de propension brute qui indiquent la probabilité du résultat vrai (`true`) spécifié pour le champ cible. Ceux-ci s'ajoutent aux valeurs standard de prédiction et de confiance. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options d'analyse des noeuds modélisation», à la page 33.

Ajouter toutes les probabilités Spécifie l'ajout ou le non-ajout des probabilités de chacune des catégories du champ de sortie à chacun des enregistrements traités par le noeud. Lorsqu'elle ne l'est pas, seule la probabilité de la catégorie prédite est ajoutée. Pour une cible nominale comportant trois catégories, par exemple, la sortie du scoring comprend une colonne pour chacune des trois catégories, plus une quatrième colonne qui indique la probabilité pour toute catégorie prédite. Par exemple, si les probabilités des catégories *Rouge*, *Vert* et *Bleu* valent respectivement 0,6, 0,3, et 0,1, la catégorie prédite est *Rouge*, avec une probabilité de 0,6.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Calculer en convertissant en SQL natif** Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données.

  Remarque : Bien que cette option fournisse des résultats plus rapides, la taille et la complexité du SQL natif augmentent à mesure que le modèle se complexifie.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Remarque : Pour des modèles multinomiaux, la génération SQL n'est pas disponible si l'option **Ajouter toutes les probabilités** a été sélectionnée, ou pour des modèles comportant des cibles nominales si l'option **Calculer les confiances** a été sélectionnée. La génération SQL avec calculs de confiance est prise en charge uniquement pour les modèles multinomiaux comportant des cibles indicateur. La génération SQL n'est pas disponible pour les modèles binomiaux.

Modèles binomiaux

Pour les modèles binomiaux, les confiances et les probabilités sont toujours activées et les paramètres qui vous permettraient de désactiver ces options ne sont pas disponibles. La génération SQL n'est pas disponible pour les modèles binomiaux. Le seul paramètre modifiable pour les modèles binomiaux est la capacité à calculer des scores de propension brute. Comme indiqué précédemment pour les modèles multinomiaux, cela ne s'applique qu'aux modèles comportant des cibles indicateur. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options d'analyse des noeuds modélisation», à la page 33.

Nugget de modèle Logistique - Sorties avancées

La sortie avancée de la régression logistique (également appelée **régression nominale**) fournit des informations détaillées sur le modèle évalué et ses performances. Dans la mesure où la plupart des informations contenues dans la sortie avancée ont un caractère technique, il est nécessaire d'avoir une bonne connaissance de l'analyse de régression logistique pour pouvoir les interpréter correctement.

Avertissements. Indique tout avertissement ou problème potentiel relatif aux résultats.

Récapitulatif du traitement des observations. Répertorie le nombre d'enregistrements traités pour chaque champ symbolique que contient le modèle.

Récapitulatif des étapes (facultatif). Répertorie les effets ajoutés ou supprimés à chaque étape de la création du modèle, lorsque la sélection automatique des champs est utilisée.

Remarque : Affiché uniquement pour les méthodes Pas à pas, Ascendante, Descendante et Pas à pas descendante.

Historique des itérations (facultatif). Affiche l'historique des itérations d'estimations des paramètres toutes les *n* itérations, en commençant par les estimations initiales, où *n* est la valeur de l'intervalle d'impression. La valeur par défaut consiste à imprimer chaque itération (n=1).

Informations sur l'ajustement du modèle (modèles multinomiaux). Affiche le test de rapport de vraisemblance de votre modèle final comparé à un test dans lequel tous les coefficients des paramètres sont égaux à 0 (seulement la constante).

Classification (facultatif). Affiche la matrice des valeurs prédites et réelles des champs de sortie, ainsi que des pourcentages.

Qualités d'ajustement des statistiques du khi-deux (facultatif). Affiche les statistiques du khi-deux de Pearson et du rapport de vraisemblance. Ces statistiques permettent de tester l'ajustement global du modèle aux données d'apprentissage.

Qualité d'ajustement Hosmer-Lemeshow (facultatif). Affiche les résultats du groupement des observations en déciles de risque et de la comparaison entre la probabilité observée et la probabilité attendue au sein de chaque décile. Cette statistique de qualité d'ajustement est plus fiable que la statistique de qualité d'ajustement traditionnelle utilisée dans les modèles multinomiaux, notamment pour les modèles avec des covariables continues et les études avec des échantillons de petite taille.

Pseudo R-carré (facultatif). Affiche les mesures *R*-deux d'ajustement du modèle de Cox et Snell, Nagelkerke et McFadden. Ces statistiques sont quasi-identiques à *R*-deux de la régression linéaire.

Mesures de monotonie (facultatif). Affiche le nombre de paires concordantes, de paires discordantes et de paires reliées dans les données, ainsi que le pourcentage du nombre total de paires que chaque catégorie représente. Le D de Somers, le Gamma de Goodman et Kruskal, le Tau-a de Kendall et l'Indice de concordance C apparaissent également dans ce tableau.

Critères d'informations (facultatif). Affiche les critères d'informations d'Akaike (AIC) et les critères d'informations bayesien de Schwarz (BIC).

Tests de rapport de vraisemblance (facultatif). Affiche les statistiques permettant de vérifier que les coefficients des effets du modèle sont statistiquement différents de 0. Les champs d'entrée sont ceux dont les niveaux de signification de sortie sont peu importants (indiqués par *Sig.*).

Estimations des paramètres (facultatif). Affiche des estimations des coefficients de l'équation, les tests de ces coefficients, les ratios d'incidence approchés obtenus à partir des coefficients (intitulés *Exp(B)*) et les intervalles de confiance de ces ratios d'incidence approchés.

Covariance asymptotique/Matrice de corrélations (facultatif). Affiche les covariances et/ou corrélations asymptotiques des estimations des coefficients.

Fréquences observées et prédites (facultatif). Pour chaque paramètre de covariable, indique les fréquences observées et prédites de chaque valeur de champ de sortie. Ce tableau peut être d'une taille relativement importante, notamment pour les modèles comportant des champs d'entrée numériques. Si la taille de ce tableau est trop importante, il n'est pas généré et un avertissement apparaît.

Noeud ACP/Analyse factorielle

Le noeud ACP/Analyse factorielle propose des techniques de factorisation puissantes qui vous permettent de réduire la complexité de vos données. Deux approches similaires mais distinctes sont disponibles.

- L'**analyse en composantes principales (ACP)** recherche les combinaisons linéaires des champs d'entrée qui permettent de capturer au mieux la variance dans l'ensemble de champs, où les composantes sont orthogonales (perpendiculaires) les unes par rapport aux autres. La technique ACP se concentre sur tous les types de variance, y compris les variances partagée et unique.
- L'**analyse factorielle** a pour but d'identifier les concepts sous-jacents, appelés **facteurs**, qui expliquent la tendance des corrélations dans un ensemble de champs observés. L'analyse factorielle se concentre uniquement sur la variance partagée. Une variance unique propre à certains champs n'est pas prise en compte dans l'estimation du modèle. Le noeud Analyse factorielle/ACP comporte plusieurs méthodes d'analyse factorielle.

Quelle que soit l'approche choisie, le but consiste à trouver un nombre limité de champs dérivés récapitulant les informations contenues dans l'ensemble de champs d'origine.

Conditions requises. Seuls les champs numériques peuvent être utilisés dans un modèle factoriel-ACP. L'estimation d'une analyse factorielle ou d'une ACP requiert l'utilisation d'au moins un champ avec le rôle défini sur les champs d'*entrée*. Les champs avec le rôle défini sur *Cible*, *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés, tout comme les champs non numériques.

Puissance. L'analyse factorielle et l'analyse ACP permettent de réduire la complexité de vos données sans pour autant sacrifier leur contenu informatif. Elles génèrent des modèles robustes, dont l'exécution est plus rapide qu'avec des champs d'entrée bruts.

Noeud ACP/Analyse factorielle – Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Méthode d'extraction. Indiquez la méthode de factorisation.

- **Composantes principales.** Il s'agit de la méthode par défaut : l'analyse en composantes principales recherche les composantes qui récapitulent les champs d'entrée.
- **Moindres carrés non pondérés.** Cette méthode d'analyse factorielle recherche l'ensemble de facteurs pouvant reproduire le modèle des relations (corrélations) entre les champs d'entrée.
- **Moindres carrés généralisés.** Cette méthode d'analyse factorielle, similaire à celle des moindres carrés non pondérés, utilise une technique de pondération afin de donner moins de valeur aux champs présentant une variance unique (non partagée).
- **Maximum de vraisemblance.** Cette méthode d'analyse factorielle génère les équations factorielles qui sont les plus susceptibles d'avoir produit le modèle de relations (corrélations) observé dans les champs d'entrée, en se basant sur des hypothèses relatives à la forme de ces relations. Le principe de départ de cette méthode est que les données d'apprentissage ont une distribution multivariable normale.
- **Factorisation en axes principaux.** Cette méthode d'analyse factorielle, très proche de l'analyse en composantes principales, se concentre exclusivement sur la variance partagée.
- **Factorisation alpha.** Cette méthode d'analyse factorielle considère les champs à analyser comme un échantillon des champs d'entrée potentiels. Elle maximise la fiabilité statistique des facteurs.
- **Factorisation en projections.** Cette méthode d'analyse factorielle utilise la technique d'estimation des données afin d'isoler la variance commune, ainsi que ses facteurs descriptifs.

Noeud ACP/Analyse factorielle – Options expert

Si vous êtes familier des analyses factorielles et en composantes principales, utilisez les options expert pour affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Valeurs manquantes. Par défaut, IBM SPSS Modeler utilise exclusivement les enregistrements dont les valeurs sont valides pour tous les champs du modèle. (Cette stratégie est parfois appelée **suppression des observations incomplètes** des valeurs manquantes.) S'il manque un grand nombre de données, cette stratégie risque d'éliminer trop d'enregistrements ; par conséquent, la quantité de données disponibles peut être insuffisante pour générer un modèle pertinent. Dans ce cas, désélectionnez l'option **N'utiliser que les enregistrements complets**. IBM SPSS Modeler essaiera alors d'utiliser le plus de données possible pour évaluer le modèle, y compris des enregistrements dont certains champs contiennent des valeurs manquantes. (Cette stratégie est parfois appelée **suppression des valeurs manquantes appariées**.) Toutefois dans certains cas, l'utilisation d'enregistrements incomplets peut entraîner des difficultés pour le calcul de l'estimation du modèle.

Champs. Choisissez la matrice de corrélation (option par défaut) ou la matrice de covariances des champs d'entrée pour l'estimation du modèle.

Itérations maximales pour convergence. Indiquez le nombre maximal d'itérations à utiliser pour l'évaluation du modèle.

Extraire facteurs. Vous pouvez sélectionner le nombre de facteurs à extraire des champs d'entrée de deux manières différentes.

- **Valeurs propres supérieures à.** Cette option permet de conserver tous les facteurs ou composantes dont les valeurs propres sont supérieures au critère spécifié. Les **valeurs propres** mesurent la capacité de chaque facteur ou composante à récapituler la variance dans l'ensemble des champs d'entrée. Si vous optez pour la matrice de corrélation, le modèle conservera tous les facteurs ou composantes dont les valeurs propres sont supérieures à la valeur spécifiée. Si vous préférez utiliser la matrice de covariances, le critère sera égal à la valeur spécifiée, multipliée par la valeur propre moyenne. Cette mise à l'échelle permet de donner des résultats similaires quelle que soit la matrice utilisée.
- **Nombre maximal.** Cette option permet de conserver le nombre spécifié de facteurs ou de composantes par ordre décroissant des valeurs propres. Autrement dit, les facteurs ou composantes correspondant aux *n* valeurs propres les plus élevées sont conservé (où *n* correspond au critère spécifié). Le critère d'extraction par défaut est de cinq facteurs/composantes.

Format de la matrice factorielle (des composantes). Ces options contrôlent le format de la matrice factorielle (ou de la matrice des composantes pour les modèles ACP).

- **Trier les valeurs.** Lorsque cette option est sélectionnée, les facteurs sont triés selon leur pondération (valeur numérique) dans la sortie du modèle.
- **Masquer les valeurs inférieures à.** Si cette option est sélectionnée, les scores inférieurs au seuil spécifié sont masqués dans la matrice, ce qui permet de voir plus facilement les caractéristiques de la matrice.

Rotation. Ces options vous permettent de contrôler la méthode de rotation à appliquer au modèle. Pour plus d'informations, voir «Noeud ACP/Analyse factorielle – Options de rotation», à la page 195.

Noeud ACP/Analyse factorielle – Options de rotation

De manière générale, le fait d'effectuer une rotation mathématique sur l'ensemble des facteurs conservés permet de faciliter leur interprétation. Sélectionnez une méthode de rotation :

- **Aucune rotation.** Il s'agit de l'option par défaut. Aucune rotation n'est effectuée.
- **Varimax.** Méthode de rotation orthogonale permettant de minimiser le nombre de champs qui pondèrent fortement chacun des facteurs. Cette méthode permet de simplifier l'interprétation des facteurs.
- **Oblimin directe.** Méthode de rotation oblique (non orthogonale). Lorsque le paramètre **Delta** est paramétré sur 0 (valeur par défaut), les solutions sont obliques. Plus la valeur de delta est négative, moins les facteurs sont obliques. Pour remplacer la valeur nulle par défaut de delta, entrez un nombre inférieur ou égal à 0,8.
- **Quartimax.** Méthode orthogonale qui minimise le nombre de facteurs requis pour expliquer chaque champ. Cette méthode permet de simplifier l'interprétation des champs observés.
- **Equamax.** Méthode de rotation qui combine la méthode Varimax, simplifiant les facteurs, et la méthode Quartimax, simplifiant les champs. Le nombre de champs pondérant fortement un facteur et le nombre de facteurs nécessaires pour expliquer un champ sont minimisés.
- **Promax.** Rotation oblique qui permet la corrélation des facteurs. Son calcul étant plus rapide que celui d'une rotation Oblimin directe, cette méthode s'avère particulièrement utile pour traiter des volumes importants de données. **Kappa** contrôle l'obliquité de la solution (dans quelle mesure les facteurs peuvent être corrélés).

Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle

Un nugget de modèle ACP/Analyse factorielle représente le modèle d'analyse factorielle et d'analyse de la composante principale (ACP) créés par un noeud ACP/Analyse factorielle. Ils contiennent toutes les

informations rassemblées par le réseau formé, ainsi que des informations sur les performances et les caractéristiques du modèle.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un modèle Equation factorielle, le noeud crée un champ pour chaque facteur ou composant que comporte le modèle. Les noms attribués aux nouveaux champs sont constitués du nom du modèle auquel le préfixe *$F-* et le suffixe *-n* sont ajoutés, *n* correspondant au numéro du facteur ou de la composante. Par exemple, si le nom de votre modèle est intitulé *Facteur* et si le modèle contient trois facteurs, les noms des nouveaux champs sont *$F-Facteur-1*, *$F-Facteur-2* et *$F-Facteur-3*.

Pour mieux comprendre ce qui a été codé par le modèle factoriel, vous pouvez effectuer une analyse en aval approfondie. L'une des méthodes permettant d'évaluer un modèle factoriel consiste à afficher les corrélations entre les facteurs et les champs d'entrée à l'aide d'un noeud Statistiques. Cette méthode vous permet de voir quels champs d'entrée ont un poids important sur les facteurs et donc de déterminer si les facteurs ont une signification sous-jacente.

Vous pouvez également évaluer le modèle factoriel en utilisant les informations fournies par la sortie avancée. Pour afficher les options de sortie avancées, cliquez sur l'onglet **Options avancées** du navigateur de nugget de modèle. La sortie avancée contient une grande quantité d'informations détaillées et est destinée aux utilisateurs ayant une connaissance approfondie de l'analyse factorielle et de l'analyse en composantes principales. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle - Sorties avancées», à la page 196.

Equations de nugget de modèle ACP/Analyse factorielle

L'onglet Modèle d'un nugget de modèle factoriel affiche l'équation des scores factoriels de chaque facteur. Les scores des facteurs ou des composantes sont calculés en multipliant chaque champ d'entrée par son coefficient et en additionnant les résultats obtenus.

Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle - Récapitulatif

L'onglet Récapitulatif d'un modèle factoriel affiche le nombre de facteurs conservés dans le modèle facteur/ACP, ainsi que des informations supplémentaires relatives aux champs et paramètres utilisés dans la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Nugget de modèle ACP/Analyse factorielle - Sorties avancées

La sortie avancée de l'analyse factorielle vous fournit des informations détaillées sur le modèle évalué et ses performances. Dans la mesure où la plupart des informations contenues dans la sortie avancée ont un caractère technique, il est nécessaire d'avoir une bonne connaissance de l'analyse factorielle pour pouvoir interpréter cette sortie correctement.

Avertissements. Indique tout avertissement ou problème potentiel relatif aux résultats.

Qualité de représentation. Affiche la proportion de la variance de chaque champ due aux facteurs ou composantes. La colonne *Initial* indique la qualité de représentation initiale obtenue avec la totalité des facteurs (au départ, le modèle utilise un nombre donné de facteurs comme champs d'entrée) et la colonne *Extraction* indique la qualité de représentation obtenue avec les facteurs retenus.

Variance totale expliquée. Affiche la variance totale due aux facteurs utilisés par le modèle. *Valeurs propres initiales* affiche la variance due aux facteurs initiaux. *Sommes des carrés des facteurs retenus* affiche la variance due aux facteurs retenus par le modèle. *Sommes des carrés pour la rotation* affiche la variance due à la rotation des facteurs. Notez que pour les rotations obliques, le paramètre *Sommes des carrés pour la rotation* indique uniquement les sommes des carrés et n'affiche pas les pourcentages des variances.

Matrice factorielle (des composantes). Affiche les corrélations entre les champs d'entrée et les facteurs avant rotation.

Matrice factorielle (des composantes) après rotation. Affiche pour les rotations orthogonales les corrélations entre les champs d'entrée et les facteurs ayant subi une rotation.

Matrice des types. Affiche pour les rotations obliques les corrélations partielles entre les champs d'entrée et les facteurs ayant subi une rotation.

Matrice de structure. Affiche pour les rotations obliques les corrélations simples entre les champs d'entrée et les facteurs ayant fait l'objet d'une rotation.

Matrice de corrélation factorielle. Affiche les corrélations entre les facteurs pour les rotations obliques.

noeud discriminant

L'analyse discriminante crée un modèle prédictif pour l'affectation des groupes. Le modèle est composé d'une fonction discriminante (ou, pour plus de deux groupes, d'un ensemble de fonctions discriminantes) basée sur les combinaisons linéaires des variables de prédicteur offrant la meilleure discrimination entre les groupes. Les fonctions sont générées à partir d'un échantillon d'observations pour lesquelles l'affectation des groupes est connue. Les fonctions peuvent alors être appliquées à de nouvelles observations bénéficiant de mesures pour les variables de prédicteur, mais dont l'affectation des groupes est inconnue.

Exemple. Une société de télécommunications peut utiliser l'analyse discriminante pour classer les clients par groupes en fonction de l'utilisation des données. Ceci lui permet d'évaluer les clients potentiels et de cibler ceux qui sont le plus susceptibles d'appartenir à des groupes importants.

Conditions requises. Vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs d'entrée et précisément d'un champ cible. La cible doit être un champ catégoriel (avec un niveau de mesure *Indicateur* ou *Nominal*) avec stockage de chaîne ou d'entier. (Le stockage peut être converti à l'aide d'un noeud Remplacer ou Calculer si nécessaire). Les champs paramétrés sur *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés.

Puissance. L'analyse discriminante et la régression logistique sont des modèles de classification supervisée. Toutefois, l'analyse discriminante formule plus d'hypothèses sur les champs d'entrée. Par exemple, elle suppose qu'ils sont normalement distribués, continus, et qu'ils donnent de meilleurs résultats si ces conditions sont remplies, en particulier si la taille de l'échantillon est réduite.

Noeud discriminant - Options de modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Méthode. Les options suivantes sont disponibles pour la saisie de prédicteurs dans le modèle :

- **Entrée.** Cette méthode par défaut intègre directement toutes les caractéristiques dans l'équation. les termes qui n'améliorent pas la puissance de prévision du modèle de manière significative ne sont pas ajoutés.
- **Pas à pas.** Le modèle initial est le modèle le plus simple : son équation ne comporte aucune caractéristique de modèle (à l'exception de la constante). A chaque étape, les caractéristiques qui n'ont pas encore été intégrées au modèle sont évaluées et celles qui améliorent de manière significative la puissance de prévision du modèle sont alors ajoutées au modèle.

Remarque : La méthode Pas à pas a une forte tendance à surajuster les données d'apprentissage. Lorsque vous utilisez ces méthodes, il est important de vérifier la validité du modèle généré, soit à l'aide d'un échantillon de test retenu soit à l'aide de nouvelles données.

Noeud discriminant - Options Expert

Si vous êtes familier de l'analyse discriminante, utilisez les options expert pour affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le **mode** sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Probabilités a priori. Cette option détermine si les coefficients de classification supervisée sont ajustés pour une connaissance a priori de l'affectation des groupes.

- **Tous les groupes égaux.** Des probabilités a priori égales sont supposées pour tous les groupes et cela n'a aucun effet sur les coefficients.
- **Calculer à partir des tailles de groupe.** La taille des groupes observée dans l'échantillon détermine les probabilités a priori de l'affectation des groupes. Par exemple, si 50 % des observations incluses dans l'analyse sont rattachées au premier groupe, 25 % au deuxième et 25 % au troisième, les coefficients de classification supervisée sont ajustés pour augmenter la probabilité d'appartenance au premier groupe par rapport aux deux autres.

Utiliser la matrice de covariance. Vous pouvez choisir de classer les observations en utilisant une matrice de covariances intragroupes ou une matrice de covariances par groupes distincts.

- *Au sein des groupes*. La matrice de covariances intra-groupes regroupée en pool est utilisée pour classifier les observations.
- *Groupes distincts*. Les matrices de covariance par groupes distincts sont utilisées pour la classification. Comme la classification repose sur les fonctions discriminantes et non sur les variables d'origine, cette option n'est pas toujours équivalente à la discrimination quadratique.

Sortie. Ces options vous permettent de demander des statistiques supplémentaires, qui apparaîtront dans les sorties avancées du nugget du modèle créé par le noeud. Pour plus d'informations, voir «Noeud discriminant - Options de sortie», à la page 198.

Pas à pas. Ces options vous permettent de contrôler les critères d'ajout et de suppression des champs avec la méthode d'estimation Pas à pas. (Le bouton est désactivé si la méthode Entrée est sélectionnée.) Pour plus d'informations, voir «Noeud discriminant - Options pas à pas», à la page 199.

Noeud discriminant - Options de sortie

Sélectionnez la sortie facultative à afficher dans la sortie avancée du nugget du modèle de régression logistique. Pour visualiser les sorties avancées, parcourez le nugget du modèle et cliquez sur l'onglet **Options avancées**. Pour plus d'informations, voir «Sortie avancée du nugget du modèle discriminant», à la page 200.

Descriptives. Les options disponibles sont les moyennes (y compris les écarts-types), les ANOVA univariées et le test *M* de Box.

- *moyennes*. Affiche les moyennes totales et les moyennes de groupe, ainsi que l'écart type des variables indépendantes.
- *ANOVA univariées*. Effectue pour chacune des variables indépendantes une analyse de variance à 1 facteur pour tester l'égalité des moyennes de groupe.
- *M de Box*. Test d'égalité des matrices de covariance de groupes. Pour les échantillons de taille suffisamment importante, une valeur p non significative indique qu'il n'est pas démontré que les matrices diffèrent. Ce test est sensible aux déviations par rapport à la distribution gaussienne multivariée.

Coefficients de fonction. Les options disponibles sont les coefficients de classification supervisée de Fisher et les coefficients non standardisés.

- *de Fisher*. Affiche les coefficients de la fonction de classification de Fisher qui peuvent être directement utilisés pour la classification. Un ensemble distinct de coefficients de fonction de classification est obtenu pour chaque groupe, et une observation est affectée au groupe qui a le plus grand score discriminant (valeur de fonction de classification).
- *non standardisés*. Affiche les coefficients de fonction discriminante non standardisés.

Matrices. Les matrices des coefficients disponibles pour les variables indépendantes sont la matrice de corrélations intragroupes, la matrice de covariances intragroupes, la matrice de covariances par groupes distincts et la matrice de covariances totales.

- *Corrélation intragroupe*. Affiche une matrice de corrélation intra-groupes regroupée en pool, obtenue en calculant la moyenne des matrices de covariance distinctes pour tous les groupes avant de calculer les corrélations.
- *Covariance intragroupe*. Affiche une matrice de covariance intra-groupes regroupée en pool qui peut différer de la matrice de covariance totale. Cette matrice est obtenue en calculant la moyenne des matrices de covariances distinctes de tous les groupes.
- *Covariance par groupes distincts*. Affiche des matrices de covariance par groupes distincts pour chaque groupe.
- *Covariance totale*. Affiche la matrice de covariance de toutes les observations comme si elles provenaient d'un seul échantillon.

Classification. La sortie suivante appartient aux résultats de la classification supervisée.

- *Résultats des observations*. Les codes du groupe actuel, du groupe prévu, des probabilités à posteriori et des scores discriminants sont affichés pour chaque observation.
- *Table récapitulative*. Nombre d'observations correctement et incorrectement affectées à chacun des groupes sur la base de l'analyse discriminante. Parfois appelée "matrice de confusion".
- *Classification par élimination*. Classement de chaque observation de l'analyse par les fonctions dérivées de l'ensemble des observations autres que cette observation. Ce classement est également appelé "méthode U".
- *Carte territoriale*. Tracé des limites servant à classifier les observations en fonction de valeurs de fonction. Les numéros correspondent aux groupes auxquels les cellules ont été affectées. La moyenne de chaque groupe est indiquée par un astérisque à l'intérieur de ses limites. La carte n'est pas affichée s'il n'existe qu'une seule fonction discriminante.
- *Groupes combinés*. Crée un nuage de points de tous les groupes, des deux premières valeurs de fonction discriminante. S'il n'y a qu'une seule fonction, un histogramme s'affiche à la place.
- *Groupes distincts*. Crée des nuages de points par groupes distincts des deux premières valeurs de fonction discriminante. Lorsqu'il n'y a qu'une seule fonction, des histogrammes sont affichés à la place.

Pas à pas. Récapitulatif des étapes affiche des statistiques pour toutes les variables après chaque étape. **F pour les distances des paires** affiche une matrice des rapports *F* de paires pour chaque paire de groupes. Les rapports *F* peuvent être utilisés pour des tests de signification des distances de Mahalanobis entre les groupes.

Noeud discriminant - Options pas à pas

Méthode. Sélectionnez le type de statistique à utiliser pour entrer ou supprimer de nouvelles variables. Les choix disponibles sont le Lambda de Wilk, la variance inexpliquée, la distance de Mahalanobis, le plus petit rapport *F* et le *V* de Rao. Avec le *V* de Rao, vous pouvez spécifier l'augmentation minimale dans *V* pour une variable à entrer.

- *Lambda de Wilks*. Méthode de sélection des variables pour une analyse discriminante pas à pas qui sélectionne les variables à entrer dans l'équation d'après leur capacité à faire baisser le lambda de Wilks. A chaque étape, les variables sont entrées dans l'analyse d'après leur capacité à faire baisser le lambda de Wilks.
- *Variance inexpliquée*. A chaque étape, la variable qui minimise la somme des variations inexpliquées (résiduelles) entre les groupes est saisie.
- *Distance de Mahalanobis*. Mesure de la distance entre les valeurs d'une observation et la moyenne de toutes les observations sur les variables indépendantes. Une distance de Mahalanobis importante identifie une cellule qui a des valeurs extrêmes pour des variables indépendantes.
- *Plus petit rapport F*. Méthode de sélection des variables en analyse pas à pas, fondée sur la maximisation d'un rapport F calculé à partir de la distance de Mahalanobis entre des groupes.

- *V de Rao*. Mesure des différences entre des moyennes de groupes. Egalement appelée trace de Lawley-Hotelling. A chaque étape, la variable qui maximise l'augmentation du V de RAO est entrée. Après avoir sélectionné cette option, entrez la valeur minimale que doit avoir une variable pour entrer dans l'analyse.

Critères. Les choix disponibles sont **Utiliser la valeur F** et **Utiliser la probabilité de F**. Entrez des valeurs pour l'entrée et la suppression de variables.

- *Utiliser la valeur F*. Une variable est introduite dans un modèle si sa valeur F est supérieure à la valeur indiquée pour Entrée et elle est éliminée si la valeur F est inférieure à la valeur indiquée pour Elimination. La valeur indiquée pour Entrée doit être supérieure à la valeur indiquée pour Elimination et toutes deux doivent être positives. Pour introduire davantage de variables dans le modèle, réduisez la valeur de la zone Entrée. Pour éliminer davantage de variables du modèle, augmentez la valeur de la zone Elimination.
- *Utiliser la probabilité de F*. Une variable est entrée dans le modèle si le seuil de signification de la valeur F est inférieur à la valeur indiquée pour Entrée ; la variable est éliminée si ce seuil est supérieur à la valeur indiquée pour Elimination. La valeur indiquée pour Entrée doit être inférieure à la valeur indiquée pour Elimination et toutes deux doivent être positives. Pour introduire davantage de variables dans le modèle, diminuez la valeur de la zone Entrée. Pour éliminer davantage de variables du modèle, réduisez la valeur de la zone Elimination.

Nugget du modèle discriminant

Les nuggets du modèle discriminants représentent les équations estimées par les noeuds discriminants. Ils contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle discriminant, ainsi que des informations sur la structure et les performances du modèle.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget du modèle discriminant, le noeud ajoute deux nouveaux champs contenant la prévision du modèle et la probabilité associée. Les noms des nouveaux champs sont formés du nom du champ de sortie sur lequel porte la prévision, auquel est ajouté le préfixe *$D-* pour désigner la catégorie de prévision et *$DP-* pour désigner la probabilité associée. Par exemple, si le nom du champ de sortie est *prefcoul*, les nouveaux champs seront alors intitulés *$D-prefcoul* et *$DP-prefcoul*.

Génération d'un noeud filtre. Le menu Générer vous permet de créer un noeud filtre pour transmettre des champs d'entrée en fonction des résultats du modèle.

importance des prédicteurs

Un graphique illustrant l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle peut également être affiché dans l'onglet Modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Ce graphique n'est disponible que si **Calculer l'importance des prédicteurs** a été sélectionné dans l'onglet Analyse avant la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Sortie avancée du nugget du modèle discriminant

La sortie avancée de l'analyse discriminante vous fournit des informations détaillées sur le modèle évalué et ses performances. Dans la mesure où la plupart des informations contenues dans la sortie avancée ont un caractère technique, il est nécessaire d'avoir une bonne connaissance de l'analyse discriminante pour pouvoir interpréter cette sortie correctement. Pour plus d'informations, voir «Noeud discriminant - Options de sortie», à la page 198.

Paramètres du nugget du modèle discriminant

L'onglet Paramètres d'un nugget du modèle discriminant vous permet d'obtenir les scores de propension lors de la détermination des scores du modèle. Cet onglet est disponible uniquement pour les modèles avec des cibles indicateur, et seulement après que le nugget de modèle ait été ajouté à un flux.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Récapitulatif du nugget du modèle discriminant

L'onglet Récapitulatif d'un nugget du modèle discriminant affiche les champs et paramètres utilisés pour la génération du modèle. En outre, si vous avez exécuté un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figureront également dans cette section. Pour obtenir des informations générales quant à l'utilisation du navigateur de modèle, reportez-vous à «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Noeud Modèles linéaires généralisés

La procédure Modèles linéaires généralisés développe le modèle linéaire général de sorte que la variable dépendante soit linéairement reliée aux facteurs et covariables via une fonction de lien précise. En outre, le modèle permet à la variable dépendante de suivre une distribution non normale. Il couvre des modèles statistiques largement utilisés comme la régression linéaire pour les réponses normalement distribuées, les modèles logistiques pour les données binaires, les modèles log-linéaires pour les données de décompte, les modèles log-log complémentaires pour les données de survie avec censure par intervalle, ainsi que de nombreux autres modèles statistiques via sa formulation de modèles très générale.

Exemples. Une compagnie de navigation peut utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression de Poisson au nombre de détériorations subies par plusieurs types de bateaux construits à des périodes différentes. Le modèle qui en résulte peut permettre de déterminer quels types de bateaux sont plus enclins aux détériorations.

Une compagnie d'assurance automobile peut utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression gamma à des actions en indemnisation pour des voitures. Le modèle qui en résulte peut permettre de déterminer les facteurs qui ont le plus d'influence sur le nombre de déclarations.

Des chercheurs en médecine peuvent utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression log-log complémentaire des données de survie censurées par intervalle pour prévoir la récurrence d'un état médical.

Les modèles linéaires généralisés créent une équation qui lie les valeurs de champ d'entrée aux valeurs de champ de sortie. Une fois le modèle créé, il peut être utilisé pour générer des valeurs pour de nouvelles données. Pour chaque enregistrement, une probabilité d'appartenance est calculée pour

chaque catégorie de sortie. La catégorie cible présentant la plus forte probabilité devient la valeur de sortie prédite de l'enregistrement.

Conditions requises. Vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs d'entrée ou d'un champ cible (qui peut avoir un niveau de mesure *Continu* ou *Indicateur*) doté de plusieurs catégories. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés.

Puissance. Le modèle linéaire généralisé est extrêmement souple, mais le processus consistant à choisir la structure du modèle n'est pas automatisé et requiert donc une connaissance des données plus importante qu'avec les algorithmes de type "boîte noire".

Noeud Modèles linéaires généralisés - Options de champs

Outre les options personnalisées de cible, d'entrée et de partition généralement proposées dans les onglets Champs du noeud de modélisation (voir «Options de champs des noeuds modélisation», à la page 29), le noeud Modèles linéaires généralisés offre les fonctionnalités suivantes.

Utiliser le champ de pondération. Le paramètre d'échelle est un paramètre de modèle estimé lié à la variance de la réponse. Les pondérations d'échelle sont des « valeurs connues » , susceptibles de varier d'une observation à l'autre. Si la variable de pondération d'échelle est spécifiée, le paramètre d'échelle, qui est lié à la variance de la réponse, est divisé par cette variable pour chaque observation. Les enregistrements dont les valeurs pondérées sont inférieures ou égales à 0, ou sont manquantes, ne sont pas utilisés dans l'analyse.

Le champ cible représente le nombre d'événements se produisant dans un ensemble d'essais. Lorsque la réponse est le nombre d'événements qui se produisent dans un ensemble d'essais, le champ cible contient le nombre d'événements. Vous pouvez sélectionner une variable supplémentaire qui contient le nombre d'essais. Si le nombre de tentatives est identique dans tous les sujets, vous pouvez également indiquer les tentatives à l'aide d'une valeur fixe. Le nombre d'essais doit être supérieur ou égal au nombre d'événements pour chaque enregistrement. Les événements doivent être des entiers non négatifs et les essais des entiers positifs.

Noeud Modèles linéaires généralisés - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Type de modèle. Il existe deux options pour le type de modèle à créer. **Effets principaux uniquement** permet au modèle d'inclure uniquement les champs d'entrée individuellement et ne teste pas les interactions (effets multiplicateurs) entre les champs d'entrée. **Effets principaux et toutes les interactions de second ordre** inclut toutes les interactions de second ordre ainsi que les effets principaux du champ d'entrée.

Décalage. Le terme de décalage est un prédicteur "structurel". Son coefficient n'est pas estimé par le modèle mais sa valeur est supposée être 1. Par conséquent, les valeurs du décalage sont simplement ajoutées au prédicteur linéaire de la cible. Cela s'avère particulièrement utile dans les modèles de régression de Poisson, dans lesquels chaque observation peut avoir différents niveaux d'exposition à l'événement étudié.

Par exemple, lors de la modélisation des taux d'accident pour des conducteurs, la différence est importante entre un conducteur avec trois ans de conduite qui est en tort dans un accident et un autre conducteur n'ayant été en tort qu'une fois en 25 ans ! Le nombre d'accidents peut être modélisé comme une réponse de type Poisson ou binominale négative avec un lien de journal si le logarithme naturel de l'expérience du lecteur est inclus comme un terme de décalage.

D'autres combinaisons de distribution et types de liens nécessiteraient d'autres transformations de la variable de décalage.

Remarque : Si un champ de décalage de variables est utilisé, le champ spécifié ne doit pas être également utilisé comme un champ d'entrée. Paramétrez le rôle du champ de décalage sur **Aucun** dans une source en amont ou dans le noeud type si nécessaire.

Catégorie de base de la cible de type indicateur.

Pour une réponse binaire, vous pouvez choisir la catégorie de référence pour la variable dépendante. Cela peut avoir des conséquences sur certaines sorties, comme les estimations de paramètre et les valeurs enregistrées, mais ne devrait pas modifier l'ajustement du modèle. Par exemple, si votre réponse binaire prend les valeurs 0 et 1 :

- Par défaut, la procédure fait de la dernière catégorie (ayant la valeur la plus élevée), ou 1, la catégorie de référence. Dans cette situation, les probabilités enregistrées dans le modèle évaluent la possibilité qu'une observation donnée prenne la valeur 0 et les estimations de paramètre doivent être interprétées comme étant liées à la vraisemblance de la catégorie 0.
- Si vous indiquez la première catégorie (ayant la valeur la moins élevée), ou 0, comme catégorie de référence, les probabilités enregistrées dans le modèle évaluent la probabilité qu'une observation donnée prenne la valeur 1.
- Si vous indiquez la catégorie personnalisée et que les libellés de votre variable sont définies, vous pouvez paramétrer la catégorie de référence en choisissant une valeur dans la liste. Cela peut s'avérer pratique lorsque, au cours de la spécification d'un modèle, vous ne vous rappelez pas du codage exact d'une variable spécifique.

Inclure la constante dans le modèle. La constante est généralement incluse dans le modèle. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Noeud Modèles linéaires généralisés - Options expert

Si vous êtes familier des modèles linéaires généralisés, utilisez les options expert pour affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le **mode** sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Proportion appliquée au champ cible et fonction de lien

Distribution.

Cette sélection indique la proportion de la variable dépendante. La possibilité d'indiquer une proportion non normale et une fonction de lien rattaché à aucune identité constitue l'amélioration essentielle du modèle linéaire généralisé par rapport au modèle linéaire général. Il existe de nombreuses combinaisons de distribution/fonction de lien possibles, et plusieurs peuvent convenir à un de l'ensemble de données particulier. Votre choix peut être guidé par des considérations théoriques a priori ou en fonction de la combinaison qui vous semble la plus adaptée.

- **Binomial.** Cette proportion ne convient qu'aux variables qui représentent une réponse binaire ou un nombre d'événements.
- **Gamma.** Cette proportion ne convient qu'aux variables présentant des valeurs d'échelle positives biaisées vers des valeurs positives plus élevées. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Gaussienne inverse.** Cette proportion ne convient qu'aux variables présentant des valeurs d'échelle positives biaisées vers des valeurs positives plus élevées. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Binomiale négative.** Cette proportion peut être envisagée comme étant le nombre d'essais requis pour observer *k* succès ; elle convient aux variables présentant des valeurs d'entier non négatif. Si une valeur de données n'est pas un entier, est inférieure à 0 ou est manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse. La valeur fixe du paramètre secondaire de la loi binomiale négative peut être tout nombre supérieur ou égal à 0. Lorsque le paramètre secondaire est défini à 0, l'utilisation de cette proportion équivaut à utiliser la distribution de Poisson.

- **Normale.** Cette proportion convient aux variables d'échelle dont les valeurs prennent la forme d'une proportion symétrique, en cloche sur une valeur (moyenne) centrale. La variable dépendante doit être numérique.
- **Poisson.** Vous pouvez considérer cette distribution comme étant le nombre d'occurrences d'un événement d'intérêt au cours d'une période de temps fixe. Elle convient aux variables présentant des valeurs d'entier non négatif. Si une valeur de données n'est pas un entier, est inférieure à 0 ou est manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Tweedie.** Cette proportion ne convient qu'aux variables représentées par les mélanges Poisson de distributions gamma ; la distribution est "mélangée" dans le sens où elle combine les propriétés des distributions continues (elle prend des valeurs réelles non négatives) et discrètes (masse de probabilité positive à une seule valeur, 0). La variable dépendante doit être numérique, avec des valeurs de données supérieures ou égales à zéro. Si une valeur de données est inférieure à 0, ou bien manquante, alors l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse. La valeur fixe du paramètre de distribution Tweedie peut être tout nombre supérieur à un et inférieur à deux.
- **Multinomial.** Cette proportion ne convient qu'aux variables qui représentent une réponse ordinale. La variable dépendante peut être un nombre ou une chaîne de caractères, et doit avoir au moins deux valeurs de données valides distinctes.

Fonctions de lien.

La fonction de lien est une transformation de la variable dépendante qui permet l'estimation du modèle. Les fonctions suivantes sont disponibles :

- **Identité.** $f(x)=x$. La variable dépendante n'est pas transformée. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution.
- **Log-log complémentaire.** $f(x)=\log(-\log(1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Cauchit cumulé.** $f(x) = \tan(\pi (x - 0,5))$, appliqué à la probabilité cumulative de chaque catégorie de la réponse. Ceci n'est approprié qu'avec la loi multinomiale.
- **Log-log complémentaire cumulé.** $f(x)=\ln(-\ln(1-x))$, appliqué à la probabilité cumulative de chaque catégorie de la réponse. Ceci n'est approprié qu'avec la loi multinomiale.
- **Logit cumulé.** $f(x)=\ln(x / (1-x))$, appliqué à la probabilité cumulée de chaque catégorie de la réponse. Ceci n'est approprié qu'avec la loi multinomiale.
- **Log-log négatif cumulé.** $f(x)=-\ln(-\ln(x))$, appliqué à la probabilité cumulative de chaque catégorie de la réponse. Ceci n'est approprié qu'avec la loi multinomiale.
- **Probit cumulé.** $f(x)=\Phi^{-1}(x)$, appliqué à la probabilité cumulée de chaque catégorie de la réponse, où Φ^{-1} est la fonction de distribution cumulée normale standard inverse. Ceci n'est approprié qu'avec la loi multinomiale.
- **Log.** $f(x)=\log(x)$. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution.
- **Complément log.** $f(x)=\log(1-x)$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Logit.** $f(x)=\log(x / (1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Binomiale négative.** $f(x)=\log(x / (x+k^{-1}))$, où k est le paramètre auxiliaire de la distribution binomiale négative. Ceci n'est approprié qu'avec la loi binomiale négative.
- **Log-log négatif.** $f(x)=-\log(-\log(x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Puissance des cotes.** $f(x)=[(x/(1-x))^{\alpha}-1]/\alpha$, si $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$. α est la spécification numérique requise et doit être un nombre réel. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Probit.** $f(x)=\Phi^{-1}(x)$, où Φ^{-1} représente la fonction de distribution cumulée normale inverse. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Puissance.** $f(x)=x^{\alpha}$, si $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$. α est la spécification numérique requise et doit être un nombre réel. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution.

Paramètres. Les commandes de ce groupe vous permettent de spécifier des valeurs de paramètres si certaines options de distribution sont sélectionnées.

- **Paramètre pour un binomial négatif.** Pour une distribution binomiale négative, choisissez de spécifier une valeur ou d'autoriser le système à fournir une valeur estimée.
- **Paramètre pour Tweedie.** Pour la distribution Tweedie, spécifiez un nombre compris entre 1,0 et 2,0 pour la valeur fixe.

  Estimation des paramètres. Les commandes de ce groupe vous permettent d'indiquer des méthodes d'estimation et de fournir des valeurs initiales pour les estimations de paramètre.

  – **Méthode.** Vous pouvez sélectionner une méthode d'estimation de paramètre. Choisissez la méthode Newton-Raphson, scoring de Fisher ou une méthode hybride dans laquelle les itérations de scoring de Fisher sont effectuées avant de passer à la méthode Newton-Raphson. Si la convergence est obtenue au cours de la phase de scoring de Fisher de la méthode hybride avant que le nombre maximal d'itérations Fischer soit atteint, l'algorithme poursuit avec la méthode Newton-Raphson.

  – **Méthode des paramètres d'échelle :** Vous pouvez sélectionner la méthode d'estimation de paramètre d'échelle. Le maximum de vraisemblance estime conjointement le paramètre d'échelle et les effets de modèle ; notez que cette option n'est pas valide si la réponse comporte une loi binomiale négative, de Poisson ou binomiale une loi binomiale négative, de Poisson, binomiale ou multinomiale . Les options de déviance et de khi-deux de Pearson estiment le paramètre d'échelle à partir de la valeur de ces statistiques. Vous pouvez aussi indiquer une valeur fixe pour le paramètre d'échelle.
- **Matrice de covariance.** L'estimateur basé sur un modèle est le négatif de l'inverse généralisé de la matrice de Hess. L'estimateur fiable (ou Huber/White/sandwich) est un estimateur « corrigé » basé sur un modèle qui fournit une estimation cohérente de la covariance, même lorsque les spécifications de la variance et des fonctions de lien est incorrecte.

Itérations. Ces options vous permettent de contrôler les paramètres de convergence des modèles. Pour plus d'informations, voir «Modèles linéaires généralisés - Itérations», à la page 205.

Sortie. Ces options vous permettent de demander des statistiques supplémentaires, qui apparaîtront dans les sorties avancées du nugget du modèle créé par le noeud. Pour plus d'informations, voir «Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées», à la page 206.

Tolérance de singularité : Les matrices singulières (ou non réversibles) présentent des colonnes dépendantes linéairement, ce qui peut provoquer de graves problèmes pour l'algorithme d'estimation. Les matrices quasi-singulières étant également susceptibles de générer de faibles résultats, la procédure traitera une matrice dont le déterminant est inférieur à la tolérance singulière. Indiquez une valeur positive.

Modèles linéaires généralisés - Itérations

Vous pouvez définir les paramètres de convergence pour l'estimation du modèle linéaire généralisé.

Itérations. Les options suivantes sont disponibles :

- **Nombre maximal d'itérations.** Nombre maximal d'itérations que l'algorithme exécutera. Spécifiez un nombre entier non négatif.
- **Découpage maximal d'étape en deux.** A chaque itération, la taille de pas est réduite d'un facteur de 0,5 jusqu'à ce que le log de vraisemblance augmente ou qu'un découpage maximal en deux des étapes soit atteint. Spécifiez un nombre entier positif.
- **Vérifier la séparation des points de données.** Lorsque cette option est sélectionnée, l'algorithme effectue des tests pour vérifier que les estimations des paramètres ont des valeurs uniques. La séparation intervient lorsque la procédure peut produire un modèle qui classe correctement chaque observation. Cette option est disponible pour des réponses binomiales avec un format binaire .

Critères de convergence. Les options suivantes sont disponibles :

- **Modification des estimations des paramètres** : Lorsque cette option est sélectionnée, l'algorithme s'arrête après une itération dans laquelle la modification absolue ou relative des estimations de paramètres est inférieure à la valeur indiquée, qui doit être positive.

- **Modification du log de vraisemblance** : Lorsque cette option est sélectionnée, l'algorithme s'arrête après une itération dans laquelle la modification absolue ou relative de la fonction du log de vraisemblance est inférieure à la valeur indiquée, qui doit être positive.
- **Convergence hessienne.** Pour la spécification absolue, la convergence est supposée si une statistique basée sur la convergence hessienne est inférieure à la valeur positive indiquée. Pour la spécification relative, la convergence est supposée si la statistique est inférieure au produit de la valeur positive indiquée et de la valeur absolue du log de vraisemblance.

Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées

Sélectionnez le résultat facultatif à afficher dans la sortie avancée du nugget du modèle linéaire généralisé. Pour visualiser les sorties avancées, parcourez le nugget du modèle et cliquez sur l'onglet **Options avancées**. Pour plus d'informations, voir «Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées», à la page 207.

La sortie suivante est disponible :

- **Récapitulatif du traitement des observations.** Affiche le nombre et le pourcentage d'observations incluses dans l'analyse et exclues de celle-ci, et le tableau récapitulatif des données corrélées.
- **Statistiques descriptives.** Affiche les statistiques descriptives et les informations récapitulatives concernant la variable dépendante, les covariables et les facteurs.
- **Informations de modèle.** Affiche le nom du de l'ensemble de données, la variable dépendante ou les variables d'événement et d'essai, la variable de décalage, la variable de pondération, la proportion des probabilités et la fonction de lien.
- **Qualité des statistiques d'ajustement.** Affiche la déviance et la déviance mise à l'échelle, le khi-deux de Pearson et le khi-deux de Pearson mis à l'échelle, le log de vraisemblance, le critère d'Akaike (AIC), le critère d'Akaike corrigé pour un échantillon fini (AICC), le critère de Bayes (BIC) et le critère d'Akaike cohérent (CAIC).
- **Statistiques récapitulatives de modèle.** Affiche les tests de qualité d'ajustement, y compris les statistiques de rapport de vraisemblance pour le test composite de qualité d'ajustement et les statistiques des contrastes de type I ou III pour chaque effet.
- **Estimations des paramètres.** Affiche les estimations des paramètres, ainsi que les statistiques et les intervalles de confiance des tests correspondants. Outre les estimations de paramètre brutes, vous pouvez également afficher les estimations de paramètre élevées à une puissance.
- **Matrice de covariances pour l'estimation des paramètres.** Affiche la matrice de covariances du paramètre estimé.
- **Matrice de corrélations pour l'estimation des paramètres.** Affiche la matrice de corrélations des paramètres estimés.
- **Matrices (L) des coefficients de contraste.** Affiche les coefficients de contraste pour les effets par défaut et pour les moyennes marginales estimées, si cela est requis au niveau de l'onglet Moyennes EM.
- **Fonctions estimées générales.** Affiche les matrices pour la génération des matrices (L) des coefficients de contraste.
- **Historique des itérations.** Affiche l'historique d'itération des estimations de paramètre, ainsi que le log de vraisemblance, et imprime la dernière évaluation du vecteur gradient et de la matrice hessienne. Le tableau de l'historique des itérations affiche les estimations de paramètres de toutes les $n^{\text{ièmes}}$ itérations, en commençant par l'itération $0^{\text{ième}}$ (les estimations initiales), *n* étant la valeur de l'intervalle d'impression. Si l'historique des itérations est demandé, la dernière itération est toujours affichée quelle que soit la valeur de *n*.
- **Test du multiplicateur de Lagrange.** Affiche les statistiques obtenues par le test du multiplicateur de Lagrange afin d'évaluer la validité d'un paramètre d'échelle calculé à l'aide de la déviance ou des statistiques khi-deux de Pearson, ou défini comme un nombre fixe, pour les courbes de fréquence de la loi normale et de la loi gamma et pour la distribution gaussienne inverse. Pour la distribution binomiale négative, cette option teste le paramètre secondaire fixe.

Effets de modèle. Les options suivantes sont disponibles :

- **Type d'analyse :** Spécifiez le type d'analyse à générer. Une analyse de type I est généralement appropriée lorsque vous avez des raisons a priori d'organiser des prédicteurs dans le modèle, tandis que le type III est applicable de manière plus générale. Les statistiques de Wald ou du rapport de vraisemblance sont calculées en fonction de la sélection dans le groupe de statistiques du khi-carré.
- **Niveau d'intervalle de confiance (%) :** Indiquez un niveau de confiance supérieur à 50 et inférieur à 100. Les intervalles de Wald sont basés sur l'hypothèse selon laquelle les paramètres ont une distribution normale asymptotique. Les intervalles par vraisemblance de profil sont plus exacts mais peuvent s'avérer coûteux en termes de calculs. Le niveau de tolérance pour les intervalles de vraisemblance de profil représente les critères employés pour arrêter l'algorithme itératif utilisé pour calculer les intervalles.
- **Fonction de log de vraisemblance :** Cette option permet de contrôler le format d'affichage de la fonction du log de vraisemblance. La fonction complète inclut un terme supplémentaire qui est constant par rapport aux estimations des paramètres ; elle n'a aucun effet sur l'estimation des paramètres et est exclue de l'affichage dans certains logiciels.

Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés

Les nuggets de modèle Modèles linéaires généralisés représentent les équations estimées par un noeud Modèles linéaires généralisés. Ils contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle, ainsi que des informations sur la structure et les performances du modèle.

Lorsque vous exécutez un flux qui contient un nugget de modèle Modèles linéaires généralisés, le noeud ajoute de nouveaux champs dont le contenu dépend de la nature du champ cible :

- **Champ cible indicateur.** Ajoute des champs contenant la catégorie prédite et la probabilité associée, ainsi que les probabilités de chaque catégorie. Les noms des deux premiers champs sont formés du nom du champ de sortie sur lequel porte la prévision, auquel est ajouté le préfixe *$G-* pour désigner la catégorie de prévision et *$GP-* pour désigner le champ de la probabilité associée. Par exemple, si un champ de sortie est intitulé *défaut*, les nouveaux champs seront alors intitulés *$G-défaut* et *$GP-défaut*. Les noms de ces deux derniers champs supplémentaires sont basés sur les valeurs du champ de sortie auxquelles le préfixe *$GP-* est ajouté. Par exemple, si les valeurs valides du champ *défaut* sont *Oui* et *Non*, les nouveaux champs sont nommés *$GP-Oui* et *$GP-Non*.
- **Cible continue.** Ajoute des champs contenant la moyenne prédite et l'erreur standard.
- **Cible continue, indiquant le nombre d'événements d'une série d'essais.** Ajoute des champs contenant la moyenne prédite et l'erreur standard.
- **Cible ordinal.** Ajoute des champs contenant la catégorie prédite et la probabilité associée pour chaque ensemble ordonné. Les noms des champs sont formés de la valeur de l'ensemble ordonné sur lequel porte la prévision, auquel est ajouté le préfixe *$G-* pour désigner la catégorie de prévision et *$GP-* pour désigner la probabilité associée.

Génération d'un noeud filtre. Le menu Générer vous permet de créer un noeud filtre pour transmettre des champs d'entrée en fonction des résultats du modèle.

importance des prédicteurs

Un graphique illustrant l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle peut également être affiché dans l'onglet Modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Ce graphique n'est disponible que si **Calculer l'importance des prédicteurs** a été sélectionné dans l'onglet Analyse avant la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées

La sortie avancée du modèle linéaire généralisé vous fournit des informations détaillées sur le modèle évalué et ses performances. Dans la mesure où la plupart des informations contenues dans la sortie avancée ont un caractère technique, il est nécessaire d'avoir une bonne connaissance de ce type d'analyse pour pouvoir interpréter cette sortie correctement. Pour plus d'informations, voir «Modèles linéaires généralisés - Sorties avancées», à la page 206.

Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés - Paramètres

L'onglet Paramètres d'un nugget du modèle GenLin vous permet d'obtenir les scores de propension lors de la détermination des scores du modèle. Cet onglet est disponible uniquement pour les modèles avec des cibles indicateur, et seulement après que le nugget de modèle ait été ajouté à un flux.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Nugget de modèle Modèles linéaires généralisés - Récapitulatif

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle Modèles linéaires généralisés affiche les champs et paramètres utilisés pour la génération du modèle. En outre, si vous avez exécuté un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figureront également dans cette section. Pour obtenir des informations générales quant à l'utilisation du navigateur de modèle, reportez-vous à «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Modèles mixtes linéaires généralisés

Noeud MMLG

Ce noeud sert à créer un modèle mixte linéaire généralisé (MMLG).

Modèles mixtes linéaires généralisés

Les modèles mixtes linéaires généralisés élargissent le modèle linéaire de sorte que :

- La cible est liée de manière linéaire aux facteurs et covariables par une fonction de lien spécifiée.
- La cible peut avoir une distribution non normale
- Les observations peuvent être corrélées.

Les modèles mixtes linéaires généralisés couvrent une large variété de modèles, depuis les modèles de régression linéaire simple aux modèles multi-niveaux complexes destinés aux données longitudinales non normales.

Exemples. La commission scolaire régionale peut utiliser un modèle mixte linéaire généralisé pour déterminer si une méthode d'apprentissage expérimentale est efficace pour l'amélioration des notes en

mathématiques. Les élèves d'une même classe devraient être corrélés puisque le même enseignant leur dispense les cours, et les classes d'une même école devraient aussi être corrélées donc nous pouvons inclure des effets aléatoires aux niveaux de l'école et de la classe pour prendre en compte les différentes sources de variabilité.

Les chercheurs dans le domaine médical peuvent utiliser un modèle mixte linéaire généralisé pour déterminer si un nouveau médicament anti-convulsions peut réduire le taux de crises épileptiques chez un patient. Les mesures répétées chez le même patient sont normalement corrélées positivement, donc un modèle mixte avec des effets aléatoires devrait être adéquat. Le champ cible, en l'occurrence le nombre de crises, prend des valeurs entières positives, donc un modèle mixte linéaire généralisé avec une distribution de Poisson et un lien log peut être approprié.

Les dirigeants d'une société de prestation de services de télévision par câble, de téléphonie et Internet peuvent utiliser un modèle mixte linéaire généralisé pour mieux connaître leurs clients potentiels. Les réponses possibles ayant des niveaux de mesure nominaux, l'analyste de la société utilise un modèle mixte logit généralisé avec une constante aléatoire, pour capturer la corrélation entre les réponses aux questions sur l'utilisation du service selon le type de service (télévision, téléphone, internet) au sein des réponses à une enquête donnée.

L'onglet Structure des données vous permet de spécifier les relations structurelles entre les enregistrements de votre ensemble de données, lorsque les observations sont corrélées. Si les enregistrements de l'ensemble de données représentent des observations indépendantes, vous n'avez pas besoin de spécifier quoi que ce soit sur cet onglet.

Sujets. La combinaison des valeurs des champs catégoriels spécifiés doit définir de manière unique les sujets à l'intérieur de l'ensemble de données. Par exemple, un seul champ *ID du patient* devrait suffire à définir les sujets d'un hôpital donné, mais la combinaison de l'*ID de l'hôpital* et de l'*ID du patient* peut être nécessaire si les numéros d'identification des patients ne sont pas uniques entre les hôpitaux. Dans le cas de mesures répétées, plusieurs observations sont enregistrées pour chaque sujet, de sorte que chaque sujet peut occuper plusieurs enregistrements dans l'ensemble de données.

Un **sujet** est une unité d'observation qui peut être considérée indépendante des autres sujets. Par exemple, la mesure de pression artérielle d'un patient au sein d'une étude médicale peut être considérée indépendante des mesures prise sur les autres patients. La définition des sujets devient particulièrement importante lorsqu'il existe deux mesures répétées par sujet et que vous souhaitez modéliser la corrélation entre ces observations. Par exemple, vous pouvez vous attendre à ce que les mesures de la pression artérielle d'un patient donné soient corrélées, lors de visites consécutives chez le médecin.

Tous les champs spécifiés comme **Sujets** dans l'onglet Structure des données sont utilisés pour définir les sujets dans le cadre de la structure de covariance des résidus, et constituent la liste des champs possibles à utiliser lors de la définition des sujets pour les structures de covariance à effets aléatoires sur le Bloc d'effet aléatoire.

Mesures répétées. Les champs spécifiés ici permettent d'identifier les observations répétées. Par exemple, une variable unique *Semaine* peut identifier les 10 semaines d'observation au cours d'une étude médicale, ou les variables *Mois* et *Jour* peuvent être utilisés ensemble pour identifier les observations quotidiennes sur une période d'un an.

Définir les classes de covariance par. Les champs catégoriels spécifiés ici définissent des ensembles indépendants de paramètres de covariance d'effets répétés, un ensemble étant défini pour chaque catégorie par la classification croisée des champs de regroupement. Tous les sujets ont le même type de covariance ; les sujets faisant partie du même regroupement de covariance auront les mêmes valeurs de paramètres.

Coordonnées de la covariance spatiale. Les variables de cette liste spécifient les coordonnées des observations répétées lorsque l'un des types de covariance spatiale est sélectionné pour le type de covariance répété.

Type de covariance répétée. Indique la structure de covariance des résidus. Les structures disponibles sont les suivantes :

- Autorégressive de premier ordre (AR1)
- Moyenne mobile autorégressive (1,1) (ARMA11)

- Symétrie composée
- Diagonale
- Identité mise à l'échelle
- Spatiale : Puissance
- Spatiale : Exponentielle
- Spatiale : Gausse
- Spatiale : Linéaire
- Spatiale : Log linéaire
- Spatiale : Sphérique
- Toeplitz
- Sans structure
- Composantes de variance

Cible

Ces paramètres définissent la cible, sa distribution et sa relation avec les prédicteurs via la fonction de lien.

Cible. La cible est requise. Elle peut avoir n'importe quel niveau de mesure, et le niveau de mesure de la cible limite les distributions et fonctions de lien appropriées.

- **Utiliser le nombre d'essais comme dénominateur.** Lorsque la réponse est le nombre d'événements qui se produisent dans un ensemble d'essais, le champ cible contient le nombre d'événements et vous pouvez sélectionner un champ supplémentaire qui contient le nombre d'essais. Par exemple, lors du test d'un nouveau pesticide, vous devez exposer des échantillons de fourmis à différentes concentrations de pesticide et enregistrer le nombre de fourmis tuées et le nombre de fourmis exposées dans chaque échantillon. Dans ce cas, le champ enregistrant le nombre de fourmis tuées doit être spécifié comme le champ cible (d'événements), et le champ enregistrant le nombre de fourmis présentes dans chaque échantillon doit être spécifié comme le champ d'essais. Si le nombre de fourmis est identique dans tous les échantillons, alors le nombre d'essais peut être indiqué à l'aide d'une valeur fixe.

  Le nombre d'essais doit être supérieur ou égal au nombre d'événements pour chaque enregistrement. Les événements doivent être des entiers non négatifs et les essais des entiers positifs.
- **Personnaliser la catégorie de référence.** Pour une cible catégorielle, vous pouvez choisir la catégorie de référence. Cela peut avoir des conséquences sur certains résultats, comme les estimations de paramètre, mais ne devrait pas modifier l'ajustement du modèle. Par exemple, si votre cible prend les valeurs 0, 1 et 2, par défaut, la procédure fait de la dernière catégorie (la plus élevée), soit 2, la catégorie de référence. Dans cette situation, les estimations du paramètre doivent être interprétées comme concernant la probabilité de la catégorie 0 ou 1 *relativement* à la probabilité de la catégorie 2. Si vous spécifiez une catégorie personnalisée et que votre cible a des labels définis, vous pouvez stipuler la catégorie de référence en sélectionnant une valeur dans la liste. Ceci peut être pratique, si à mi-chemin de préciser un modèle, vous n'êtes pas sûr de la méthode de codage d'un champ spécifique.

Distribution et relation de la cible (lien) avec le modèle linéaire. D'après les valeurs des prédicteurs, le modèle s'attend à ce que la distribution des valeurs de la cible revête la forme spécifiée, et à ce que les valeurs cibles soient liées linéairement aux prédicteurs via la fonction de lien spécifiée. Des raccourcis sont fournis pour plusieurs modèles communs, ou vous pouvez choisir un paramètre **personnalisé** si vous souhaitez ajuster une distribution particulière et une combinaison de fonction de lien qui n'apparaît pas sur la liste des raccourcis.

- **Modèle linéaire.** Spécifie une distribution normale avec un lien d'identité, ce qui est utile lorsque la cible peut être prédite à l'aide d'une régression linéaire ou d'un modèle ANOVA.
- **Régression Gamma.** Spécifie une distribution gamma avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible ne contient que des valeurs positives et est arrondie à des valeurs supérieures.

- **Log linéaire.** Spécifie une distribution de Poisson avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible représente un nombre d'occurrences sur une période fixe.
- **Régression binomiale négative.** Spécifie une distribution binomiale négative avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible et le dénominateur représentent le nombre d'essais requis pour observer *k* succès.
- **Régression logistique multinomiale.** Spécifie une distribution multinomiale qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse à plusieurs catégories. Elle utilise soit un lien logit cumulatif (résultats ordinaux), soit un lien logit généralisé (réponses nominales à plusieurs catégories).
- **Régression logistique binaire.** Spécifie une distribution binomiale avec un lien logit, qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse binaire prédite par un modèle de régression logistique.
- **Probit binaire.** Spécifie une distribution binomiale avec un lien probit, qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse binaire avec une distribution normale sous-jacente.
- **Intervalle - Données de survie censurées.** Spécifie une distribution binomiale avec un lien log-log complémentaire, ce qui est utile dans l'analyse de survie lorsque certaines observations n'ont pas d'événement d'arrêt.

Distribution

Cette sélection spécifie la distribution de la cible. La possibilité de spécifier une distribution non normale et une fonction de lien sans identité constitue la principale amélioration du modèle mixte linéaire généralisé par rapport au modèle mixte linéaire. Il existe de nombreuses combinaisons de distribution/fonction de lien possibles, et plusieurs peuvent convenir à un ensemble de données particulier. Votre choix peut être guidé par des considérations théoriques a priori ou en fonction de la combinaison qui vous semble la plus adaptée.

Binomiale

Cette distribution convient uniquement à une cible représentant une réponse binaire ou un nombre d'événements.

Gamma

Cette distribution convient à une cible avec des valeurs d'échelle positives arrondies à des valeurs positives supérieures. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.

Gaussienne inverse

Cette distribution convient à une cible avec des valeurs d'échelle positives arrondies à des valeurs positives supérieures. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.

Multinomial

Cette distribution convient à une cible représentant une réponse multicatégories. La forme du modèle dépendra du niveau de mesure de la cible.

Une cible **nominale** engendrera un modèle multinomial nominal dans lequel un ensemble de paramètres de modèle distinct est estimé pour chaque catégorie de la cible (à l'exception de la catégorie de référence). Les estimations de paramètre d'un prédicteur indiquent la relation entre ce prédicteur et la probabilité de chaque catégorie de la cible, par rapport à la catégorie de référence.

Une cible **ordinale** engendrera un modèle multinomial ordinal dans lequel le terme de constante traditionnelle est remplacé par un ensemble de paramètres de **seuil** relatif à la probabilité cumulée des catégories de la cible.

Binomial négatif

La régression binomiale négative utilise une distribution binomiale négative avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible représente un nombre d'occurrences de variance élevée.

Normal

Cette distribution convient à une cible continue dont les valeurs suivent une distribution symétrique, en cloche, autour d'une valeur centrale (moyenne).

Poisson
Vous pouvez considérer cette distribution comme étant le nombre d'occurrences d'un événement d'intérêt au cours d'une période de temps fixe. Elle convient aux variables présentant des valeurs d'entier non négatif. Si une valeur de données n'est pas un entier, est inférieure à 0 ou est manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.

Fonction de lien
La fonction de lien consiste en une transformation de la cible permettant d'estimer le modèle. Les fonctions suivantes sont disponibles :

Identité
$f(x)=x$. La cible n'est pas transformée. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.

Log-log complémentaire
$f(x)=\log(-\log(1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.

Cauchit
$f(x) = \tan(\pi (x - 0.5))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.

Log
$f(x)=\log(x)$. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.

Log complémentaire
$f(x)=\log(1-x)$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.

Logit
$f(x)=\log(x / (1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.

Log-log négatif
$f(x)=-\log(-\log(x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.

Probit
$f(x)=\Phi^{-1}(x)$, où Φ^{-1} représente la fonction de distribution cumulée normale inverse. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.

Puissance
$f(x)=x^{\alpha}$, si $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$. α est la spécification numérique requise et doit être un nombre réel. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.

Effets fixes

Les facteurs d'effets fixes sont généralement considérés comme des champs dont les valeurs d'intérêt sont toutes représentées dans l'ensemble de données, et pouvant être utilisés pour le scoring. Par défaut, les champs avec un rôle d'entrée prédéfini qui ne sont pas spécifiés ailleurs dans la boîte de dialogue sont entrés dans la partie effets fixes du modèle. Les champs catégoriels (indicateurs, nominaux et ordinaux) sont utilisés comme facteurs dans le modèle et les champs continus sont utilisés comme covariables.

Entrez les effets dans le modèle en sélectionnant un ou plusieurs champs dans la liste source et en les faisant glisser vers la liste des effets. Le type d'effet créé dépend de l'endroit où vous déposez la sélection.

- **Principaux.** Les champs déposés apparaissent sous forme d'effets principaux distincts au bas de la liste des effets.
- **2 directions.** Toutes les paires possibles des champs déposés apparaissent sous forme d'interactions bidirectionnelles au bas de la liste des effets.
- **3 directions.** Tous les triplets possibles des champs déposés apparaissent sous forme d'interactions tridirectionnelles au bas de la liste des effets.

- ***.** La combinaison de tous les champs déposés apparaît sous forme d'une unique interaction au bas de la liste des effets.

Les boutons situés à droite du Générateur d'effets vous permettent d'effectuer différentes actions :

Tableau 10. Description des boutons du Générateur d'effets

Icône	Description
	Supprimer des termes du modèle à effets fixes, en sélectionnant ceux que vous souhaitez supprimer. puis en cliquant sur le bouton de suppression.
	Réorganiser les termes dans le modèle à effets fixes, en sélectionnant ceux que vous souhaitez réorganiser, puis en cliquant sur les flèches vers le haut ou vers le bas.
	Ajouter des termes imbriqués au modèle à l'aide de la boîte de dialogue «Ajout d'un terme personnalisé », à la page 213 en cliquant sur le bouton Ajouter un terme personnalisé.

Inclure la constante. La constante est généralement incluse dans le modèle. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Ajout d'un terme personnalisé

Dans cette procédure, vous pouvez générer des termes imbriqués pour votre modèle. Les termes imbriqués sont utiles pour modéliser l'effet d'un facteur ou d'une covariable dont les valeurs n'interagissent pas avec les niveaux d'un autre facteur. Par exemple, une chaîne d'épiceries peut suivre les habitudes d'achat de ses clients dans divers magasins. Puisque chaque client ne fréquente qu'un seul de ces magasins, l'effet *Client* peut être considéré comme étant **imbriqué dans** l'effet *Emplacement du magasin*.

En outre, vous pouvez inclure des effets d'interaction, tels que des termes polynomiaux impliquant la même covariable, ou ajouter plusieurs niveaux d'imbrication au terme imbriqué.

Limites : Les termes imbriqués comportent les restrictions suivantes :

- Tous les facteurs d'une interaction doivent être uniques. Ainsi, si *A* est un facteur, la spécification *A*A* n'est pas valide.
- Tous les facteurs au sein d'un effet imbriqué doivent être uniques. Ainsi, si *A* est un facteur, la spécification *A(A)* n'est pas valide.
- Aucun effet ne peut être imbriqué dans une covariable. Ainsi, si *A* est un facteur et *X* une covariable, la spécification *A(X)* n'est pas valide.

Construction d'un terme imbriqué

1. Sélectionnez une covariable ou un facteur imbriqué dans un autre facteur, puis cliquez sur le bouton fléché.
2. Cliquez sur **(Dans)**.
3. Sélectionnez le facteur dans lequel la covariable ou le facteur précédent est imbriqué, puis cliquez sur le bouton fléché.
4. Cliquez sur **Ajouter terme**.

Vous pouvez éventuellement inclure des effets d'interaction ou ajouter plusieurs niveaux d'imbrication au terme imbriqué.

Effets aléatoires

Les facteurs d'effets aléatoires sont des champs dont les valeurs dans le fichier de données peuvent être considérées comme un échantillon aléatoire d'une population plus large. Ils sont utiles pour expliquer la variabilité des excès dans la cible. Par défaut, si vous avez sélectionné plus d'un sujet dans l'onglet Structure de données, un bloc Effet aléatoire est créé pour chaque sujet au-delà du sujet le plus interne. Par exemple, si vous avez sélectionné École, Classe et Étudiant comme sujets dans l'onglet Structure de données, les blocs d'effet aléatoire suivants sont créés automatiquement :

- Effet aléatoire 1 : le sujet est l'école (sans effets, constante uniquement)
- Effet aléatoire 2 : le sujet est l'école * classe (pas d'effets, constante uniquement)

Vous pouvez utiliser les blocs d'effets aléatoires de la manière suivante :

1. Pour ajouter un nouveau bloc, cliquez sur **Ajouter un bloc...**. Vous ouvrez ainsi la boîte de dialogue «Bloc d'effet aléatoire », à la page 214.
2. Pour modifier un bloc existant, sélectionnez le bloc que vous souhaitez modifier et cliquer sur **Modifier le bloc...** Vous ouvrez ainsi la boîte de dialogue «Bloc d'effet aléatoire », à la page 214.
3. Pour supprimer un ou plusieurs blocs, sélectionnez les blocs que vous souhaitez supprimer et cliquez sur le bouton de suppression.

Bloc d'effet aléatoire

Entrez les effets dans le modèle en sélectionnant un ou plusieurs champs dans la liste source et en les faisant glisser vers la liste des effets. Le type d'effet créé dépend de l'endroit où vous déposez la sélection. Les champs catégoriels (indicateurs, nominaux et ordinaux) sont utilisés comme facteurs dans le modèle et les champs continus sont utilisés comme covariables.

- **Principaux.** Les champs déposés apparaissent sous forme d'effets principaux distincts au bas de la liste des effets.
- **2 directions.** Toutes les paires possibles des champs déposés apparaissent sous forme d'interactions bidirectionnelles au bas de la liste des effets.
- **3 directions.** Tous les triplets possibles des champs déposés apparaissent sous forme d'interactions tridirectionnelles au bas de la liste des effets.
- ***.** La combinaison de tous les champs déposés apparaît sous forme d'une unique interaction au bas de la liste des effets.

Les boutons situés à droite du Générateur d'effets vous permettent d'effectuer différentes actions :

Tableau 11. Description des boutons du Générateur d'effets

Icône	Description
	Supprimer des termes du modèle en sélectionnant ceux que vous souhaitez supprimer, puis en cliquant sur le bouton de suppression.
	Réorganiser des termes dans le modèle en sélectionnant ceux que vous souhaitez réorganiser, puis en cliquant sur les flèches vers le haut ou vers le bas.
	Ajouter des termes imbriqués au modèle à l'aide de la boîte de dialogue «Ajout d'un terme personnalisé », à la page 213 en cliquant sur le bouton Ajouter un terme personnalisé.

Inclure la constante. La constante n'est pas incluse dans le modèle à effets aléatoires par défaut. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Afficher les paramètres de prévision de ce bloc. Indique d'afficher les estimations de paramètres à effets aléatoires.

Définir les classes de covariance par. Les champs catégoriels spécifiés ici définissent des ensembles indépendants de paramètres de covariance d'effets aléatoires, un ensemble étant défini pour chaque catégorie par la classification croisée des champs de regroupement. Un ensemble de champs de regroupement différent peut être spécifié pour chaque bloc d'effet aléatoire. Tous les sujets ont le même type de covariance ; les sujets faisant partie du même regroupement de covariance auront les mêmes valeurs de paramètres.

Combinaison de sujets. Cette option vous permet de spécifier des sujets à effets aléatoires à partir de combinaisons prédéfinies de sujets depuis l'onglet Structure des données. Par exemple, si *Ecole*, *Classe* et *Elève* sont définis comme sujets sur l'onglet Structure des données, dans cet ordre, alors la liste déroulante Combinaison de sujets comprendra les options **Aucun**, **Ecole**, **Ecole * Classe**, et**Ecole * Classe * Elève**.

Type de covariance des effets aléatoires. Indique la structure de covariance des résidus. Les structures disponibles sont les suivantes :

- Autorégressive de premier ordre (AR1)
- Autorégressive hétérogène (ARH1)
- Moyenne mobile autorégressive (1,1) (ARMA11)
- Symétrie composée
- Symétrie composée hétérogène (CSH)
- Diagonale
- Identité mise à l'échelle
- Toeplitz
- Sans structure
- Composantes de variance

Pondération et décalage

Pondération d'analyse. Le paramètre d'échelle est un paramètre de modèle estimé lié à la variance de la réponse. Les pondérations d'analyse sont des valeurs « connues » , susceptibles de varier d'une observation à l'autre. Si le champ de pondération d'analyse est spécifié, le paramètre d'échelle, qui est lié à la variance de la réponse, est divisé par les valeurs de pondération d'analyse pour chaque observation. Les enregistrements avec des valeurs de pondération d'analyse inférieures ou égales à 0, ou manquantes, ne sont pas utilisées dans l'analyse.

Décalage. Le terme de décalage est un prédicteur "structurel". Son coefficient n'est pas estimé par le modèle mais sa valeur est supposée être 1. Par conséquent, les valeurs du décalage sont simplement ajoutées au prédicteur linéaire de la cible. Cela s'avère particulièrement utile dans les modèles de régression de Poisson, dans lesquels chaque observation peut avoir différents niveaux d'exposition à l'événement étudié.

Par exemple, lors de la modélisation des taux d'accident pour des conducteurs, la différence est importante entre un conducteur avec trois ans de conduite qui est en tort dans un accident et un autre conducteur n'ayant été en tort qu'une fois en 25 ans ! Le nombre d'accidents peut être modélisé comme une réponse de type Poisson ou binominale négative avec un lien de journal si le logarithme naturel de l'expérience du lecteur est inclus comme un terme de décalage.

D'autres combinaisons de distribution et types de liens nécessiteraient d'autres transformations de la variable de décalage.

Options de création générales

Ces sélections spécifient des critères plus avancés utilisés pour créer le modèle.

Ordre de tri

Ces commandes déterminent l'ordre des catégories de la cible et des facteurs (entrées catégorielles) afin de déterminer la "dernière" catégorie. Le paramètre ordre de tri de la cible est ignoré si la cible

n'est pas catégorielle ou si une catégorie de référence personnalisée est spécifiée sur les paramètres «Cible », à la page 210.

Règles d'arrêt
Vous pouvez spécifier le nombre maximal d'itérations exécutées par l'algorithme. L'algorithme utilise un double processus itératif qui comporte une boucle interne et une boucle externe. La valeur maximale d'itérations indiquée s'applique aux deux boucles. Spécifiez un nombre entier non négatif. La valeur par défaut est 100.

Paramètres post-estimation
Ces paramètres déterminent la façon dont une partie du résultat du modèle est calculée pour l'affichage.

Niveau de confiance (%)
Il s'agit du niveau de confiance utilisé pour calculer les estimations d'intervalle des coefficients du modèle. Indiquez une valeur comprise entre 0 et 100. La valeur par défaut est 95.

Degré de liberté
Spécifie la façon dont les degrés de liberté sont calculés pour les tests de signification. Choisissez **Méthode des résidus** si la taille de votre échantillon est suffisamment grande, si les données sont équilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance plus simple (par exemple, identité mise à l'échelle ou diagonale). Il s'agit du paramètre par défaut. Choisissez **Approximation Satterthwaite** si la taille de votre échantillon est petite, si les données sont déséquilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance compliqué (par exemple, non structuré). Choisissez **Approximation Kenward-Roger** si la taille de votre échantillon est petite et que vous disposez d'un modèle REML (Restricted Maximum Likehood).

Test des effets fixes et des coefficients
C'est la méthode de calcul de la matrice de covariance des estimations de paramètres. Choisissez l'estimation robuste si vous craignez de ne pas respecter les hypothèses du modèle.

Estimation

L'algorithme de génération de modèle utilise un double processus itératif qui comporte une boucle interne et une boucle externe. Les paramètres ci-dessous s'appliquent à la boucle interne.

Ordre de tri
Ces commandes déterminent l'ordre des catégories de la cible et des facteurs (entrées catégorielles) afin de déterminer la "dernière" catégorie. Le paramètre ordre de tri de la cible est ignoré si la cible n'est pas catégorielle ou si une catégorie de référence personnalisée est spécifiée sur les paramètres «Cible », à la page 210.

Convergence des paramètres.
La convergence est prise en compte si la modification absolue ou relative maximum des estimations de paramètres est inférieure à la valeur spécifiée, qui doit être non négative. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Convergence de log de vraisemblance.
La convergence est prise en compte si la modification absolue ou relative de la fonction log de vraisemblance est inférieure à la valeur spécifiée, qui doit être non négative. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Convergence de Hess.
Pour la spécification **Absolu**, la convergence est prise en compte si une statistique basée sur la matrice de Hess est inférieure à la valeur indiquée. Pour la spécification **Relatif**, la convergence est prise en compte si la statistique est inférieure au produit de la valeur indiquée et de la valeur absolue du log de vraisemblance. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Nombre maximal d'étapes de l'évaluation de Fisher.
Spécifiez un nombre entier non négatif. Une valeur de 0 spécifie la méthode Newton-Raphson. Les valeurs supérieures à 0 indiquent d'utiliser l'algorithme des coordonnées de Fisher jusqu'au numéro d'itération *n*, où *n* correspond à l'entier spécifié, suivi de Newton-Raphson.

Tolérance de singularité.
Cette valeur est utilisée comme valeur de tolérance lors du contrôle des singularités. Indiquez une valeur positive.

Règles d'arrêt
Vous pouvez spécifier le nombre maximal d'itérations exécutées par l'algorithme. L'algorithme utilise un double processus itératif qui comporte une boucle interne et une boucle externe. La valeur maximale d'itérations indiquée s'applique aux deux boucles. Spécifiez un nombre entier non négatif. La valeur par défaut est 100.

Paramètres post-estimation
Ces paramètres déterminent la façon dont une partie du résultat du modèle est calculée pour l'affichage.

Niveau de confiance (%)
Il s'agit du niveau de confiance utilisé pour calculer les estimations d'intervalle des coefficients du modèle. Indiquez une valeur comprise entre 0 et 100. La valeur par défaut est 95.

Degré de liberté
Spécifie la façon dont les degrés de liberté sont calculés pour les tests de signification. Choisissez **Méthode des résidus** si la taille de votre échantillon est suffisamment grande, si les données sont équilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance plus simple (par exemple, identité mise à l'échelle ou diagonale). Il s'agit du paramètre par défaut. Choisissez **Approximation Satterthwaite** si la taille de votre échantillon est petite, si les données sont déséquilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance compliqué (par exemple, non structuré). Choisissez **Approximation Kenward-Roger** si la taille de votre échantillon est petite et que vous disposez d'un modèle REML (Restricted Maximum Likehood).

Test des effets fixes et des coefficients
C'est la méthode de calcul de la matrice de covariance des estimations de paramètres. Choisissez l'estimation robuste si vous craignez de ne pas respecter les hypothèses du modèle.

Remarque : Par défaut, le paramètre Convergence des paramètres est utilisé lorsque le critère **Absolu** de modification maximum est contrôlé avec une tolérance 1E-6. Ce paramètre peut produire des résultats différents de ceux obtenus dans les versions antérieures à la version 22. Pour reproduire les résultats de ces versions, utilisez le critère de convergence des paramètres **Relatif** et conservez la valeur de tolérance IE-6 par défaut.

Général

Nom de modèle. Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle en fonction des champs cible ou spécifier un nom personnalisé. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible. S'il existe plusieurs cibles, le nom du modèle correspond aux noms des champs reliés par des perluètes. Par exemple, si *champ1 champ2 champ3* sont des cibles, alors le nom du modèle est : *champ1 & champ2 & champ3*.

Rendre disponible pour le scoring. Lorsque le modèle est évalué, les éléments sélectionnés dans ce groupe doivent être générés. La valeur prédite (pour toutes les cibles) et la confiance (pour les cibles catégorielles) sont toujours calculées lorsque le modèle est évalué. La confiance calculée peut être basée sur la probabilité de la valeur prédite (la probabilité prédite la plus élevée) ou sur la différence entre la probabilité prédite la plus élevée et la deuxième probabilité prédite la plus élevée.

- **Probabilité prédite pour les cibles catégorielles.** Ceci génère les probabilités prédites pour les cibles catégorielles. Un champ est créé pour chaque modalité.
- **Scores de propension pour les cibles indicateur.** Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Le modèle produit des scores de propension brute. Si les partitions sont activées, le modèle produit également des scores de propension ajustée basés sur la partition de test.

Moyennes estimées

Cet onglet vous permet d'afficher les moyennes marginales estimées des niveaux et interactions de facteurs. Les moyennes marginales estimées ne sont pas disponibles pour les modèles multinomiaux.

Termes
Les termes du modèle entièrement composés de champs catégoriels dans les effets fixes sont répertoriés ici. Cochez chaque terme pour lequel vous souhaitez que le modèle produise des moyennes marginales estimées.

Type de contraste
Cela spécifie le type de contraste à utiliser pour les niveaux du champ contraste.

Aucune
Aucun contraste n'est produit.

Par paire
Produit des comparaisons appariées pour toutes les combinaisons de niveaux des facteurs spécifiés. C'est le seul contraste disponible pour les interactions de facteurs.

Déviation
Les contrastes comparent chaque niveau du facteur à la moyenne générale.

Simple
Les contrastes comparent chaque niveau du facteur, excepté le dernier, au dernier niveau. Le "dernier" niveau est déterminé par l'ordre de tri des facteurs spécifié dans Options de génération. Notez que tous ces types de contraste ne sont pas orthogonaux.

Champ Contraste
Spécifie un facteur, dont les niveaux sont comparés à l'aide du type de contraste sélectionné. Si le type de contraste sélectionné est **Aucun**, aucun champ de contraste ne peut (ou ne doit) être sélectionné.

Champs continus
Les champs continus répertoriés sont extraits des termes situés dans les effets fixes utilisant des champs continus. Lors du calcul des moyennes marginales estimées, les covariables sont fixées aux valeurs spécifiées. Sélectionnez la moyenne ou spécifiez une valeur personnalisée.

Apportez des ajustements pour des comparaisons multiples à l'aide de
Lors de l'exécution de tests d'hypothèse avec plusieurs contrastes, vous pouvez ajuster le niveau de signification globale à partir des niveaux de signification des contrastes inclus. Cela vous permet de choisir la méthode d'ajustement.

Différence la moins significative
Cette méthode ne contrôle pas l'intégralité de la probabilité de rejet des hypothèses qui supposent que certains contrastes linéaires sont différents des valeurs d'hypothèse nulles.

Bonferroni séquentiel
Il s'agit d'une procédure descendante de rejet séquentiel de Bonferroni beaucoup moins stricte en ce qui concerne le rejet des différentes hypothèses mais qui conserve le même seuil global de signification.

Sidak séquentiel
Il s'agit d'une procédure descendante de rejet séquentiel de Sidak beaucoup moins stricte en ce qui concerne le rejet des différentes hypothèses mais qui conserve le même seuil global de signification.

La méthode de différence la moins significative est moins stricte que la méthode de Sidak séquentielle, qui elle-même est moins stricte que la méthode séquentielle de Bonferroni. En d'autres termes, la différence la moins significative va rejeter au moins autant d'hypothèses individuelles que la méthode séquentielle de Sidak, qui elle-même va rejeter au moins autant d'hypothèses individuelles que la méthode séquentielle de Bonferroni.

Affichez les moyennes estimées en termes de
Spécifie s'il faut calculer les moyennes marginales estimées d'après l'échelle originale de la cible ou d'après la transformation de la fonction de lien.

Échelle cible d'origine
Calcule la moyenne marginale estimée pour la cible. Notez que lorsque la cible est spécifiée à l'aide de l'option événements/essais, il en résulte les moyennes marginales estimées de la proportion événements/essais plutôt que celles du nombre d'événements.

Transformation de la fonction de lien
Calcule la moyenne marginale estimée pour le prédicteur linéaire.

Vue du modèle

Par défaut, la vue Récapitulatif du modèle apparaît. Pour voir une autre vue de modèle, sélectionnez-la parmi les miniatures des vues.

Récapitulatif du modèle

Cette vue du modèle est un instantané, permettant de consulter en un coup d'oeil le modèle et son ajustement.

Tableau. Le tableau identifie la cible, la distribution des probabilités et la fonction de lien spécifiées dans les Paramètres de la cible. Si la cible est définie par des événements et des essais, la cellule est divisée de façon à montrer le champ des événements et le champ des essais ou un nombre fixe d'essais. En outre, le critère d'information Akaike corrigé (AICC) et le critère d'information bayésien (BIC) de l'échantillon fini sont affichés.

- *Akaike corrigé*. Mesure de sélection et de comparaison des modèles mixtes basée sur la valeur -2 de log de vraisemblance (restreinte). Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AICC "corrige" l'AIC pour obtenir des tailles d'échantillon plus petites. Plus la taille de l'échantillon augmente, plus l'AICC converge vers l'AIC.
- *Bayésien*. Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur la log-vraisemblance -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. Le critère BIC (Bayesian Information Criterion) "pénalise" lui aussi les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un nombre élevé d'entrées, par exemple), mais de façon plus stricte que le critère AIC (Akaike's Information Criterion).

Graphique. Si la cible est catégorielle, un tracé affiche l'exactitude du modèle final, soit le pourcentage de classifications correctes.

Structure de données

Cette vue offre un récapitulatif de la structure des données que vous avez spécifiée et vous aide à vérifier que les sujets et les mesures répétées ont été correctement spécifiés. Les informations observées pour le premier sujet sont affichées pour chaque champ de sujet, chaque champ de mesures répétées et la cible. En outre, le nombre de niveaux de chaque champ de sujet et champ de mesures répétées est affiché.

Valeurs prédites en fonction des valeurs observées

Pour les cibles continues, y compris les cibles spécifiées comme événements/essais, cette option affiche un nuage de points regroupé par casiers des valeurs prédites sur l'axe vertical en fonction des valeurs observées sur l'axe horizontal. Idéalement, les points devraient se trouver sur une ligne de 45 degrés ; cette vue peut vous indiquer si des enregistrements sont particulièrement mal prédits par le modèle.

Classification

Pour les cibles catégorielles, cette option affiche la classification croisée des valeurs observées par rapport aux valeurs prédites sur une carte de densité, ainsi que le pourcentage global correct.

Styles de tableaux. Il existe différents styles d'affichage, accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Pourcentages de ligne.** Affiche les pourcentages de ligne (les effectifs de cellules exprimés sous forme de pourcentage du nombre total de lignes) dans les cellules. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Effectifs de cellules.** Affiche les effectifs de cellules dans les cellules. L'ombrage de la carte de densité reste basé sur les pourcentages de ligne.
- **Carte de densité.** N'affiche aucune valeur dans les cellules, uniquement l'ombrage.

- **Compressé.** N'affiche aucun en-tête de ligne ou de colonne ni de valeur dans les cellules. Ceci peut être utile lorsque la cible possède de nombreuses catégories.

Manquantes. Si des enregistrements ont des valeurs manquantes sur la cible, elles sont affichées sur une ligne **(Manquant)** sous les lignes valides. Les enregistrements avec des valeurs manquantes ne contribuent pas au pourcentage général correct.

Cibles multiples. S'il existe plusieurs cibles catégorielles, chacune est affichée dans un tableau distinct et une liste déroulante **Cible** contrôle la cible à afficher.

Grands tableaux. Si la cible affichée comporte plus de 100 catégories, aucun tableau n'est affiché.

Effets fixes

Cette vue affiche la taille de chaque effet fixe dans le modèle.

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Diagramme.** Il s'agit d'un graphique dans lequel les effets sont triés de haut en bas dans l'ordre où ils ont été spécifiés sur les paramètres des effets fixes. Les lignes de connexion du diagramme sont pondérées en fonction de la signification de l'effet, une largeur de ligne plus importante correspondant à des effets plus importants (valeurs *p* plus petites). Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Table.** Il s'agit d'un tableau ANOVA pour le modèle général et les effets de modèle individuels. Les effets individuels sont triés de haut en bas dans l'ordre où ils ont été spécifiés sur les paramètres des effets fixes.

Signification. Il existe un curseur de signification qui contrôle les effets qui sont affichés dans la vue. Les effets ayant des valeurs de signification plus grandes que la valeur du curseur sont masqués. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les effets les plus importants. Par défaut, la valeur est de 1,00, de sorte qu'aucun effet n'est filtré en fonction de la signification.

Coefficients fixes

Cette vue affiche la valeur de chaque coefficient fixe du modèle. Veuillez noter que les facteurs (prédicteurs indépendants) sont codés par un indicateur dans le modèle, de sorte que les **effets** comportant des facteurs ont généralement plusieurs **coefficients** associés, un pour chaque catégorie excepté la catégorie correspondant au coefficient redondant.

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Diagramme.** Il s'agit d'un tracé qui affiche la constante d'abord, puis qui trie les effets de haut en bas dans l'ordre où ils ont été spécifiés sur les paramètres des effets fixes. Au sein des effets contenant des facteurs, les coefficients sont triés dans l'ordre croissant de la valeur des données. Les lignes de connexion du diagramme sont coloriées et pondérées en fonction de la signification du coefficient, une largeur de ligne plus importante correspondant à des coefficient plus importants (valeurs *p* plus petites). Il s'agit du style par défaut.
- **Table.** Affiche les valeurs, les tests de signification et les intervalles de confiance des coefficients de modèles individuels. Après la constante, les effets individuels sont triés de haut en bas dans l'ordre où ils ont été spécifiés sur les paramètres des effets fixes. Au sein des effets contenant des facteurs, les coefficients sont triés dans l'ordre croissant de la valeur des données.

Multinomiale. Si la distribution multinomiale est activée, la liste déroulante Multinomiale contrôle la catégorie de cible à afficher. L'ordre de tri des valeurs dans la liste est déterminé par la spécification des paramètres des options de création.

Exponentiel. Affiche les estimations de coefficient exponentiel et les intervalles de confiance pour certains types de modèles, y compris la régression logistique binaire (distribution binomial et lien logit), la régression logistique nominale (distribution multinomial et lien logit), la régression binomiale négative (distribution binomiale négative et lien log) et le modèle Log-linéaire (distribution de Poisson et lien log).

Signification. Il existe un curseur de signification qui contrôle les coefficients affichés dans la vue. Les coefficients ayant des valeurs de signification plus grandes que la valeur du curseur sont masqués. Ceci ne modifie pas le modèle, mais vous permet simplement de vous concentrer sur les coefficients les plus

importants. Par défaut, la valeur est de 1,00, de sorte qu'aucun coefficient n'est filtré en fonction de la signification.

Covariances à effet aléatoire

Cette vue affiche la matrice de covariance des effets aléatoires (**G**).

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Valeurs de covariance.** Il s'agit d'une carte de densité de la matrice de covariance dans laquelle les effets sont triés de haut en bas dans l'ordre où ils ont été spécifiés sur les paramètres des effets fixes. Les couleurs du corrélogramme correspondent aux valeurs des cellules telles qu'affichées dans la clé. Il s'agit de la valeur par défaut.
- **Corrélogramme.** Il s'agit d'une carte de densité de la matrice de covariance.
- **Compressé.** Il s'agit d'une carte de densité de la matrice de covariance sans les en-têtes de ligne et de colonne.

Blocs. S'il existe plusieurs blocs d'effets aléatoires, une liste déroulante Bloc permet de sélectionner le bloc à afficher.

Groupes. Si un bloc d'effets aléatoires possède une spécification de groupe, une liste déroulante Groupe permet de sélectionner le niveau de groupe à afficher.

Multinomiale. Si la distribution multinomiale est activée, la liste déroulante Multinomiale contrôle la catégorie de cible à afficher. L'ordre de tri des valeurs dans la liste est déterminé par la spécification des paramètres des options de création.

Paramètres de covariance

Cette vue affiche les estimations des paramètres de covariance et les statistiques associées aux effets résiduels et aléatoires. Il s'agit de résultats élaborés, mais fondamentaux, qui indiquent si la structure de covariance est appropriée ou pas.

Récapitulatif. Il s'agit d'un aide-mémoire pour le nombre de paramètres dans les matrices de covariance des effets résiduels (**R**) et aléatoires (**G**), le rang (nombre de colonnes) dans les matrices de plan des effets fixes (**X**) et aléatoires (**Z**) et le nombre de sujets définis par les champs de sujet qui définissent la structure des données.

Tableau des paramètres de covariance. Pour l'effet sélectionné, l'estimation, l'erreur standard et l'intervalle de confiance sont affichés pour chaque paramètre de covariance. Le nombre de paramètres affiché dépend de la structure de covariance de l'effet et, pour les blocs d'effets aléatoires, du nombre d'effets dans le bloc. Si vous voyez que les paramètres hors diagonale ne sont pas significatifs, vous pouvez peut-être utiliser une structure de covariance plus simple.

Effets. S'il y a plusieurs blocs d'effets aléatoires, il y a une liste déroulante Effet pour sélectionner le bloc d'effets résiduels ou aléatoires à afficher. L'effet résiduel est toujours disponible.

Groupes. Si un bloc d'effets résiduels ou aléatoires possède une spécification de groupe, une liste déroulante Groupe permet de sélectionner le niveau de groupe à afficher.

Multinomiale. Si la distribution multinomiale est activée, la liste déroulante Multinomiale contrôle la catégorie de cible à afficher. L'ordre de tri des valeurs dans la liste est déterminé par la spécification des paramètres des options de création.

Moyennes estimées : effets significatifs

Il s'agit des tracés affichés pour les 10 effets « les plus significatifs » de tous les facteurs fixes, avec d'abord les interactions tridirectionnelles, puis les interactions bidirectionnelles et enfin les effets principaux. Le graphique affiche la valeur de la cible estimée par le modèle sur l'axe vertical pour chaque valeur de l'effet principal (ou l'effet listé en premier dans une interaction) sur l'axe horizontal ; une ligne séparée est produite pour chaque valeur du deuxième effet listé dans une interaction ; un tracé distinct est produit pour chaque valeur du troisième effet listé dans une interaction tridirectionnelle ; tous les autres prédicteurs restent constants. Il offre une visualisation pratique des effets des coefficients de

chaque prédicteur sur la cible. Notez que si aucun prédicteur n'est significatif, aucune moyenne estimée n'est générée.

Confiance. Affiche les limites de confiance supérieure et inférieure pour les moyennes marginales, en utilisant le niveau de confiance spécifié dans le cadre des Options de création.

Moyennes estimées : effets personnalisés

Il s'agit de tableaux et de tracés relatifs aux effets de tous les facteurs fixes demandés par l'utilisateur.

Styles. Il existe différents styles d'affichage accessibles depuis la liste déroulante **Style**.

- **Diagramme.** Ce style affiche un graphique curviligne de la valeur de la cible estimée par le modèle sur l'axe vertical pour chaque valeur de l'effet principal (ou l'effet listé en premier dans une interaction) sur l'axe horizontal ; une ligne séparée est produite pour chaque valeur du deuxième effet listé dans une interaction ; un graphique séparé est produit pour chaque valeur du troisième effet listé dans une interaction tridirectionnelle ; tous les autres prédicteurs restent constants.

  Si des contrastes sont demandés, un autre graphique est affiché pour comparer les niveaux du champ contraste ; pour les interactions, un graphique est affiché pour chaque combinaison de niveau des effets autres que le champ contraste. Pour les contrastes **par paire**, il s'agit d'un graphique réseau des distances, soit une représentation graphique du tableau des comparaisons dans lequel les distances entre les noeuds du réseau correspondent aux différences entre les échantillons. Les lignes jaunes correspondent aux différences statistiquement significatives, alors que les lignes noires correspondent aux différences non significatives. Lorsque vous passez la souris sur une ligne du réseau, la signification ajustée de la différence entre les noeuds connectés par la ligne s'affiche dans une info-bulle.

  Pour les contrastes d'**écart**, un graphique à barres est affiché avec la valeur de la cible estimée par le modèle sur l'axe vertical et les valeurs du champ contraste sur l'axe horizontal ; pour les interactions, un graphique est affiché pour chaque combinaison de niveau des effets autres que le champ contraste. Les barres montrent la différence entre chaque niveau du champ contraste et la moyenne générale, qui est représentée par une ligne horizontale noire.

  Pour les contrastes **simples**, un graphique à barres est affiché avec la valeur de la cible estimée par le modèle sur l'axe vertical et les valeurs du champ contraste sur l'axe horizontal ; pour les interactions, un graphique est affiché pour chaque combinaison de niveau des effets autres que le champ contraste. Les barres montrent la différence entre chaque niveau du champ contraste (sauf le dernier) et le dernier niveau, qui est représenté par une ligne horizontale noire.
- **Tableau.** Ce style affiche un tableau de la valeur de la cible estimée par le modèle, son erreur standard et l'intervalle de confiance de chaque combinaison de niveau des champs de l'effet ; tous les autres prédicteurs restent constants.

  Si des contrastes sont demandés, un autre tableau est affiché avec l'estimation, l'erreur standard, le test de signification et l'intervalle de confiance de chaque contraste ; pour les interactions, il y a un ensemble séparé de lignes pour chaque combinaison de niveau des effets autres que le champ contraste. En outre, un tableau avec les résultats des tests globaux est affiché ; pour les interactions, il y a un test global séparé pour chaque combinaison de niveau des effets autres que le champ contraste.

Confiance. Affiche ou masque les limites de confiance supérieure et inférieure pour les moyennes marginales, en utilisant le niveau de confiance spécifié dans le cadre des Options de création.

Présentation Affiche ou masque la présentation du diagramme des contrastes par paire. La présentation en cercle est moins révélatrice des contrastes que la présentation en réseau mais évite que les lignes ne se chevauchent.

Paramètres

Lorsque le modèle est évalué, les éléments sélectionnés dans cet onglet doivent être générés. La valeur prédite (pour toutes les cibles) et la confiance (pour les cibles catégorielles) sont toujours calculées lorsque le modèle est évalué. La confiance calculée peut être basée sur la probabilité de la valeur prédite (la probabilité prédite la plus élevée) ou sur la différence entre la probabilité prédite la plus élevée et la deuxième probabilité prédite la plus élevée.

- **Probabilité prédite pour les cibles catégorielles.** Ceci génère les probabilités prédites pour les cibles catégorielles. Un champ est créé pour chaque modalité.
- **Scores de propension pour les cibles indicateur.** Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Le modèle produit des scores de propension brute. Si les partitions sont activées, le modèle produit également des scores de propension ajustée basés sur la partition de test.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud GLE

Le modèle GLE identifie la variable dépendante linéairement associée aux facteurs et qui est une covariable via une fonction de lien spécifiée. En outre, le modèle permet à la variable dépendante de suivre une distribution non normale. Il couvre des modèles statistiques largement utilisés comme la régression linéaire pour les réponses normalement distribuées, les modèles logistiques pour les données binaires, les modèles log-linéaires pour les données de décompte, les modèles log-log complémentaires pour les données de survie avec censure par intervalle, ainsi que de nombreux autres modèles statistiques via sa formulation de modèles très générale.

Exemples. Une compagnie de navigation peut utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression de Poisson au nombre de détériorations subies par plusieurs types de bateaux construits à des périodes différentes. Le modèle qui en résulte peut permettre de déterminer quels types de bateaux sont plus enclins aux détériorations.

Une compagnie d'assurance automobile peut utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression gamma à des actions en indemnisation pour des voitures. Le modèle qui en résulte peut permettre de déterminer les facteurs qui ont le plus d'influence sur le nombre de déclarations.

Des chercheurs en médecine peuvent utiliser des modèles linéaires généralisés pour ajuster une régression log-log complémentaire des données de survie censurées par intervalle pour prévoir la récurrence d'un état médical.

Les modèles linéaires généralisés créent une équation qui lie les valeurs de champ d'entrée aux valeurs de champ de sortie. Une fois le modèle créé, il peut être utilisé pour générer des valeurs pour de nouvelles données.

Pour une cible catégorielle, pour chaque enregistrement, une probabilité d'appartenance est calculée pour chaque catégorie de sortie. La catégorie cible présentant la plus forte probabilité devient la valeur de sortie prédite de l'enregistrement.

Conditions requises. Vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs d'entrée ou d'un champ cible (qui peut avoir un niveau de mesure *Continu*, *Catégoriel* ou *Indicateur*) doté de plusieurs catégories. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés.

Cible

Ces paramètres définissent la cible, sa distribution et sa relation avec les prédicteurs via la fonction de lien.

Cible La cible est obligatoire. Elle peut avoir n'importe quel niveau de mesure, et le niveau de mesure de la cible détermine les distributions et fonctions de lien appropriées.

- **Utiliser une cible prédéfinie** Pour utiliser les paramètres de cible d'un noeud type en amont (ou de l'onglet Types d'un noeud source en amont), sélectionnez cette option.
- **Utiliser une cible personnalisée** Pour affecter manuellement une cible, sélectionnez cette option.
- **Utiliser le nombre d'essais en tant que dénominateur** Lorsque la réponse cible est le nombre d'événements qui se produisent dans un ensemble d'essais, le champ cible contient le nombre d'événements et vous pouvez sélectionner un champ supplémentaire qui contient le nombre d'essais. Par exemple, lors du test d'un nouveau pesticide, vous devez exposer des échantillons de fourmis à différentes concentrations de pesticide et enregistrer le nombre de fourmis tuées et le nombre de fourmis exposées dans chaque échantillon. Dans ce cas, le champ enregistrant le nombre de fourmis tuées doit être spécifié comme le champ cible (d'événements), et le champ enregistrant le nombre de fourmis présentes dans chaque échantillon doit être spécifié comme le champ d'essais. Si le nombre de fourmis est identique dans tous les échantillons, alors le nombre d'essais peut être indiqué à l'aide d'une valeur fixe.

  Le nombre d'essais doit être supérieur ou égal au nombre d'événements pour chaque enregistrement. Les événements doivent être des entiers non négatifs et les essais des entiers positifs.
- **Personnaliser la catégorie de référence**. Pour une cible catégorielle, vous pouvez choisir la catégorie de référence. Cela peut avoir des conséquences sur certains résultats, comme les estimations de paramètre, mais ne devrait pas modifier l'ajustement du modèle. Par exemple, si votre cible prend les valeurs 0, 1 et 2, par défaut, la procédure fait de la dernière catégorie (la plus élevée), soit 2, la catégorie de référence. Dans cette situation, les estimations de paramètres doivent être interprétées comme étant relatives à la vraisemblance de la catégorie 0 ou 1 *par rapport* à la vraisemblance de la catégorie 2. Si vous spécifiez une catégorie personnalisée et que votre cible possède des libellés définis, vous pouvez définir la catégorie de référence en choisissant une valeur dans la liste. Ceci peut être pratique, si à mi-chemin de préciser un modèle, vous n'êtes pas sûr de la méthode de codage d'un champ spécifique.

Distribution de la cible et relation (lien) avec le modèle linéaire D'après les valeurs des prédicteurs, le modèle s'attend à ce que la distribution des valeurs de la cible revête la forme spécifiée, et à ce que les valeurs cibles soient liées linéairement aux prédicteurs via la fonction de lien spécifiée. Des raccourcis sont fournis pour plusieurs modèles communs, ou vous pouvez choisir un paramètre **personnalisé** si vous souhaitez ajuster une distribution particulière et une combinaison de fonction de lien qui n'apparaît pas sur la liste des raccourcis.

- **Modèle linéaire** Spécifie une distribution normale avec un lien d'identité, ce qui est utile lorsque la cible peut être prédite à l'aide d'une régression linéaire ou d'un modèle ANOVA.
- **Régression gamma** Spécifie une distribution gamma avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible ne contient que des valeurs positives et est arrondie à des valeurs supérieures.
- **Log-linéaire** Spécifie une distribution de Poisson avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible représente un nombre d'occurrences sur une période fixe.
- **Régression binomiale négative** Spécifie une distribution binomiale négative avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible et le dénominateur représentent le nombre d'essais requis pour observer *k* succès.
- **Régression Tweedie** Spécifie une distribution Tweedie avec des fonctions d'identité, de log ou de lien Power, qui sont utiles pour modéliser les réponses mixtes associant zéros et valeurs positives réelles. Ces distributions sont également appelées des distributions *Poisson composé*, *gamme composé* et *Poisson-gamma*.

- **Régression logistique multinomiale** Spécifie une distribution multinomiale qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse à plusieurs catégories. Elle utilise soit un lien logit cumulatif (résultats ordinaux), soit un lien logit généralisé (réponses nominales à plusieurs catégories).
- **Régression logistique binaire** Spécifie une distribution binomiale avec un lien logit, qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse binaire prédite par un modèle de régression logistique.
- **Probit binaire** Spécifie une distribution binomiale avec un lien probit, qui doit être utilisée lorsque la cible est une réponse binaire avec une distribution normale sous-jacente.
- **Intervalle - Données de survie censurées** Spécifie une distribution binomiale avec un lien log-log complémentaire, ce qui est utile dans l'analyse de survie lorsque certaines observations n'ont pas d'événement d'arrêt.
- **Personnalisé** Spécifiez votre propre combinaison de la distribution et de fonction de lien.

Distribution

Cette sélection spécifie la **distribution** de la cible. La possibilité d'indiquer une proportion non normale et une fonction de lien rattaché à aucune identité constitue l'amélioration essentielle du modèle linéaire généralisé par rapport au modèle linéaire. Il existe de nombreuses combinaisons de distribution/fonction de lien possibles, et plusieurs peuvent convenir à un de l'ensemble de données particulier. Votre choix peut être guidé par des considérations théoriques a priori ou en fonction de la combinaison qui vous semble la plus adaptée.

- **Automatique** Si vous n'êtes pas certain de la distribution à utiliser, sélectionnez cette option. Le noeud analyse vos données pour estimer et appliquer la meilleure méthode de distribution.
- **Binomiale** Cette distribution convient uniquement à une cible représentant une réponse binaire ou un nombre d'événements.
- **Gamma** Cette distribution convient à une cible avec des valeurs d'échelle positives arrondies à des valeurs positives supérieures. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Gaussienne inverse** Cette distribution convient à une cible avec des valeurs d'échelle positives arrondies à des valeurs positives supérieures. Si une valeur de données est inférieure ou égale à 0, ou manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Multinomiale** Cette distribution convient à une cible représentant une réponse à plusieurs catégories. La forme du modèle dépendra du niveau de mesure de la cible.

  Une cible **nominale** engendrera un modèle multinomial nominal dans lequel un ensemble de paramètres de modèle distinct est estimé pour chaque catégorie de la cible (à l'exception de la catégorie de référence). Les estimations de paramètre d'un prédicteur indiquent la relation entre ce prédicteur et la probabilité de chaque catégorie de la cible, par rapport à la catégorie de référence.

  Une cible **ordinale** engendrera un modèle multinomial ordinal dans lequel le terme de constante traditionnelle est remplacé par un ensemble de paramètres de **seuil** relatif à la probabilité cumulée des catégories de la cible.
- **Binomiale négative** La régression binomiale négative utilise une distribution binomiale négative avec un lien log, qui doit être utilisée lorsque la cible représente un nombre d'occurrences de variance élevée.
- **Normale** Cette distribution convient à une cible continue dont les valeurs suivent une distribution symétrique, en cloche, autour d'une valeur centrale (moyenne).
- **Poisson** Vous pouvez considérer cette distribution comme étant le nombre d'occurrences d'un événement d'intérêt au cours d'une période de temps fixe. Elle convient aux variables présentant des valeurs d'entier non négatif. Si une valeur de données n'est pas un entier, est inférieure à 0 ou est manquante, l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse.
- **Tweedie** Cette proportion ne convient qu'aux variables représentées par les mélanges Poisson de distributions gamma ; la distribution est "mélangée" dans le sens où elle combine les propriétés des distributions continues (elle prend des valeurs réelles non négatives) et discrètes (masse de probabilité positive à une seule valeur, 0). La variable dépendante doit être numérique, avec des valeurs de

données supérieures ou égales à zéro. Si une valeur de données est inférieure à 0, ou bien manquante, alors l'observation correspondante n'est pas utilisée dans l'analyse. La valeur fixe du paramètre de distribution Tweedie peut être tout nombre supérieur à un et inférieur à deux.

Fonctions de lien

La **fonction de lien** est une transformation de la cible permettant d'estimer le modèle. Les fonctions suivantes sont disponibles :

- **Automatique** Si vous n'êtes pas certain du lien à utiliser, sélectionnez cette option. Le noeud analyse vos données pour estimer et appliquer la meilleure fonction de lien.
- **Identité** $f(x)=x$. La cible n'est pas transformée. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.
- **Log-log complémentaire** $f(x)=\log(-\log(1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.
- **Cauchit** $f(x) = \tan(\pi\ (x - 0.5))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.
- **Log** $f(x)=\log(x)$. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.
- **Complément de log** $f(x)=\log(1-x)$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale.
- **Logit** $f(x)=\log(x\ /\ (1-x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.
- **Log-log négatif** $f(x)=-\log(-\log(x))$. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.
- **Probit** $f(x)=\Phi^{-1}(x)$, où Φ^{-1} représente la fonction de distribution cumulée normale standard inverse. Cette fonction convient uniquement à la distribution binomiale ou multinomiale.
- **Puissance** $f(x)=x^{\alpha}$, if $\alpha \neq 0$. $f(x)=\log(x)$, if $\alpha=0$. α est la spécification numérique requise et doit être un nombre réel. Ce lien peut être utilisé avec n'importe quelle distribution, excepté la distribution multinomiale.

Paramètre de Tweedie Uniquement disponible si vous avez sélectionné le bouton d'option **Régression Tweedie** ou la méthode de **Distribution** Tweedie. Sélectionnez une valeur comprise entre 1 et 2.

Effets de modèle

Les facteurs d'effets fixes sont généralement considérés comme des champs dont les valeurs d'intérêt sont toutes représentées dans l'ensemble de données, et pouvant être utilisés pour le scoring. Par défaut, les champs avec un rôle d'entrée prédéfini qui ne sont pas spécifiés ailleurs dans la boîte de dialogue sont entrés dans la partie effets fixes du modèle. Les champs qualitatifs (indicateurs, nominaux et ordinaux) sont utilisés comme facteurs dans le modèle et les champs continus sont utilisés comme covariables.

Entrez les effets dans le modèle en sélectionnant un ou plusieurs champs dans la liste source et en les faisant glisser vers la liste des effets. Le type d'effet créé dépend de l'endroit où vous déposez la sélection.

- **Principal** Les champs supprimés apparaissent sous forme d'effets principaux distincts au bas de la liste des effets.
- **2 directions** Toutes les paires possibles des champs supprimés apparaissent sous forme d'interactions bidirectionnelles au bas de la liste des effets.
- **3 directions** Tous les triplets possibles des champs supprimés apparaissent sous forme d'interactions tridirectionnelles au bas de la liste des effets.
- ***** La combinaison de tous les champs supprimés apparaît sous forme d'une interaction unique au bas de la liste des effets.

Les boutons situés à droite du Générateur d'effets vous permettent d'effectuer différentes actions :

Tableau 12. Description des boutons du Générateur d'effets

Icône	Description
	Supprimer des termes du modèle à effets fixes, en sélectionnant ceux que vous souhaitez supprimer. puis en cliquant sur le bouton de suppression.
	Réorganiser les termes dans le modèle à effets fixes, en sélectionnant ceux que vous souhaitez réorganiser, puis en cliquant sur les flèches vers le haut ou vers le bas.
	Ajouter des termes imbriqués au modèle à l'aide de la boîte de dialogue Ajouter un terme personnalisé, en cliquant sur le bouton Ajouter un terme personnalisé. o

Inclure la constante La constante est généralement incluse dans le modèle. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Ajout d'un terme personnalisé

Dans cette procédure, vous pouvez générer des termes imbriqués pour votre modèle. Les termes imbriqués sont utiles pour modéliser l'effet d'un facteur ou d'une covariable dont les valeurs n'interagissent pas avec les niveaux d'un autre facteur. Par exemple, une chaîne d'épiceries peut suivre les habitudes d'achat de ses clients dans divers magasins. Puisque chaque client ne fréquente qu'un seul de ces magasins, l'effet Client peut être considéré comme étant *imbriqué dans* l'effet Emplacement du magasin.

En outre, vous pouvez inclure des effets d'interaction, tels que des termes polynomiaux impliquant la même covariable, ou ajouter plusieurs niveaux d'imbrication au terme imbriqué.

Limites. Les termes imbriqués comportent les restrictions suivantes :

- Tous les facteurs d'une interaction doivent être uniques. Ainsi, si *A* est un facteur, la spécification *A*A* n'est pas valide.
- Tous les facteurs au sein d'un effet imbriqué doivent être uniques. Ainsi, si *A* est un facteur, la spécification *A(A)* n'est pas valide.
- Aucun effet ne peut être imbriqué dans une covariable. Ainsi, si *A* est un facteur et *X* une covariable, la spécification *A(X)* n'est pas valide.

Construction d'un terme imbriqué

1. Sélectionnez une covariable ou un facteur imbriqué dans un autre facteur, puis cliquez sur le bouton fléché.
2. Cliquez sur **(Dans)**.
3. Sélectionnez le facteur dans lequel la covariable ou le facteur précédent est imbriqué, puis cliquez sur le bouton fléché.
4. Cliquez sur **Ajouter un terme**.

Vous pouvez éventuellement inclure des effets d'interaction ou ajouter plusieurs niveaux d'imbrication au terme imbriqué.

Pondération et décalage

Pondération d'analyse Le paramètre d'échelle est un paramètre de modèle estimé lié à la variance de la réponse. Les pondérations d'analyse sont des valeurs « connues » , susceptibles de varier d'une observation à l'autre. Si le champ **Pondération d'analyse** est spécifié, le paramètre d'échelle, qui est lié à la variance de la réponse, est divisé par les valeurs de pondération d'analyse pour chaque observation.

Les enregistrements avec des valeurs de pondération d'analyse inférieures ou égales à 0, ou manquantes, ne sont pas utilisées dans l'analyse.

Décalage Le terme de décalage est un prédicteur *structurel*. Son coefficient n'est pas estimé par le modèle mais sa valeur est supposée être 1. Par conséquent, les valeurs du décalage sont simplement ajoutées au prédicteur linéaire de la cible. Cela s'avère particulièrement utile dans les modèles de régression de Poisson, dans lesquels chaque observation peut avoir différents niveaux d'exposition à l'événement étudié.

Par exemple, lors de la modélisation des taux d'accident pour des conducteurs, la différence est importante entre un conducteur avec trois ans de conduite qui est en tort dans un accident et un autre conducteur n'ayant été en tort qu'une fois en 25 ans. Le nombre d'accidents peut être modélisé comme une réponse de type Poisson ou binominale négative avec un lien de journal si le logarithme naturel de l'expérience du lecteur est inclus comme un terme de décalage.

D'autres combinaisons de distribution et types de liens nécessiteraient d'autres transformations de la variable de décalage.

Options de création

Ces sélections spécifient des critères plus avancés utilisés pour créer le modèle.

Ordre de tri Ces commandes déterminent l'ordre des catégories de la cible et des facteurs (entrées catégorielles) afin de déterminer la "dernière" catégorie. Le paramètre ordre de tri de la cible est ignoré si la cible n'est pas catégorielle ou si une catégorie de référence personnalisée est spécifiée sur les paramètres «Cible », à la page 224.

Paramètres post-estimation Ces paramètres déterminent la façon dont une partie du résultat du modèle est calculée pour l'affichage.

- **Niveau de confiance (%)** Il s'agit du niveau de confiance utilisé pour calculer les estimations d'intervalle des coefficients du modèle. Indiquez une valeur comprise entre 0 et 100. La valeur par défaut est 95.
- **Degrés de liberté** Spécifie la façon dont les degrés de liberté sont calculés pour les tests de signification. Choisissez **Fixes pour tous les tests (méthode des résidus)** si la taille de votre échantillon est suffisamment grande, si les données sont équilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance plus simple ; par exemple, identité mise à l'échelle ou diagonale. Il s'agit de la valeur par défaut. Choisissez **Différents selon les tests (approximation Satterthwaite)** si la taille de votre échantillon est petite, si les données sont déséquilibrées ou si le modèle utilise un type de covariance compliqué ; par exemple, non structuré.
- **Tests des effets fixes et coefficients.**. C'est la méthode de calcul de la matrice de covariance des estimations de paramètres. Choisissez l'estimation robuste si vous craignez de ne pas respecter les hypothèses du modèle.

Détecter les valeurs extrêmes influentes Pour toutes les distributions sauf la distribution multinomiale, sélectionnez cette option pour identifier les valeurs extrêmes influentes.

Mener une analyse de tendance Pour un nuage de points, sélectionnez cette option pour mener une analyse de tendance.

Estimation

Méthode Sélectionnez la méthode d'estimation de vraisemblance maximale à utiliser. Les options possibles sont :

- évaluation de Fisher
- Newton-Raphson
- Hybride

Nombre maximum d'itérations Fisher Indiquez un entier non négatif. Une valeur de 0 spécifie la méthode Newton-Raphson. Les valeurs supérieures à 0 indiquent d'utiliser l'algorithme des coordonnées de Fisher jusqu'au numéro d'itération *n*, où *n* correspond à l'entier spécifié, suivi de Newton-Raphson.

Méthode de paramètre d'échelle Sélectionnez la méthode d'estimation du paramètre d'échelle. Les options possibles sont :

- Estimation du maximum de vraisemblance
- Valeur fixe. Vous pouvez également définir la **Valeur** à utiliser.
- Déviance
- Khi-carré de Pearson

Méthode binomiale négative Sélectionnez la méthode d'estimation du paramètre auxiliaire de la distribution binomiale négative. Les options possibles sont :

- Estimation du maximum de vraisemblance
- Valeur fixe. Vous pouvez également définir la **Valeur** à utiliser.

Calculer les moindres carrés non négatifs. Sélectionnez cette option pour effectuer une estimation des moindres carrés non négatifs (NNLS). NNLS est un type de problème de moindres carrés contraints où les coefficients ne sont pas autorisés à devenir négatifs. Tous les ensembles de données ne sont pas adaptés à la méthode NNLS qui exige une corrélation positive ou nulle entre les prédicteurs et la cible.

Convergence des paramètres La convergence est prise en compte si la modification absolue ou relative maximum des estimations de paramètres est inférieure à la valeur spécifiée, qui doit être non négative. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Convergence de log de vraisemblance La convergence est prise en compte si la modification absolue ou relative de la fonction log de vraisemblance est inférieure à la valeur spécifiée, qui doit être non négative. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Convergence de Hess Pour la spécification **Absolu**, la convergence est prise en compte si une statistique basée sur la matrice de Hess est inférieure à la valeur indiquée. Pour la spécification **Relatif**, la convergence est prise en compte si la statistique est inférieure au produit de la valeur indiquée et de la valeur absolue du log de vraisemblance. Le critère n'est pas utilisé si la valeur spécifiée est égale à 0.

Nombre maximal d'itérations Vous pouvez spécifier le nombre maximal d'itérations exécutées par l'algorithme. L'algorithme utilise un double processus itératif qui comporte une boucle interne et une boucle externe. La valeur maximale d'itérations indiquée s'applique aux deux boucles. Spécifiez un nombre entier non négatif. La valeur par défaut est 100.

Tolérance de singularité Cette valeur est utilisée comme valeur de tolérance lors du contrôle des singularités. Indiquez une valeur positive.

Remarque : Par défaut, le paramètre **Convergence des paramètres** est utilisé lorsque le critère **Absolu** de modification maximum est contrôlé avec une tolérance 1E-6. Ce paramètre peut produire des résultats différents de ceux obtenus dans les versions antérieures à la version 17. Pour reproduire les résultats de ces versions, utilisez le critère de convergence des paramètres **Relatif** et conservez la valeur de tolérance IE-6 par défaut.

Sélection de modèle

Utiliser la sélection de modèle ou la régularisation Pour activer les contrôles de cette sous-fenêtre, cochez cette case.

Méthode Sélectionnez la méthode de la sélection de modèle ou, si vous utilisez **Pseudo-orthogonale**, la régularisation à utiliser. Vous pouvez choisir parmi les options suivantes :

- **Lasso** Aussi appelée Régularisation L1, cette méthode est plus rapide que Pas à pas ascendante s'il existe un plus grand nombre de prédicteurs. Elle évite le surajustement en réduisant les paramètres (c'est-à-dire en leur imposant une pénalité). Elle peut réduire certains paramètres à zéro, et exécuter une sélection lasso de variable.

- **Pseudo-orthogonale** Aussi appelée Régularisation L2, cette méthode évite le surajustement en réduisant les paramètres (c'est-à-dire en leur imposant une pénalité). Elle réduit tous les paramètres en fonction des mêmes proportions, mais n'en élimine aucun et ne constitue pas une méthode de sélection de variable.
- **Elastic Net** Aussi appelée Régularisation L1 + L2, cette méthode évite le surajustement en réduisant les paramètres (c'est-à-dire en leur imposant une pénalité). Elle peut réduire certains paramètres à zéro, et exécuter une sélection de variable.
- **Pas à pas ascendante** Cette méthode commence sans effet dans le modèle et ajoute et supprime des effets une étape à la fois, jusqu'à ce qu'aucune autre ne puisse être ajoutée ou supprimée en fonction des critères pas à pas.

Détecter automatiquement les interactions bidirectionnelles Pour détecter automatiquement les interactions bidirectionnelles, sélectionnez cette option.

Paramètres de pénalité

Ces options ne sont disponibles que si vous sélectionnez la **Méthode** Lasso ou Elastic Net.

Sélectionner automatiquement les paramètres de pénalité Si vous n'êtes pas sûr des pénalités de paramètre à définir, cochez cette case. Le noeud identifie et applique alors les pénalités.

Paramètre de pénalité Lasso Entrez le paramètre de pénalité à utiliser par la **Méthode** de sélection de modèle Lasso .

Paramètre de pénalité Elastic Net 1 Entrez le paramètre de pénalité L1 à utiliser par la **Méthode** de sélection de modèle Elastic Net.

Paramètre de pénalité Elastic Net 2 Entrez le paramètre de pénalité L2 à utiliser par la **Méthode** de sélection de modèle Elastic Net.

Pas à pas ascendante

Ces options ne sont disponibles que si vous sélectionnez la **Méthode** Pas à pas ascendante.

Inclure les effets avec des valeurs p inférieures à Spécifiez la valeur de vraisemblance minimum que les effets peuvent avoir pour être inclus dans le calcul.

Supprimer les effets avec une valeur p supérieure à Spécifiez la valeur de vraisemblance maximum que les effets peuvent avoir pour être inclus dans le calcul.

Personnaliser le nombre maximum d'effets dans le modèle final Pour activer l'option **Nombre maximal d'effets**, cochez cette case.

Nombre maximal d'effets Spécifiez le nombre maximum d'effets lorsque vous utilisez la méthode de génération pas à pas ascendante.

Personnaliser le nombre maximal d'étapes Pour activer l'option **Nombre d'étapes maximal**, cochez cette case.

Nombre d'étapes maximal Spécifiez le nombre d'étapes maximal lorsque vous utilisez la méthode de génération pas à pas ascendante.

Options de modèle

Nom du modèle Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle, à partir du champ cible, ou spécifier un nom **personnalisé**. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible. S'il existe plusieurs cibles, le nom du modèle correspond aux noms des champs reliés par des perluètes. Par exemple, si champ1, champ2 et champ3 sont des cibles, alors le nom du modèle est : *champ1 & champ2 & champ3*.

Calculer l'importance des prédicteurs Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance des prédicteurs peut prendre davantage de temps à être calculée pour certains modèles, en particulier si vous travaillez sur de plus grands jeux de données, et qu'elle est par conséquent désactivée par défaut pour certains modèles.

Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Nugget de modèle GLE

Sortie de nugget de modèle GLE

Une fois qu'un modèle GLE a été créé, les informations suivantes sont disponibles dans la sortie.

Tableau Informations sur le modèle

Le tableau Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Le tableau identifie certains paramètres de modèle de niveau supérieur, notamment :

- Le nom du champ cible sélectionné dans l'onglet Champs du noeud Type ou du noeud GLE.
- Les pourcentages de catégorie de cible modélisés et de référence.
- La distribution de probabilité et la fonction de lien associée.
- La méthode de génération de modèle utilisée.
- Le nombre d'entrées de prédicteurs et le nombre dans le modèle final.
- Le pourcentage de l'exactitude du classement.
- Le type de modèle.
- Le pourcentage de l'exactitude du modèle, si la cible est continue.

Récapitulatif des enregistrements

Le tableau récapitulatif affiche le nombre d'enregistrements qui ont été utilisés pour ajuster le modèle, et le nombre de ceux qui ont été exclus. Les détails affichés incluent le nombre et le pourcentage des enregistrements inclus et exclus, ainsi que le numéro non pondéré si vous avez utilisé la pondération de fréquence.

Importance des prédicteurs

Le graphique Importance des prédicteurs indique l'importance des 10 premières entrées (prédicteurs) dans le modèle sous forme de diagramme à barres.

S'il existe plus de 10 champs dans le diagramme, vous pouvez modifier la sélection des prédicteurs qui sont inclus dans le graphique en utilisant le curseur sous ce dernier. Les marques d'indicateur sur le curseur sont une largeur fixe et chaque marque sur le curseur représente 10 champs. Vous pouvez déplacer les marques d'indicateurs sur le curseur pour afficher les 10 champs suivants ou précédents, classés selon l'importance des prédicteurs.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le diagramme pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle vous pouvez modifier les paramètres du diagramme. Par exemple, vous pouvez modifier des éléments comme la taille du diagramme et la taille et la couleur des polices utilisées. Lorsque vous fermez cette boîte de dialogue d'édition séparée, les modifications s'appliquent au diagramme qui s'affiche dans l'onglet Sortie.

Graphique Résiduel par prévision

Vous pouvez utiliser ce graphique pour identifier les valeurs extrêmes, ou pour diagnostiquer la non-linéarité ou la variance d'erreur non constante. Un graphique idéal affiche les points dispersés de façon aléatoire autour de la ligne zéro.

Le modèle attendu est que la distribution des résiduels de déviance standardisés dans les valeurs prévues du prédicteur linéaire a une valeur moyenne de zéro et une plage constante. Le modèle attendu est une ligne horizontale de zéro.

Paramètres du nugget de modèle GLE

Dans l'onglet Paramètres d'un nugget de modèle GLE, vous indiquez les options de confiance et de génération SQL au cours du scoring du modèle. Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les scores de propension brute Pour les modèles disposant de cibles indicateur uniquement, vous pouvez demander des scores de propension brute qui indiquent la probabilité du résultat vrai (true) spécifié pour le champ cible. Ceux-ci s'ajoutent aux valeurs standard de prédiction et de confiance. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée :

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud de Cox

La régression Cox crée un modèle prédictif pour les données concernant le temps écoulé jusqu'à un événement. Le modèle génère une fonction de survie qui prévoie la probabilité d'occurrence de l'événement étudié à un instant *t* donné pour les valeurs fournies pour les prédicteurs. La forme de la fonction de survie et les coefficients de régression des prédicteurs sont estimés à partir de sujets observés ; le modèle peut alors s'appliquer à de nouvelles observations ayant des mesures pour les variables prédicteur. Notez que les informations provenant de sujets censurés, autrement dit celles qui ne font pas état de l'événement en question pendant la durée de l'observation, contribuent utilement à l'estimation du modèle.

Exemple. Dans ses efforts pour réduire l'attrition de la clientèle, une entreprise de télécommunication s'intéresse à la modélisation de la "durée jusqu'à l'attrition" afin de déterminer les facteurs associés aux clients qui changent rapidement de service. A ces fins, un échantillon de clients est sélectionné au hasard, et la durée passé comme client (qu'ils soient des clients actifs ou non) et différents champs démographiques sont extraits de la base de données.

Conditions requises. Vous devez avoir un ou plusieurs champs d'entrée, exactement un champ cible et vous devez préciser un champ de durée de survie dans le noeud de Cox. Le champ cible doit être codé afin que la valeur « fausse » indique la survie et que la valeur « vraie » indique que l'événement donné s'est produit. Celui-ci doit comporter un niveau de mesure *Indicateur* avec stockage de chaîne ou d'entier. (Le stockage peut être converti à l'aide d'un noeud Remplacer ou Calculer si nécessaire). Les champs paramétrés sur *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. Les types des champs utilisés dans ce modèle doivent être complètement instanciés. La durée de survie peut être tout champ numérique.

Remarque : Lors de l'évaluation d'un modèle de régression de Cox, une erreur est signalée si des chaînes vides dans les variables catégorielles sont utilisées comme entrées pour la génération de modèle. Evitez d'utiliser des chaînes vides comme entrées.

Dates & Heures. Les champs Date & Heure ne peuvent pas être utilisés pour définir directement la durée de survie. Si vous avez des champs Date & Heure, vous devez les utiliser pour créer un champ contenant des durées de survie basées sur la différence entre la date d'entrée dans l'étude et la date d'observation.

Analyse Kaplan-Meier. La régression de Cox peut être effectuée sans champ d'entrée. Elle est semblable à l'analyse Kaplan-Meier.

Noeud de Cox - Options de champs

Durée de survie. Choisissez un champ numérique (qui comporte un niveau de mesure *Continu*) afin de rendre le noeud exécutable. La durée de survie indique la durée de vie de l'enregistrement prédit. Par exemple, lors de la modélisation de la durée jusqu'à l'attrition de la clientèle, ceci serait le champ qui spécifie la durée pendant laquelle une personne a été cliente de l'entreprise. La date à laquelle le client a rejoint ou quitté l'entreprise n'affecte pas le modèle, seule la durée pendant laquelle le client a bénéficié du service s'applique.

La durée de survie est une durée sans unités. Vous devez vous assurer que les champs d'entrée correspondent à la durée de survie. Par exemple, au cours d'une étude qui mesure l'attrition par mois, vous utiliseriez les ventes par mois comme entrée au lieu des ventes par année. Si vos données contiennent des dates de début et de fin au lieu d'une durée, vous devez recoder ces dates en une durée en amont du noeud de Cox.

Les autres champs de cette boîte de dialogue sont les champs habituels de IBM SPSS Modeler. Pour plus d'informations, voir «Options de champs des noeuds modélisation», à la page 29.

Noeud de Cox - Options de modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Méthode. Les options suivantes sont disponibles pour la saisie de prédicteurs dans le modèle :

- **Entrée.** Cette méthode par défaut intègre directement toutes les caractéristiques dans le modèle. Aucune sélection de champ n'intervient dans la création du modèle.
- **Pas à pas.** Comme son nom l'indique, la méthode de sélection de champs pas à pas génère le modèle par étapes. Le modèle initial est le modèle le plus simple : son modèle ne comporte aucune caractéristique de modèle (à l'exception de la constante). A chaque étape, les caractéristiques qui n'ont pas encore été intégrées au modèle sont évaluées et celles qui améliorent de manière significative la puissance de prévision du modèle sont alors ajoutées au modèle. De plus, les caractéristiques déjà intégrées au modèle sont réévaluées afin de déterminer si certaines d'entre elles peuvent être supprimées sans que cela affecte le fonctionnement du modèle. Si c'est le cas, elles sont supprimées. Le processus se répète et d'autres caractéristiques sont donc ajoutées et/ou supprimées. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, ou qu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, le modèle final est généré.
- **Pas à pas descendante.** Cette méthode est le contraire de la méthode Pas à pas. Avec cette méthode, le modèle initial utilise toutes les caractéristiques en tant que prédicteurs. A chaque étape, les caractéristiques du modèle sont évaluées et celles dont la suppression n'a aucune incidence sur le fonctionnement du modèle sont supprimées. De plus, les caractéristiques précédemment supprimées sont réévaluées afin de déterminer si la meilleure d'entre elles améliore de manière significative la puissance de prévision du modèle. Si c'est le cas, elle est rajoutée au modèle. Lorsqu'aucune caractéristique ne peut être supprimée du modèle sans risquer de le dégrader, et qu'aucune caractéristique ne peut être ajoutée au modèle pour l'améliorer, le modèle final est généré.

Remarque : Les méthodes de sélection de champs automatiques (Pas à pas et Pas à pas descendante) sont des méthodes d'apprentissage extrêmement flexibles qui ont une forte tendance à surajuster les données d'apprentissage. Lorsque vous utilisez ces méthodes, il est important de vérifier la validité du modèle généré, soit à l'aide de nouvelles données, soit à l'aide d'un échantillon de test retenu créé à l'aide du noeud Partitionner.

Groupes. Lorsque vous spécifiez un champ de groupes, le noeud calcule des modèles séparés pour chaque catégorie du champ. Il peut être tout champ catégoriel (Indicateur ou Nominal) avec stockage de chaîne et d'entier.

Type de modèle. Deux options permettent de définir les caractéristiques de votre modèle. Les modèles **Effets principaux** incluent les champs d'entrée individuellement et ne testent pas les interactions (effets multiplicateurs) entre les champs d'entrée. Les modèles **personnalisés** comprennent uniquement les caractéristiques (effets principaux et interactions) que vous indiquez. Lorsque cette option est sélectionnée, utilisez la liste Caractéristiques du modèle pour ajouter des caractéristiques au modèle ou pour en supprimer.

Caractéristiques du modèle. Lorsque vous créez un modèle personnalisé, vous devez indiquer explicitement ses caractéristiques. La liste répertorie toutes les caractéristiques actuelles du modèle. Les boutons situés à droite de la liste Caractéristiques du modèle permettent d'ajouter et de supprimer des caractéristiques de modèle.

- Pour ajouter des caractéristiques au modèle, cliquez sur le bouton *Ajouter de nouvelles caractéristiques au modèle*.
- Pour supprimer des caractéristiques, sélectionnez-les, puis cliquez sur le bouton *Supprimer les caractéristiques du modèle sélectionné*.

Ajout de caractéristiques à un modèle de régression de Cox

Lorsque vous demandez un modèle personnalisé, vous pouvez ajouter des caractéristiques à ce modèle en cliquant sur le bouton *Ajouter de nouvelles caractéristiques au modèle* de l'onglet Modèle. Dans la boîte de dialogue qui apparaît, vous pouvez indiquer les caractéristiques souhaitées.

Type de caractéristique à ajouter. Il existe plusieurs méthodes pour ajouter des caractéristiques au modèle. Ces méthodes dépendent de la sélection des champs d'entrée dans la liste Champs disponibles.

- **Interaction simple.** Insère la caractéristique représentant l'interaction de tous les champs sélectionnés.
- **Effets principaux.** Insère une caractéristique effet principal (le champ lui-même) pour chaque champ d'entrée sélectionné.
- **Toutes les interactions bidirectionnelles.** Insère une interaction de second ordre (le produit des champs d'entrée) pour chaque paire possible de champs d'entrée sélectionnés. Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B* et *C* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B*, *A * C* et *B * C*.
- **Toutes les interactions à trois directions.** Insère un terme d'interaction à trois directions (le produit des champs d'entrée) pour chaque combinaison possible de champs d'entrée sélectionnés (trois à la fois). Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B*, *C* et *D* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B * C*, *A * B * D*, *A * C * D* et *B * C * D*.
- **Toutes les interactions à quatre directions.** Insère un terme d'interaction à quatre directions (le produit des champs d'entrée) pour chaque combinaison possible de champs d'entrée sélectionnés (quatre à la fois). Par exemple, si vous avez sélectionné les champs d'entrée *A*, *B*, *C*, *D* et *E* dans la liste Champs disponibles, cette méthode insère les caractéristiques *A * B * C * D*, *A * B * C * E*, *A * B * D * E*, *A * C * D * E* et *B * C * D * E*.

Champs disponibles. Répertorie les champs d'entrée disponibles à utiliser lors de la création des caractéristiques de modèle. Veuillez noter que cette liste peut inclure des champs qui ne sont pas des champs d'entrée valides. Vérifiez que toutes les caractéristiques de modèle incluent uniquement des champs d'entrée.

Aperçu. Affiche les caractéristiques qui seront ajoutées au modèle si vous cliquez sur **Insérer**, en fonction des champs sélectionnés et du type de caractéristique sélectionné ci-dessus.

Insérer. Insère les caractéristiques du modèle (en fonction des champs et du type de caractéristique sélectionnés), puis ferme la boîte de dialogue.

Noeud de Cox - Options expert

Convergence. Ces options vous permettent de contrôler les paramètres de convergence des modèles. Lorsque vous exécutez le modèle, les paramètres de convergence contrôlent le nombre d'exécutions répétées des différents paramètres pour déterminer leur degré d'adéquation. Plus les essais de paramètres sont nombreux, plus les résultats sont proches (en d'autres termes, plus les résultats convergent). Pour plus d'informations, voir «Critères de convergence du noeud de Cox», à la page 235.

Sortie. Ces options vous permettent de demander des statistiques et des tracés supplémentaires, y compris la courbe de survie, qui apparaîtront dans les sorties avancées du modèle généré par le noeud. Pour plus d'informations, voir «Options de sortie avancée du noeud de Cox», à la page 235.

Pas à pas. Ces options vous permettent de contrôler les critères d'ajout et de suppression des champs avec la méthode d'estimation Pas à pas. (Le bouton est désactivé si la méthode Entrée est sélectionnée.) Pour plus d'informations, voir «Critères d'analyse pas à pas du noeud de Cox», à la page 236.

Critères de convergence du noeud de Cox

Nombre maximal d'itérations. Permet de spécifier le maximum d'itérations pour le modèle, ce qui commande la durée de la procédure pour la recherche d'une solution.

Convergence du log de vraisemblance. Les itérations sont interrompues lorsque la modification relative du log de vraisemblance est inférieure à la valeur indiquée. Le critère n'est pas utilisé si la valeur est 0.

Convergence des paramètres. Les itérations sont interrompues lorsque la modification absolue ou relative des estimations des paramètres est inférieure à la valeur indiquée. Le critère n'est pas utilisé si la valeur est 0.

Options de sortie avancée du noeud de Cox

Statistiques. Vous pouvez obtenir des statistiques sur les paramètres du modèle, y compris des intervalles de confiance pour exp(*B*) et la corrélation des estimations. Vous pouvez afficher les statistiques du modèle à chaque pas ou uniquement au dernier pas.

Afficher la fonction de ligne de base. Permet d'afficher la fonction de base de hasard et la survie cumulée à la moyenne des covariables.

Tracés

Les diagrammes permettent d'évaluer le modèle estimé et d'interpréter les résultats. Vous ne pouvez pas représenter les fonctions Survie, Hasard, LN (-Logn), et Un moins survie.

- *Survie*. Affiche la fonction de survie cumulée d'après une échelle linéaire.
- *Risque*. Affiche la fonction de risque cumulée sur une échelle linéaire.
- **Log moins log.** Affiche l'estimation cumulative de survie après que la transformation ln(-ln) lui ait été appliquée.
- *Un moins survie*. Trace un moins la fonction de survie sur une échelle linéaire.

Représenter une ligne distincte pour chaque valeur. Cette option est disponible uniquement pour les champs catégoriels.

Valeur à utiliser pour les tracés. Parce que ces fonctions dépendent des valeurs des prédicteurs, vous devez utiliser des valeurs de prédicteurs constants pour afficher ces fonctions et leur durée. L'option par défaut est d'utiliser la moyenne de chaque prédicteur comme valeur constante, mais vous pouvez saisir vos propres valeurs de tracé à l'aide de la grille. Le codage d'indicateur est utilisé pour les entrées catégorielles. Par conséquent, il y a un coefficient de régression pour chaque catégorie (sauf la dernière). Ainsi, une entrée catégorielle a une valeur moyenne pour chaque contraste d'indicateur égal à la proportion des cas dans la catégorie correspondante au contraste d'indicateur.

Critères d'analyse pas à pas du noeud de Cox

Critère de suppression. Sélectionnez **Rapport de vraisemblance** pour obtenir un modèle plus fiable. Pour réduire la durée de création de ce modèle, vous pouvez essayer de sélectionner **Wald**. L'option supplémentaire **Conditionnel** fournit un test de suppression basé sur la probabilité de la statistique du rapport de vraisemblance, en fonction des estimations des paramètres conditionnels.

Seuils de signification des critères. Cette option vous permet de spécifier des critères de sélection basés sur la probabilité statistique (la valeur *p*) associée à chaque champ. Les champs sont ajoutés au modèle uniquement si la valeur *p* associée est inférieure à la valeur spécifiée dans le champ **Entrée** ; ils sont supprimés uniquement si la valeur *p* est supérieure à la valeur spécifiée dans le champ **Suppression**. La valeur du champ **Entrée** doit être inférieure à la valeur du champ **Suppression**.

Options des paramètres du noeud de Cox

Prédire la survie à des moments ultérieurs. Spécifie un ou plusieurs moments ultérieurs. La survie, c'est-à-dire si chaque cas est susceptible de survivre pour au moins cette durée (à partir de maintenant) sans que l'événement final ne se produise, est prédite pour chaque enregistrement à chaque valeur temporelle, une prédiction par valeur temporelle. Veuillez noter que la survie est la valeur "fausse" du champ cible.

- **Intervalles réguliers.** Les valeurs temporelles de survie sont générées à partir de l'**intervalle de temps** spécifié et par le **nombre de périodes à déterminer**. Par exemple, si 3 périodes sont demandées avec un intervalle de 2 entre chaque période, la survie sera prédite pour les moments ultérieurs 2, 4, 6. Chaque enregistrement est évalué aux mêmes périodes temporelles.
- **Champs Temps.** Les durées de survie sont fournies pour chaque enregistrement dans chaque champ temporel choisi (un champ de prédiction est généré). Par conséquent, chaque enregistrement peut être évalué à différents moments.

Temps de survie passé. Définir la durée de survie de l'enregistrement jusqu'à maintenant, par exemple, la durée d'affectation d'un client existant comme champ. L'évaluation de la probabilité de survie à un moment ultérieur sera dépendant de la durée de survie antérieure.

Remarque : Les valeurs des durées de survie ultérieures et antérieures doivent être comprises dans l'intervalle des durées de vie des données utilisées pour former le modèle. Les enregistrements dont les durées de survie ne sont pas dans cet intervalle sont considérés comme nuls.

Ajouter toutes les probabilités. Spécifie l'ajout ou le non-ajout des probabilités de chacune des catégories du champ de sortie à chacun des enregistrements traités par le noeud. Lorsqu'elle ne l'est pas, seule la probabilité de la catégorie prédite est ajoutée. Les probabilités sont calculées pour chaque moment ultérieur.

Calculer la fonction de risque cumulée. Spécifie si la valeur des risques cumulatifs est ajoutée à chaque enregistrement. Les risques cumulatifs sont calculés pour chaque moment ultérieur.

Nugget de modèle Cox

Les modèles de régression de Cox représentent les équations estimées par les noeuds de Cox. Ils contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle, ainsi que des informations sur la structure et les performances du modèle.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un modèle de régression de Cox généré, le noeud crée deux champs contenant la prévision du modèle et la probabilité associée. Les noms des nouveaux champs sont dérivés du nom du champ de sortie prédit, précédé du préfixe*$C-* pour la catégorie prédite *$CP-* pour la probabilité associée, suivi du chiffre de l'intervalle du moment ultérieur ou du nom du champ temporel qui définit l'intervalle temporel. Par exemple, pour un champ de sortie nommé *attrition* et deux intervalles de temps ultérieurs définis à intervalle régulier, les nouveaux champs seront appelés *$C-attrition-1*, *$CP-attrition-1*, *$C-attrition-2*, et *$CP-attrition-2*. Si les moments ultérieurs sont définis avec un champ de temps *durée d'affectation*, les nouveaux champs seront *$C-attrition_durée d'affectation* et *$CP-attrition_durée d'affectation*.

Si vous avez sélectionné l'option de paramétrage **Ajouter toutes les probabilités** dans le noeud de Cox, deux champs supplémentaires seront ajoutés pour chaque moment ultérieur, contenant les probabilités de survie et d'échec pour chaque enregistrement. Ces champs supplémentaires sont nommés en fonction du nom du champ de sortie, précédé du préfixe *$CP-<valeur faux>-* pour la probabilité de survie et*$CP-<valeur vrai>-* pour la probabilité que l'événement se soit produit, suivi du chiffre de l'intervalle de temps ultérieur. Par exemple, pour un champ de sortie où la valeur "faux" est 0 et la valeur "vrai" est 1, et deux intervalles de temps ultérieurs définis à intervalles réguliers, les nouveaux champs seront nommés *$CP-0-1*, *$CP-1-1*, *$CP-0-2*, et *$CP-1-2*. Si les moments ultérieurs sont définis avec un champ de temps unique *durée d'affectation*, les nouveaux champs seront *$CP-0-1* et *$CP-1-1*, car il n'y a qu'un seul intervalle ultérieur

Si vous avez sélectionné l'option de paramétrage **Calculer la fonction de risque cumulée** dans le noeud de Cox, un champ supplémentaire sera ajouté pour chaque moment ultérieur, contenant la fonction de risque cumulée pour chaque enregistrement. Ces champs supplémentaires sont nommés en fonction du nom du champ de sortie, précédé du préfixe *$CH-*, suivi du chiffre de l'intervalle de temps ultérieur. Par exemple, pour un champ de sortie nommé *attrition* et deux intervalles de temps ultérieurs définis à intervalle régulier, les nouveaux champs seront appelés *$CH-attrition-1* et *$CH-attrition-2*. Si les moments ultérieurs sont définis avec un champ de temps *durée d'affectation*, le nouveau champ sera *$CH-attrition-1*.

Paramètres de sortie de la régression de Cox

Sauf dans le cas de la génération SQL, l'onglet Paramètres du nugget contient les mêmes contrôles que l'onglet Paramètres du noeud de modèle. Les valeurs par défaut des commandes du nugget sont déterminées par les valeurs définies dans le noeud du modèle. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options des paramètres du noeud de Cox», à la page 236.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Sorties avancées du noeud Régression de Cox

La sortie avancée de la régression de Cox vous fournit des informations détaillées sur le modèle évalué et ses performances, y compris la courbe de survie. Dans la mesure où la plupart des informations contenues dans la sortie avancée ont un caractère technique, il est nécessaire d'avoir une bonne connaissance de la régression de Cox pour pouvoir les interpréter correctement.

Chapitre 11. Modèles de classification

Les modèles de classification se chargent essentiellement d'identifier des groupes d'enregistrements similaires et de répertorier les enregistrements en fonction du groupe auquel ils appartiennent. Cette opération est effectuée sans l'aide des connaissances existantes sur les groupes et leurs caractéristiques. A dire vrai, vous ne connaîtrez peut-être même pas le nombre de groupes à rechercher. Ceci permet de distinguer les modèles de classification des autres techniques d'apprentissage automatique. En outre, il n'y a aucun champ de sortie ou cible prédéfini pour le modèle à prévoir. Ces modèles sont souvent désignés sous le nom de modèles d'**apprentissage non supervisé** du fait de l'absence de norme externe permettant d'évaluer les performances de classification du modèle. Il n'y a aucune réponse *vraie* ni *fausse* pour ces modèles. Leur valeur est déterminée par leur capacité à capturer des groupements intéressants dans les données et ils fournissent des descriptions utiles de ces mêmes groupements.

Les méthodes de classification reposent sur la mesure de la distance entre les enregistrements et les clusters. Les enregistrements sont affectés à des clusters de façon à réduire au maximum la distance entre les enregistrements appartenant au même cluster.

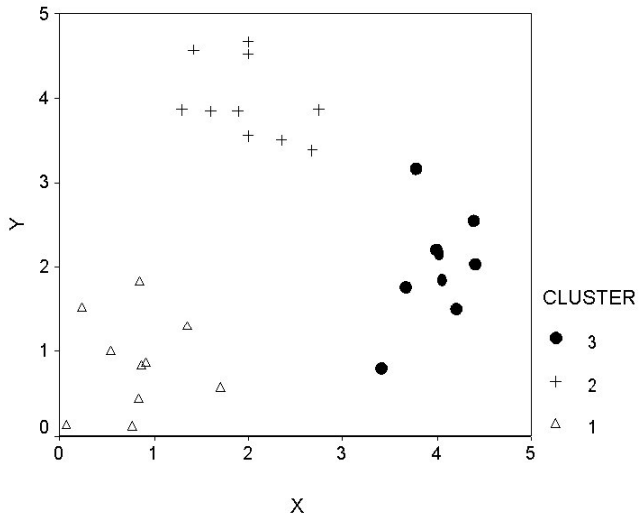


Figure 44. Modèle de classification simple

Les méthodes de classification suivantes sont fournies :

Le noeud k moyenne classe l'ensemble de données dans différents groupes (ou clusters). La méthode définit un nombre de clusters fixe, affecte à plusieurs reprises des enregistrements à des clusters et ajuste les centres de cluster, jusqu'à ce que le modèle ne puisse plus être amélioré. Au lieu de tenter de prédire un résultat, le modèle *k*-means utilise un processus connu sous le nom d'apprentissage non supervisé pour découvrir des tendances dans l'ensemble de champs d'entrée.

Le noeud TwoStep utilise une méthode de classification non supervisée en deux étapes. La première étape consiste en une exploration des données visant à compresser les données d'entrée brutes en sous-clusters plus faciles à manipuler. Au cours de la seconde étape, l'utilisation d'une méthode de classification hiérarchique permet de fusionner progressivement les sous-clusters en clusters de plus en plus importants. La technique TwoStep a l'avantage d'évaluer automatiquement le nombre de clusters optimal pour les données d'apprentissage. Il peut prendre en charge de manière efficace des types de champ mixtes et des jeux de données volumineux.

Le noeud Kohonen génère un type de réseau de neurones qui peut être utilisé pour classer les données en groupes distincts. Lorsque l'apprentissage du réseau est terminé, les enregistrements similaires doivent être regroupés dans la connexion de sortie, tandis que les enregistrements différents sont à l'opposé. Vous pouvez étudier le nombre d'observations capturées par chaque unité du nugget de modèle afin d'identifier les unités fortes. Vous pouvez ainsi vous faire une idée du nombre de clusters approprié.

L'algorithme HDBSCAN (Hierarchical Density-Based Spatial Clustering)© utilise l'apprentissage non supervisé pour rechercher des clusters, ou des régions denses, d'un ensemble de données. Le noeud HDBSCAN de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque HDBSCAN. Il est implémenté dans Python, et vous pouvez l'utiliser pour classer votre ensemble de données en groupes distincts lorsque vous ne savez pas quels étaient ces groupes au départ.

Les modèles de classification sont souvent utilisés pour créer des clusters ou segments utilisés ensuite en tant qu'entrées dans les prochaines analyses. Un exemple souvent utilisé est celui des segments de marché utilisés par les spécialistes du marketing pour partitionner leur marché global en sous-groupes homogènes. Chaque segment dispose de caractéristiques spéciales qui influent sur le succès des efforts de marketing entrepris pour ce segment. Si vous utilisez l'exploration de données pour optimiser votre stratégie marketing, vous pouvez généralement améliorer votre modèle de façon significative en identifiant les segments appropriés et en utilisant les informations des segments dans vos modèles prédictifs.

noeud Kohonen

Les réseaux Kohonen représentent un type de réseau de neurones effectuant des opérations de classification non supervisée. Ils sont également appelés **knet** ou **cartes auto-organisatrices**. Ce type de réseau permet de classer l'ensemble de données en groupes distincts lorsque vous ne savez pas quels étaient ces groupe au départ. Les enregistrements similaires sont rassemblés dans le même groupe ou le même cluster.

Les unités de base sont les **neurones**. Ils sont organisés en deux couches : la **couche d'entrée** et la **couche de sortie** (également appelée **connexion de sortie**). Tous les neurones d'entrée sont connectés à tous les neurones de sortie. Ces connexions ont une **puissance** ou une **pondération** associée. Au cours de l'apprentissage, chaque unité entre en compétition avec les autres pour "gagner" des enregistrements.

La connexion de sortie est une grille de neurones à deux dimensions, sans connexion entre les unités.

Les données d'entrée sont présentées à la couche d'entrée et les valeurs sont diffusées vers la couche de sortie. Le neurone de sortie avec la réponse la plus forte l'**emporte** et celle-ci est adoptée comme réponse pour cette entrée.

Au départ, tous les coefficients de pondération sont aléatoires. Lorsqu'une unité gagne un enregistrement, ses poids (ainsi que ceux des unités proches, regroupées sous le terme de **voisinage**) sont ajustés de façon à mieux correspondre au modèle des prédicteurs de cet enregistrement. Tous les enregistrements d'entrée sont affichés et les coefficients de pondération sont mis à jour en conséquence. Ce processus est répété autant de fois que nécessaire jusqu'à ce que les changements soient minimes. Au fil de l'apprentissage, les poids sur les unités de la grille sont ajustés de façon à former une "carte" bidimensionnelle des clusters (d'où le terme **carte auto-organisatrice**).

Lorsque l'apprentissage du réseau est terminé, les enregistrements similaires doivent être regroupés dans la connexion de sortie, tandis que les enregistrements différents sont à l'opposé.

Contrairement à la plupart des autres méthodes d'apprentissage disponibles dans IBM SPSS Modeler, les réseaux Kohonen n'utilisent *pas* de champ cible. Ce type d'apprentissage qui n'utilise aucun champ cible est appelé **apprentissage non supervisé**. Au lieu de tenter de prédire un résultat, les réseaux Kohonen tentent de découvrir des tendances dans l'ensemble de champs d'entrée. En général, à la fin de l'apprentissage, un réseau Kohonen comporte un petit nombre d'unités qui résument un grand nombre

d'observations (les unités **fortes**), et plusieurs autres unités qui ne correspondent à aucune observation particulière (les unités **faibles**). Les unités fortes (et parfois les unités adjacentes dans la grille) représentent des centres de cluster probables.

Vous pouvez également utiliser les réseaux Kohonen via la **réduction dimensionnelle**. La caractéristique spatiale de la grille bidimensionnelle fournit un mappage entre les *k* prédicteurs d'origine et deux fonctions dérivées qui préservent les relations de similarité des prédicteurs. Dans certains cas, cela se révèle aussi avantageux qu'une analyse factorielle ou une ACP.

Remarquez que la méthode de calcul de la taille par défaut de la grille de sortie a été modifiée par rapport aux précédentes versions IBM SPSS Modeler. La nouvelle méthode produira généralement des couches de sortie plus petites, dont l'apprentissage est plus rapide et qui produisent une meilleure généralisation. Si vous estimez que les résultats obtenus avec la taille par défaut ne sont pas satisfaisants, essayez d'augmenter la taille de la grille de sortie dans l'onglet Expert. Pour plus d'informations, voir «Noeud Kohonen - Options expert», à la page 242.

Conditions requises. Pour former un réseau Kohonen, vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs dont le rôle est configuré sur *Entrée*. Les champs dont le rôle est configuré sur *Cible*, *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés.

Puissance. Il n'est pas nécessaire de disposer de données sur l'affectation des groupes pour générer un modèle de réseau Kohonen. Vous n'avez même pas besoin de connaître le nombre de groupes à rechercher. Les réseaux Kohonen comportent au départ un grand nombre d'unités qui, au fil de l'apprentissage, sont attirées par les clusters naturels des données. Vous pouvez étudier le nombre d'observations capturées par chaque unité du nugget de modèle afin d'identifier les unités fortes, ce qui vous donnera une idée du nombre de clusters approprié.

Noeud Kohonen - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Poursuivre l'apprentissage du modèle existant. Par défaut, chaque exécution d'un noeud Kohonen engendre la création d'un réseau. Si vous désactivez cette option, l'apprentissage se poursuit sur le dernier réseau généré par le noeud.

Afficher la représentation graphique. Lorsque cette option est sélectionnée, un graphique apparaît, montrant l'évolution de la répartition, en deux dimensions, au cours de l'apprentissage. La force de chaque noeud est représentée par une couleur. Les unités qui gagnent beaucoup d'enregistrements apparaissent en rouge (unités **fortes**) tandis que les unités qui en gagnent peu, voire aucun, apparaissent en blanc (unités **faibles**). Il est possible que les commentaires ne s'affichent pas si le temps nécessaire à la construction du modèle est relativement bref. Cette fonctionnalité peut ralentir l'apprentissage. Pour accélérer le temps d'apprentissage, désélectionnez cette option.

Critère d'arrêt. Le critère d'arrêt de l'apprentissage par défaut est basé sur des paramètres internes. Le temps peut également constituer un critère d'arrêt. Entrez le temps (en minutes) d'apprentissage du réseau.

Définir une valeur de départ aléatoire. Si aucune valeur de départ aléatoire n'est définie, la séquence de valeurs aléatoires permettant d'initialiser les pondérations du réseau est différente à chaque exécution du noeud. Le noeud crée alors des modèles différents à chaque fois qu'il est exécuté, même si les paramètres du noeud et les valeurs des données restent inchangés. Lorsque vous sélectionnez cette option, vous pouvez définir la valeur de départ aléatoire de façon à ce que le modèle généré soit entièrement reproductible. Une valeur de départ aléatoire spécifique génère toujours la même séquence de valeurs aléatoires : l'exécution du noeud produira donc toujours le même modèle.

Remarque : Lorsque vous utilisez l'option **Définir une valeur de départ aléatoire** avec des enregistrements lus à partir d'une base de données, il peut être nécessaire d'exécuter un noeud Trier avant l'échantillonnage afin de garantir le même résultat à chaque exécution du noeud. Cela s'explique

par le fait que la graine aléatoire dépend de l'ordre des enregistrements, et qu'il n'est pas garanti que cet ordre reste inchangé dans une base de données relationnelle.

Remarque : Si vous souhaitez inclure des champs nominaux (ensemble) dans votre modèle, mais que vous rencontrez des problèmes de mémoire pour la construction du modèle ou que la construction du modèle est trop lente, réfléchissez à un autre mode de codage des grands champs d'ensemble afin de réduire le nombre de valeurs ou bien utilisez un autre champ, contenant moins de valeurs comme proxy pour un large ensemble. Par exemple, si vous rencontrez un problème avec un *champ id_produit* contenant des valeurs pour différents produits, vous pouvez le supprimer du modèle et le remplacer par un champ *catégorie_produit* moins détaillé.

Optimiser. Sélectionnez, à votre convenance, les options destinées à accroître les performances du système au cours de la création de modèles.

- Sélectionnez **Vitesse** pour que l'algorithme n'utilise jamais le débordement sur disque, afin d'améliorer les performances.
- Sélectionnez **Mémoire** pour que l'algorithme utilise le débordement sur disque en cas de besoin, ce qui a pour effet de réduire la vitesse. Par défaut, cette option est sélectionnée.

  Remarque : Si vous exécutez le système en mode réparti, ce paramètre peut être remplacé par les options administrateur indiquées dans le fichier `options.cfg`.

Ajouter le libellé de cluster. Sélectionnée par défaut pour les nouveaux modèles, mais désélectionnée pour les modèles chargés à partir de versions précédentes de IBM SPSS Modeler, cette option crée un champ de score catégoriel unique du même type que celui créé par les deux noeuds k moyenne et TwoStep. Ce champ de type chaîne est utilisé dans le noeud Cluster automatique lors du calcul de la mesure du classement pour les différents types de modèles. Pour plus d'informations, voir «Noeud cluster automatique», à la page 75.

Noeud Kohonen - Options expert

Les options expert, qui s'adressent aux utilisateurs ayant une bonne connaissance des réseaux Kohonen, permettent d'affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Largeur et Longueur. Indiquez la taille (largeur et longueur) de la connexion de sortie bidimensionnelle en tant que nombre d'unités de sortie le long de chaque dimension.

Dégradation du taux d'apprentissage. Indiquez si vous souhaitez utiliser une dégradation linéaire ou exponentielle. Le **taux d'apprentissage** est un facteur de pondération qui décroît au fil du temps, de sorte que le réseau commence par coder les caractéristiques les plus générales des données pour progressivement se concentrer sur les caractéristiques plus spécifiques.

Phase 1 et Phase 2. L'apprentissage d'un réseau Kohonen se déroule en deux phases. La phase 1 est une phase d'estimation qui permet d'évaluer les tendances générales des données. La phase 2 est une phase d'affinement qui permet d'ajuster la carte de façon à modéliser les caractéristiques spécifiques des données. Trois paramètres sont associés à chacune de ces phases :

- **Voisinage.** Définit la taille de départ (rayon) du voisinage. Ce paramètre détermine le nombre d'unités "avoisinantes" qui seront mises à jour avec l'unité qui gagne au cours de l'apprentissage. Au cours de la phase 1, la taille de voisinage passe de la valeur *Taille Voisin 1* à la valeur (*Taille Voisin 2* + 1). Au cours de la phase 2, la taille de voisinage passe de la valeur *Taille Voisin 2* à la valeur 1. *La valeur de Taille Voisin 1* doit être supérieure à *la valeur de Taille Voisin 2*.
- **Eta initial.** Définit la valeur de départ du taux d'apprentissage **eta**. Au cours de la phase 1, la valeur du paramètre Eta passe de *Phase 1 - Eta initial* à *Phase 2 - Eta initial*. Au cours de la phase 2, la valeur du paramètre Eta passe de *Phase 2 - Eta initial* à 0. La valeur de *Phase 1 - Eta initial* doit être supérieure à celle de *Phase 2 - Eta initial*.
- **Cycles.** Définit le nombre de cycles de chacune des phases d'apprentissage. Chacune des phases se poursuit pendant le nombre d'explorations des données spécifiées.

Nuggets de modèle Kohonen

Les nuggets de modèles Kohonen contiennent toutes les informations rassemblées par le réseau Kohonen formé, ainsi que des informations sur l'architecture du réseau.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèle Kohonen, le noeud crée deux champs contenant les coordonnées *X* et *Y* de l'unité de la grille de sortie Kohonen qui a réagi le plus fortement à cet enregistrement. Les noms attribués aux nouveaux champs sont constitués du nom du modèle auquel les préfixes *$KX-* et *$KY-* sont ajoutés. Par exemple, si le nom de votre modèle est *Kohonen*, les nouveaux champs seront alors intitulés *$KX-Kohonen* et *$KY-Kohonen*.

Pour mieux comprendre ce qui a été codé par le réseau Kohonen, cliquez sur l'onglet Modèle du navigateur du nugget de modèle. L'onglet Visualiseur de clusters qui apparaît contient une représentation graphique des clusters, champs et niveaux d'importance. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Visualiseur de clusters - Onglet Modèle », à la page 255.

Si vous préférez visualiser les clusters sous forme de grille, vous pouvez afficher les résultats du réseau Kohonen en traçant les champs *$KX-* et *$KY-* à l'aide d'un noeud Tracé. (Vous devez sélectionner **X-Agitation** et **Y-Agitation** dans le noeud Tracé pour empêcher les tracés des enregistrements de chaque unité de se superposer les uns aux autres.) Vous pouvez également superposer un champ symbolique dans le tracé afin de voir de quelle manière le réseau Kohonen a regroupé les données.

Une autre technique permettant d'évaluer le réseau Kohonen consiste à utiliser l'induction de règle afin d'identifier les caractéristiques qui distinguent les clusters trouvés par le réseau. Pour plus d'informations, voir «Noeud C5.0», à la page 105.

Pour obtenir des informations générales sur l'utilisation du navigateur de modèle, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40

Récapitulatif du modèle Kohonen

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle Kohonen affiche des informations sur l'architecture ou la topologie du réseau. La longueur et la largeur de la fonction de cartographie bidimensionnelle Kohonen (la couche de sortie) sont indiquées par **$KX-** *nom_du_modèle* et **$KY-** *nom_du_modèle*. Le nombre d'unités que contient chaque couche d'entrée et de sortie est indiqué.

Noeud k moyenne

Le noeud k moyenne fournit une méthode d'**analyse des clusters**. Ce type de noeud permet de classer les données en groupes distincts lorsqu'aucun groupe n'est défini au départ. Contrairement à la plupart des méthodes d'apprentissage disponibles dans IBM SPSS Modeler, les modèles k moyenne n'utilisent *pas* de champ cible. Ce type d'apprentissage qui n'utilise aucun champ cible est appelé **apprentissage non supervisé**. Le noeud k moyenne n'essaie pas de générer des prévisions, mais tente de découvrir des tendances au sein des champs d'entrée. Les enregistrements sont rassemblés dans le même groupe ou le même cluster.

Le noeud k moyenne commence par définir un ensemble de centres de clusters à partir des données. Il affecte ensuite chaque enregistrement au cluster auquel il s'apparente le plus, sur la base des valeurs du champ d'entrée de l'enregistrement. Une fois toutes les observations affectées, les centres de clusters sont mis à jour afin de refléter le nouvel ensemble d'enregistrements affecté à chaque cluster. Les enregistrements sont alors de nouveau évalués afin de déterminer si certains d'entre eux doivent être réaffectés à un autre cluster. Ce processus se poursuit jusqu'à ce que le nombre maximal d'itérations soit atteint ou que le changement produit par une nouvelle itération soit inférieur à un seuil défini.

Remarque : Le modèle ainsi généré dépend essentiellement de l'ordre des données d'apprentissage. Si vous réorganisez vos données et recréez le modèle, le modèle final risque d'être différent.

Conditions requises. Pour former un modèle k moyenne, vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs dont le rôle est configuré sur *Entrée*. Les champs dont le rôle est configuré sur *Sortie*, *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés.

Puissance. Il n'est pas nécessaire de disposer de données sur les classes d'affectation pour générer un modèle k moyenne. Le modèle k moyenne s'avère souvent la méthode la plus rapide pour classer des jeux de données volumineux.

Noeud k moyenne - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Nombre de clusters spécifiés. Indiquez le nombre de clusters à générer. La valeur par défaut est 5.

Générer le champ de distance. Si cette option est sélectionnée, le nugget de modèle comportera un champ contenant la distance de chaque enregistrement par rapport au centre du cluster auquel il a été affecté.

Libellé de cluster. Indiquez le format des valeurs du champ d'appartenance à un cluster généré. L'appartenance à un cluster peut être indiquée sous la forme d'une **chaîne** accompagnée du **préfixe de libellé** (par exemple, `"Cluster 1"`, `"Cluster 2"`, etc.) ou d'un **nombre**.

Remarque : Si vous souhaitez inclure des champs nominaux (ensemble) dans votre modèle, mais que vous rencontrez des problèmes de mémoire pour la construction du modèle ou que la construction du modèle est trop lente, réfléchissez à un autre mode de codage des grands champs d'ensemble afin de réduire le nombre de valeurs ou bien utilisez un autre champ, contenant moins de valeurs comme proxy pour un large ensemble. Par exemple, si vous rencontrez un problème avec un *champ id_produit* contenant des valeurs pour différents produits, vous pouvez le supprimer du modèle et le remplacer par un champ *catégorie_produit* moins détaillé.

Optimiser. Sélectionnez, à votre convenance, les options destinées à accroître les performances du système au cours de la création de modèles.

- Sélectionnez **Vitesse** pour que l'algorithme n'utilise jamais le débordement sur disque, afin d'améliorer les performances.
- Sélectionnez **Mémoire** pour que l'algorithme utilise le débordement sur disque en cas de besoin, ce qui a pour effet de réduire la vitesse. Par défaut, cette option est sélectionnée.

  Remarque : Si vous exécutez le système en mode réparti, ce paramètre peut être remplacé par les options administrateur indiquées dans le fichier `options.cfg`.

Noeud k moyenne - Options expert

Les options expert, qui s'adressent aux utilisateurs ayant une connaissance approfondie des classifications *k*-means, permettent d'affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Critère d'arrêt. Indiquez le critère d'arrêt à utiliser pour l'apprentissage du modèle. Le critère d'arrêt **par défaut** est 20 itérations ou un changement inférieur à 0,000001, le premier de ces événements se produisant étant pris en compte. Sélectionnez **Personnalisé** pour spécifier vos propres critères d'arrêt.

- **Nombre maximum d'itérations.** Cette option permet d'interrompre l'apprentissage du modèle lorsque le nombre d'itérations spécifié est atteint.
- **Modifier la tolérance.** Cette option permet d'interrompre l'apprentissage lorsque la modification des centres de clusters la plus importante pour une itération est inférieure au niveau indiqué.

Codage de valeurs pour les ensembles. Indiquez une valeur comprise entre 0 et 1 qui sera utilisée pour recoder les champs d'ensemble en groupes de champs numériques. La valeur par défaut est la racine carrée de 0,5 (approximativement 0,707107), ce qui fournit la pondération appropriée pour les champs indicateurs recodés. Des valeurs proches de 1 ont pour effet de pondérer davantage les champs d'ensemble par rapport aux champs numériques.

Nuggets du modèle k moyenne

Les nuggets de modèles k moyenne contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle de classification, ainsi que des informations sur les données d'apprentissage et le processus d'estimation.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un noeud de modèle k moyenne, le noeud crée deux champs contenant le cluster d'appartenance de l'enregistrement et sa distance par rapport au centre du cluster auquel il a été affecté. Le nom du champ contenant le cluster d'appartenance est constitué du nom du modèle auquel le préfixe *$KM-* est ajouté, et le nom du champ contenant la distance par rapport au centre du cluster est constitué du nom du modèle auquel le préfixe *$KMD-* est ajouté. Par exemple, si le nom de votre modèle est *Kmeans*, les nouveaux champs s'intituleront *$KM-Kmeans* et *$KMD-Kmeans*.

Une autre technique permettant d'évaluer le modèle k moyenne est disponible. Elle consiste à utiliser l'induction de règle afin d'identifier les caractéristiques qui distinguent les clusters trouvés par le modèle. Pour plus d'informations, voir «Noeud C5.0», à la page 105. Vous pouvez également cliquer sur l'onglet Modèle du navigateur du nugget de modèle pour afficher l'onglet Visualiseur de clusters. Vous obtenez alors une représentation graphique des clusters, des champs et des niveaux d'importance. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Visualiseur de clusters - Onglet Modèle », à la page 255.

Pour obtenir des informations générales sur l'utilisation du navigateur de modèle, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40

Récapitulatif du modèle k moyenne

L'onglet Récapitulatif du nugget de modèle k moyenne contient des informations sur les données d'apprentissage, le processus d'estimation et les clusters définis par le modèle. Le nombre de clusters, ainsi que l'historique d'itération, sont indiqués. Si vous avez exécuté un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figureront également dans cette section.

Noeud Classification TwoStep

Le noeud Classification TwoStep permet une sorte d'**analyse de clusters**. Ce type de noeud permet de classer les données en groupes distincts lorsqu'aucun groupe n'est défini au départ. Comme pour les noeuds Kohonen et k moyenne, les modèles de classification TwoStep n'utilisent *aucun* champ cible. Le noeud Classification TwoStep n'essaie pas de générer des prévisions, mais tente de découvrir des tendances au sein des champs d'entrée. Les enregistrements sont rassemblés dans le même groupe ou le même cluster.

La méthode Classification TwoStep se déroule en deux étapes. La première étape consiste en une exploration des données au cours de laquelle les données d'entrée brutes sont compressées en sous-clusters plus faciles à manipuler. Au cours de la seconde étape, l'utilisation d'une méthode de classification hiérarchique permet de fusionner progressivement les sous-clusters en clusters de plus en plus importants, sans qu'un nouvel examen des données soit nécessaire. Avec la classification hiérarchique, il n'est pas nécessaire de sélectionner à l'avance le nombre de clusters. De nombreuses méthodes de classification non supervisée hiérarchique prennent comme clusters de départ des enregistrements individuels qu'elles fusionnent ensuite pour générer des clusters de plus en plus importants. Même si de telles méthodes se révèlent souvent inefficaces face à de grands volumes de données, l'étape de pré-classification de la méthode TwoStep permet d'accélérer le processus de classification.

Remarque : le modèle ainsi généré dépend essentiellement de l'ordre des données d'apprentissage. Si vous réorganisez vos données et recréez le modèle, le modèle final risque d'être différent.

Conditions requises. Pour former un modèle de classification TwoStep, vous avez besoin d'un ou de plusieurs champs et dont le rôle est configuré sur *Entrée*. Les champs dont le rôle est configuré sur *Cible*, *Les deux* ou *Aucun* sont ignorés. L'algorithme de classification TwoStep ne traite pas les valeurs manquantes. Les enregistrements dont les champs d'entrée ne contiennent pas de valeur sont ignorés lors de la création du modèle.

Puissance. Le noeud de classification TwoStep peut prendre en charge de manière efficace des types de champ mixte et des volumes importants de données. Il est également capable de tester plusieurs

solutions de classification pour choisir la plus performante, de sorte que vous n'avez plus besoin de spécifier au départ le nombre de clusters. Le noeud Classification TwoStep peut également être configuré de façon à exclure automatiquement les **valeurs extrêmes** ou extrêmement rares qui peuvent contaminer les résultats.

IBM SPSS Modeler dispose de deux versions différentes du noeud de cluster TwoStep :

- **Cluster TwoStep** correspond au noeud traditionnel s'exécutant sur IBM SPSS Modeler Server.
- **Cluster TwoStep** peut être exécuté lorsqu'il est connecté à IBM SPSS Analytic Server.

Noeud Classification TwoStep - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Standardiser les champs numériques. Par défaut, le noeud Classification TwoStep convertit tous les champs d'entrée numériques selon une même échelle, avec une moyenne de 0 et une variance de 1. Pour conserver l'échelle d'origine des champs numériques, désélectionnez cette option. Les champs symboliques ne sont pas modifiés.

Exclure les valeurs extrêmes. Si vous sélectionnez cette option, les enregistrements qui ne semblent pas adaptés à un cluster substantif seront automatiquement retirés de l'analyse. Ceci permet d'empêcher que de tels cas ne viennent déformer les résultats.

La détection des valeurs extrêmes intervient au cours de l'étape de préclassification. Lorsque cette option est sélectionnée, les sous-clusters contenant moins d'enregistrements que les autres sous-clusters sont considérés comme des valeurs extrêmes potentielles et l'arbre des sous-clusters recréé ne contient plus ces enregistrements. La taille en dessous de laquelle les sous-clusters sont considérés comme valeurs extrêmes potentielles est contrôlée par l'option **Pourcentage** Si certains enregistrements considérés comme des valeurs extrêmes potentielles sont suffisamment similaires à l'un des nouveaux profils de sous-cluster, vous pouvez les ajouter aux sous-clusters recréés. Les valeurs extrêmes potentielles qui ne peuvent pas être fusionnées sont considérées comme des valeurs extrêmes. Elles sont ajoutées à un cluster "parasite" et retirées de l'étape de classification non supervisée hiérarchique.

Lorsque vous *évaluez* des données à l'aide d'un modèle TwoStep qui utilise le traitement des valeurs extrêmes, les nouvelles observations pour lesquelles la distance avec le cluster substantif le plus proche est supérieure à la distance de seuil fixée (basée sur le log de vraisemblance) sont considérés comme des valeurs extrêmes et sont affectés au cluster "parasite" avec le nom -1.

Libellé de cluster. Indiquez le format du champ devant contenir les clusters d'appartenance. Le cluster d'appartenance peut être indiqué sous la forme d'une **chaîne** accompagnée du **préfixe de libellé** (par exemple, `"Cluster 1"`, `"Cluster 2"`, etc.) ou d'un **nombre**.

Calculer automatiquement le nombre de clusters. Le noeud Classification TwoStep peut analyser très rapidement un grand nombre de solutions de classification afin de déterminer le nombre optimal de clusters pour les données d'apprentissage. Indiquez un intervalle de solutions que le modèle devra respecter en définissant un nombre **maximal** et un nombre **minimal** de clusters. Le noeud Classification TwoStep utilise un processus en deux étapes pour déterminer le nombre optimal de clusters. Au cours de la première étape, une limite supérieure du nombre de clusters du modèle est sélectionnée en fonction de la modification du critère de Bayes au fil de l'ajout de nouveaux clusters. Au cours de la deuxième étape, la modification de la distance minimale entre les clusters est calculée pour tous les modèles présentant un nombre de clusters inférieur à la solution minimale du critère de Bayes. La modification la plus importante permet d'identifier le modèle de cluster final.

Spécifier le nombre de clusters. Si vous connaissez le nombre de clusters à inclure dans votre modèle, sélectionnez cette option et entrez ce nombre.

Mesure de distance. Cette sélection détermine la façon dont la similarité entre deux clusters est calculée.

- **Log de vraisemblance.** La mesure de vraisemblance place une distribution de probabilité sur les variables. Les variables continues sont considérées comme étant distribuées normalement alors que les variables qualitatives sont considérées comme étant multinomiales. Toutes les variables sont considérées comme étant indépendantes.
- **Euclidienne**. La mesure euclidienne est la distance "en ligne droite" entre deux clusters. Elle peut être utilisée uniquement lorsque toutes les variables sont continues.

Critère de clustering. Cette sélection détermine la façon dont l'algorithme de classification automatique détermine le nombre de clusters. Vous pouvez spécifier le critère d'information bayésien (BIC) ou le critère d'information d'Akaike (AIC).

Nuggets de modèle de classification TwoStep

Les nuggets de modèles de classification TwoStep contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle de classification non supervisée, ainsi que des informations sur les données d'apprentissage et le processus d'estimation.

Lorsque vous exécutez un flux comportant un nugget de modèle de classification TwoStep, le noeud crée un champ contenant le cluster d'appartenance de cet enregistrement. Le nom du nouveau champ est formé à partir du nom du modèle auquel le préfixe *$T-* est ajouté. Par exemple, si le nom de votre modèle est *TwoStep*, le nouveau champ sera intitulé *$T-TwoStep*.

Une autre technique permettant d'évaluer le modèle TwoStep est disponible. Elle consiste à utiliser l'induction de règle afin d'identifier les caractéristiques qui distinguent les clusters trouvés par le modèle. Pour plus d'informations, voir «Noeud C5.0», à la page 105. Vous pouvez également cliquer sur l'onglet Modèle du navigateur du nugget de modèle pour afficher l'onglet Visualiseur de clusters. Vous obtenez alors une représentation graphique des clusters, des champs et des niveaux d'importance. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Visualiseur de clusters - Onglet Modèle », à la page 255.

Pour obtenir des informations générales sur l'utilisation du navigateur de modèle, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40

Récapitulatif du modèle TwoStep

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle de classification TwoStep affiche le nombre de clusters détectés, ainsi que des informations sur les données d'apprentissage, le processus d'estimation et les paramètres de création utilisés.

Pour plus d'informations, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Noeud de cluster TwoStep-AS

IBM SPSS Modeler dispose de deux versions différentes du noeud de cluster TwoStep :

- **Cluster TwoStep** correspond au noeud traditionnel s'exécutant sur IBM SPSS Modeler Server.
- **Cluster TwoStep** peut être exécuté lorsqu'il est connecté à IBM SPSS Analytic Server.

Analyse de cluster Twostep-AS

Le cluster TwoStep est un outil d'exploration conçu pour dévoiler des regroupements naturels (ou encore clusters) dans un ensemble de données, regroupements qui autrement ne seraient pas apparents. L'algorithme employé par cette procédure dispose de certaines fonctionnalités intéressantes qui le différencient des techniques de clustering traditionnelles :

- **Gestion des données catégorielles et continues :** En supposant que les variables soient indépendantes, une distribution jointe multinomiale-normale peut être placée sur des variables catégorielles et continues.
- **Sélection automatique du nombre de clusters :** En comparant les valeurs d'un critère de modèle-choix dans différentes solutions de classification, la procédure peut déterminer automatiquement le nombre optimal de clusters.

- **Evolutivité :** En construisant un arbre des fonctions de cluster qui résume les enregistrements, l'algorithme TwoStep peut analyser des fichiers de données volumineux.

Par exemple, les distributeurs et les entreprises commercialisant des biens de consommation appliquent régulièrement des techniques de clustering aux informations qui décrivent les habitudes d'achat de leurs clients, leur sexe, âge, niveau de revenus et autres attributs. Ces entreprises adaptent leur marketing et leurs stratégies de développement de produits pour accroître leurs ventes et fidéliser leur clientèle.

Onglet Champs

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Tous les champs avec comme rôle prédéfini Entrée sont sélectionnés.

Utiliser des affectations de champs personnalisées. Vous pouvez ajouter et retirer des champs quel que soit le rôle qui leur est affecté. Vous pouvez sélectionner des champs avec un rôle quelconque et les ajouter ou les retirer de la liste **Prédicteurs (Entrées)**.

Bases

Nombre de clusters

Déterminer automatiquement
La procédure détermine le nombre optimal de clusters, sur la plage spécifiée. Le **Minimum** doit être supérieur à 1. Il s'agit de l'option par défaut.

Spécifier fixe
La procédure génère le nombre de clusters spécifié. Le **Nombre** doit être supérieur à 1.

Critère de clustering

Cette sélection indique comment l'algorithme de clustering automatique doit déterminer le nombre de clusters.

Critère d'information bayésien (BIC)
Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur la log-vraisemblance -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. Le critère BIC (Bayesian Information Criterion) "pénalise" lui aussi les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un nombre élevé d'entrées, par exemple), mais de façon plus stricte que le critère AIC (Akaike's Information Criterion).

Critère d'information d'Akaike (AIC)
Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur la log-vraisemblance -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AIC "pénalise" les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un grand nombre d'entrées, par exemple).

Méthode de clustering automatique

Si vous sélectionnez **Déterminer automatiquement**, choisissez l'une des méthodes suivantes à utiliser pour déterminer automatiquement le nombre de clusters :

Utiliser le paramètre de critère de clustering
La convergence des critères d'information est le ratio des critères d'information entre deux solutions de cluster actuelles et la première solution de cluster. Le critère utilisé est celui sélectionné dans le groupe Critère de clustering.

Saut distance
Ratio des distances correspondant à deux solutions de cluster successives.

Maximum
Combine les résultats de la méthode de convergence des critères d'information et la méthode de saut distance pour produire le nombre de clusters correspondant au second saut.

Minimum
Combine les résultats de la méthode de convergence des critères d'information et la méthode de saut distance pour produire le nombre de clusters correspondant au premier saut.

Méthode d'importance de la fonction

La **Méthode d'importance de la fonction** détermine l'importance des fonctions (champs) dans la solution de cluster. La sortie inclut des informations sur l'importance globale de la fonction et sur l'importance de chaque champ de fonction dans chaque cluster. Les fonctions qui ne respectent pas un seuil minimum sont exclues.

Utiliser le paramètre de critère de clustering.
Il s'agit de la méthode par défaut qui est basée sur le critère sélectionné dans le groupe Critère de clustering.

Taille d'effet
L'importance de la fonction est basée sur la taille de l'effet et non sur des valeurs de signification.

Critères d'arbre de fonction

Ces paramètres déterminent comment l'arbre des fonctions de cluster est construit. En construisant un arbre des fonctions de cluster et en résumant les enregistrements, l'algorithme TwoStep peut analyser des fichiers de données volumineux. En d'autres termes, la classification Cluster utilise un arbre de fonctions de cluster pour construire des clusters, ce qui lui permet de traiter un grand nombre d'observations.

Mesure de la distance

Cette sélection détermine la façon dont la similarité entre deux clusters est calculée.

Log de vraisemblance

Cette mesure attribue une distribution de probabilités aux zones. Les zones continues sont présumées avoir une distribution normale, tandis que les zones catégorielles sont supposées être multinomiales. Toutes les zones sont supposées être indépendantes.

Euclidienne

La mesure euclidienne est la distance "en ligne droite" entre deux clusters. La mesure du carré de la distance euclidienne et la méthode de Ward sont utilisées pour calculer la similarité entre les clusters. Elle ne peut être utilisée que si toutes les zones sont continues.

Clusters de valeurs extrêmes

Inclure les clusters de valeurs extrêmes
Inclut des clusters pour les observations constituant des valeurs extrêmes des clusters normaux. Si cette option n'est pas sélectionnée, toutes les observations sont incluses dans les clusters ordinaires.

Le nombre d'observations dans la feuille de l'arbre de fonctions est inférieur à.
Si le nombre d'observations dans la feuille de l'arbre de fonctions est inférieur à la valeur spécifiée, la feuille est considérée comme une valeur extrême. Cette valeur doit être un entier supérieur à 1. Si vous modifiez cette valeur, des valeurs plus élevées résulteront probablement de clusters avec valeurs plus distantes.

Pourcentage le plus élevé de valeurs extrêmes.
Lorsque le modèle de cluster est construit, les valeurs extrêmes sont classées d'après leur rang. Le rang de valeur extrême requis pour figurer dans le pourcentage le plus élevé de ces valeurs est utilisé comme seuil afin de déterminer si une observation est classée comme représentant une valeur extrême. Des valeurs plus élevées indiquent que des observations plus nombreuses sont classées comme valeurs extrêmes. Cette valeur doit être comprise entre 1 et 100.

Paramètres supplémentaires

Seuil de modification de distance initiale

Seuil initial utilisé pour augmenter l'arbre des fonctions de cluster. Si l'insertion d'une feuille dans une feuille de l'arbre induit une densité inférieure à ce seuil, la feuille n'est pas divisée. Si elle induit une densité supérieure, la feuille est divisée.

Nombre maximum de branches de noeud feuille

Nombre maximum de noeuds enfant qu'un noeud feuille peut contenir.

Nombre maximum de branches de noeud non feuille

Le nombre maximum de noeuds enfant qu'un noeud non feuille peut contenir.

Profondeur maximale de l'arbre

Nombre maximum de niveaux que l'arborescence de cluster peut contenir.

Pondération d'ajustement sur le niveau de mesure
Réduit l'influence des champs catégoriels en augmentant le poids des champs continus. Cette valeur représente un dénominateur réduisant le poids des champs catégoriels. Par conséquent, une valeur de 6, par exemple, attribue aux champs catégoriels un poids de 1/6.

Allocation de mémoire

Allocation de mémoire maximale, en mégaoctets (Mo), que l'algorithme de cluster peut utiliser. Si la procédure dépasse ce maximum, elle utilise le disque afin de stocker les informations ne pouvant pas trouver place en mémoire.

Fractionnement retardé
Reporte la reconstruction de l'arbre des fonctions de cluster. L'algorithme de cluster reconstruit l'arbre des fonctions de cluster à plusieurs reprises lors de l'évaluation de nouvelles observations. Cette option peut améliorer les performances en reportant cette opération et en réduisant le nombre de fois où l'arbre est reconstruit.

Standardiser

L'algorithme de clustering opère sur des champs continus standardisés. Par défaut, tous les champs continus sont standardisés. Pour gagner du temps et économiser des calculs, vous pouvez transférer les champs continus déjà standardisés vers la liste **Ne pas standardiser**.

Sélection de fonction

Vous pouvez définir depuis l'écran Sélection des fonctions des règles déterminant quand des champs doivent être exclus. Par exemple, vous pouvez exclure des champs avec des valeurs manquantes nombreuses.

Règles d'exclusion de champs

Le pourcentage de valeurs manquantes est plus grand que.
Les champs avec un pourcentage de valeurs manquantes supérieur à la valeur spécifiée sont exclus de l'analyse. Cette valeur doit être un nombre entier positif supérieur à zéro et inférieur à 100.

Le nombre de catégories des zones catégorielles est plus grand que.
Les champs catégoriels avec un nombre de catégories supérieur à celui spécifié sont exclus de l'analyse. Cette valeur doit être un entier positif supérieur à 1.

Champs qui tendent vers une valeur unique

Le coefficient de variation des champs continus est plus petit que.
Les champs continus avec un coefficient de variation inférieur à la valeur spécifiée sont exclus de l'analyse. Ce coefficient est le ratio de l'écart type par rapport à la moyenne. Des valeurs plus petites tendent à indiquer une variation plus faible dans les valeurs. La valeur doit être comprise entre 0 et 1.

Le pourcentage d'observations dans une catégorie unique pour les champs catégoriels est supérieur à.
les champs catégoriels avec un pourcentage d'observations dans une même catégorie supérieur à la valeur spécifiée sont exclus de l'analyse. La valeur doit être supérieure à 0 et inférieure à 100.

Sélection de fonctions adaptative

Cette option effectue une passe supplémentaire dans les données pour identifier et écarter les champs les moins importants.

Sortie du modèle

Récapitulatif de construction de modèle

Spécifications de modèle
Récapitulatif des spécifications du modèle, du nombre de clusters dans le modèle final et des entrées (champs) incluses dans le modèle final.

Récapitulatif de l'enregistrement
Nombre et pourcentage d'enregistrements (observations) incluses et exclues du modèle.

Entrées exclues
Dans le cas de champs non inclus dans le modèle final, motif de leur exclusion.

Evaluation

Qualité du modèle
Tableau d'adéquation et d'importance pour chaque cluster et d'adéquation globale du modèle.

Diagramme à barres d'importance des fonctions
Diagramme à barres de l'importance des fonctions (champs) entre tous les clusters. Les fonctions (champs) dont les barres sont plus longues sont plus importantes que celles avec des barres plus courtes. Elle sont également triées par ordre d'importance décroissante (la barre au sommet est la plus importante).

Nuage de mots d'importance de la fonction
Nuage de mots de l'importance des fonctions (champs) entre tous les clusters. Les fonctions (champs) avec un texte plus grand sont plus importantes que celles avec un texte plus petit.

Clusters de valeurs extrêmes
Ces options sont désactivées si vous décidez de ne pas inclure les valeurs extrêmes.

Tableau et graphique interactifs
Tableau et graphique du poids des valeurs extrêmes et de la similarité relative des clusters de valeurs extrêmes avec les clusters ordinaires. La sélection de lignes différentes dans le tableau affiche des informations sur des clusters de valeurs extrêmes différents dans le graphique.

Tableau croisé
Tableau du poids des valeurs extrêmes et de la similarité relative des clusters de valeurs extrêmes avec les clusters ordinaires. Cette table contient les mêmes informations que l'affichage interactif. Elle prend en charge toutes les fonctions standard pour pivotement et édition de tables.

Nombre maximal
Nombre maximal de valeurs extrêmes à afficher dans la sortie. Si le nombre de clusters de valeurs extrêmes dépasse 20, un tableau croisé sera affiché à la place.

Interprétation

Profils d'importance de la fonction entre clusters

Tableau et graphique interactifs
Tableau et graphiques de l'importance des fonctions et des centres de clusters pour chaque entrée (champ) utilisée dans la solution de cluster. La sélection de lignes différentes dans le

tableau affiche un graphique différent. Pour les champs catégoriels, un diagramme à barres est affiché. Pour les champs continus, un diagramme de moyennes et d'écarts type est affiché.

Tableau croisé
Tableau de l'importance des fonctions et des centres de clusters pour chaque entrée (champ). Cette table contient les mêmes informations que l'affichage interactif. Elle prend en charge toutes les fonctions standard pour pivotement et édition de tables.

Importance de la fonction au sein du cluster
Pour chaque cluster, centre du cluster et importance de la fonction pour chaque entrée (champ). Un tableau séparé existe pour chaque cluster.

Distances entre les clusters
Graphique en panneaux affichant les distances entre les clusters. Un panneau séparé existe pour chaque cluster.

Libellé de cluster

Text
Le label de chaque cluster est la valeur spécifiée pour **Préfixe**, suivie d'un numéro séquentiel.

Numéro
Le label de chaque cluster est un numéro séquentiel.

Options de modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Nuggets de modèle de cluster TwoStep-AS

Le nugget de modèle TwoStep-AS affiche les détails du modèle dans l'onglet Modèle du Visualiseur de sortie. Pour plus d'informations sur l'utilisation de ce Visualiseur, reportez-vous à la section "Utilisation de la sortie" dans le manuel Guide de l'utilisateur de Modeler (ModelerUsersGuide.pdf).

Les nuggets de modèle de cluster TwoStep-AS contiennent toutes les informations capturées par le modèle de clustering, ainsi que des informations sur les données d'apprentissage et le processus d'estimation.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un nugget de modèle de cluster TwoStep-AS, le noeud ajoute un nouveau champ contenant l'appartenance à un cluster de cet enregistrement. Le nom du nouveau champ est dérivé du nom du modèle et précédé du préfixe ***$AS-***. Par exemple, si votre modèle se nomme TwoStep, le nouveau champ sera nommé ***$AS-TwoStep***.

Une technique efficace pour appréciation du modèle TwoStep-AS consiste à utiliser l'induction de règle afin d'identifier les caractéristiques qui distinguent les clusters découverts par le modèle. Pour plus d'informations, voir «Noeud C5.0», à la page 105.

Pour obtenir des informations générales sur l'utilisation du navigateur de modèle, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40

Paramètres du nugget de modèle de cluster TwoStep-AS

L'onglet Paramètres fournit des options supplémentaires pour le nugget de modèle TwoStep-AS.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le

score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

- **Calculer en convertissant en SQL natif** Si cette option est sélectionnée, elle génère du SQL natif pour calculer le modèle dans la base de données.

  Remarque : Bien que cette option fournisse des résultats plus rapides, la taille et la complexité du SQL natif augmentent à mesure que le modèle se complexifie.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud K moyenne AS

K moyenne est l'un des algorithmes de cluster les plus couramment utilisés. Il regroupe des points de données au sein d'un certain nombre de clusters prédéfinis.[1] Le noeud K moyenne AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark.

Pour plus d'informations sur les algorithmes K moyenne, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/ml-clustering.html.

Notez que le noeud K moyenne AS effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

[1] "Clustering." *Apache Spark*. MLlib: Main Guide. Web. 3 Oct 2017.

Champs du noeud K moyenne AS

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ à partir d'un noeud type en amont. Elle est sélectionnée par défaut.

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Si vous souhaitez affecter manuellement des champs d'entrée, sélectionnez cette option, puis sélectionnez une ou plusieurs champs d'entrée. Cela revient à définir le rôle du champ dans la section **Entrée** d'un noeud Type

Options de génération du noeud K moyenne AS

L'onglet Options de génération permet de définir des options de génération pour le noeud K moyenne AS, notamment des options standard pour la génération de modèle, des options d'initialisation pour les centres de cluster et des options avancées pour l'itération de calcul et les valeurs de départ aléatoires. Pour plus d'informations, voir JavaDoc for K-Means on SparkML.[1]

Options standard

Nom de modèle. Nom du champ généré après avoir obtenu un scoring correspondant à un cluster spécifique. Sélectionnez **Automatique** (valeur par défaut) ou **Personnalisé** et tapez un nom.

Nombre de clusters. Indiquez le nombre de clusters à générer. La valeur par défaut est **5** et la valeur minimale est **2**.

Options d'initialisation

Mode d'initialisation. Indiquez la méthode à utiliser pour initialiser les centres de cluster. **K Moyenne||** est la valeur par défaut. Pour plus d'informations sur ces deux méthodes, voir Scalable K-Means++. [2]

Etapes d'initialisation. Si le mode d'initialisation **K Moyenne||** est sélectionné, indiquez le nombre d'étapes d'initialisation. **2** est la valeur par défaut.

Options avancées

Paramètres avancés. Sélectionnez cette option si vous souhaitez définir des options avancées de la manière suivante :

Itération max. Indiquez le nombre maximal d'itérations à effectuer lors de recherches dans des centres de cluster. **20** est la valeur par défaut.

Tolérance. Indiquez la tolérance de convergence pour les algorithmes itératifs. **1.0E-4** est la valeur par défaut.

Définir une valeur de départ aléatoire. Sélectionnez cette option et cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Options d'affichage

Afficher graphique. Sélectionnez cette option si vous voulez qu'un graphique soit inclus dans la sortie.

Le tableau suivant présente la relation entre les paramètres du noeud K moyenne AS de SPSS Modeler et les paramètres K-Means Spark.

Tableau 13. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres Spark

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre K-Means SparkML
Champs d'entrée	`features`	
Nombre de clusters	`clustersNum`	k
Mode d'initialisation	`initMode`	`initMode`
Etapes d'initialisation	`initSteps`	`initSteps`
Itération max.	`maxIter`	`maxIter`
Tolérance	`toleration`	`tol`
Valeur de départ aléatoire	`randomSeed`	`seed`

[1] "Class KMeans." *Apache Spark*. JavaDoc. Web. 3 Oct 2017.

[2] Bahmani, Moseley, et al. "Scalable K-Means++." Feb 28, 2012. http://theory.stanford.edu/%7Esergei/papers/vldb12-kmpar.pdf.

Visualiseur de clusters

Les modèles de cluster sont généralement utilisés pour trouver des groupes (ou des clusters) d'enregistrements similaires en fonction des variables examinées, où la similarité entre les membres d'un même groupe est élevée et où la similarité entre les membres de différents groupes est faible. Les résultats peuvent être utilisés pour identifier des associations qui ne seraient pas évidentes autrement. Par exemple, grâce à la classification des préférences des clients, du niveau de revenu et des habitudes d'achat, il peut être possible d'identifier les types de clients les plus susceptibles de répondre à une campagne de marketing particulière.

Il existe deux approches pour interpréter les résultats d'un affichage de cluster :

- Examiner les clusters afin de déterminer les caractéristiques uniques de ce cluster. *Est-ce qu'un cluster contient tous les emprunteurs à revenus élevés ? Est-ce que ce cluster contient davantage d'enregistrements que les autres ?*
- Examiner les champs des clusters afin de déterminer comment les valeurs sont distribuées parmi les clusters. *Est-ce que le niveau d'éducation détermine l'appartenance à un cluster ? Une cote de solvabilité élevée permet-elle de distinguer l'appartenance à un cluster spécifique ?*

Grâce à l'utilisation des vues principales et des différentes vues liées dans le Visualiseur de clusters, vous pouvez avoir un bon aperçu qui vous aidera à répondre à ces questions.

Il est possible de générer les nuggets de modèle de cluster suivants dans IBM SPSS Modeler :

- Nugget de modèle de réseau Kohonen
- Nugget de modèle k moyenne
- Nugget de modèle de classification TwoStep

Pour consulter les informations concernant les nuggets de modèle de cluster, cliquez avec le bouton droit de la souris sur le noeud de modèle et sélectionnez **Parcourir** dans le menu contextuel (ou **Modifier** pour les noeuds d'un flux). Vous pouvez aussi, si vous utilisez le noeud de modélisation de Cluster automatique, double-cliquer sur le nugget de cluster requis dans le nugget de modèle de cluster automatique. Pour plus d'informations, voir «Noeud cluster automatique», à la page 75.

Visualiseur de clusters - Onglet Modèle

L'onglet Modèle des modèles de cluster présente un affichage graphique des statistiques et des distributions récapitulatives des champs entre les clusters, qui s'appelle **Visualiseur de clusters**.

Remarque : L'onglet Modèle n'est pas disponible pour les modèles développés avec des versions d'IBM SPSS Modeler antérieures à la version 13.

Le Visualiseur de clusters est constitué de deux panneaux, la vue principal à gauche et la vue liée, ou auxiliaire, à droite. Il existe deux vues principales :

- Récapitulatif du modèle (par défaut). Pour plus d'informations, voir «Vue récapitulative du modèle», à la page 255.
- Clusters. Pour plus d'informations, voir «Vue Clusters», à la page 256.

Il existe quatre vues liées/auxiliaires :

- Importance des prédicteurs. Pour plus d'informations, voir «Vue Importance des prédicteurs de cluster», à la page 257.
- Taille des clusters (par défaut). Pour plus d'informations, voir «Vue Tailles des clusters», à la page 257.
- Distribution des cellules. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Vue Distribution des cellules», à la page 258.
- Comparaison des clusters. Pour plus d'informations, voir «Vue Comparaison des clusters», à la page 258.

Vue récapitulative du modèle

La vue récapitulative du modèle affiche un instantané, ou un récapitulatif, du modèle de cluster, y compris une mesure par silhouette de la cohésion et de la séparation des clusters qui est ombrée pour indiquer des résultats faibles, moyens ou bons. Cet instantané vous permet de vérifier rapidement si la qualité est faible, auquel cas vous pouvez décider de revenir au noeud de modélisation afin de corriger les paramètres du modèle de cluster pour obtenir un meilleur résultat.

Les résultats faibles, moyens et bons sont basés sur le travail de Kaufman et Rousseeuw (1990) concernant l'interprétation des structures de cluster. Dans la vue récapitulative du modèle, d'après l'évaluation de Kaufman et Rousseeuw, un bon résultat équivaut à des données qui indiquent une preuve raisonnable ou forte de la structure du cluster, un résultat moyen signifie une preuve faible et un résultat mauvais reflète une absence de preuve significative.

La mesure par silhouette établit la moyenne, de tous les enregistrements, (B-A) / max(A,B), où A correspond à la distance de l'enregistrement au centre de son cluster et B correspond à la distance de l'enregistrement au centre du cluster le plus proche auquel il n'appartient pas. Un coefficient de silhouette de 1 signifie que toutes les observations sont situées directement au centre de leurs clusters. Une valeur de -1 signifie que toutes les observations sont situées au centre de cluster d'autres clusters. Une valeur de 0 signifie, en moyenne, que les observations sont équidistantes du centre de leur propre cluster et du centre de l'autre cluster le plus proche.

Le récapitulatif inclut un tableau qui contient les informations suivantes :

- **Algorithme.** L'algorithme de classification utilisé, par exemple "TwoStep".
- **Fonctions d'entrée.** Le nombre de champs, ou d'**entrées** ou de **prédicteurs**.
- **Clusters.** Le nombre de clusters dans la solution.

Vue Clusters

La vue des clusters contient une grille présentant les clusters par caractéristiques, qui inclut les noms des clusters, leurs tailles et les profils de chaque cluster.

Les colonnes de la grille contiennent les informations suivantes :

- **Cluster.** Les nombres de clusters créés par l'algorithme.
- **Libellé.** Toutes les libellés appliquées à chaque cluster (vierge par défaut). Double-cliquez dans la cellule pour saisir un libellé qui décrit les contenus de cluster ; par exemple "Acheteurs de voitures de luxe".
- **Description.** Toutes les descriptions du contenu de cluster (vierge par défaut). Double-cliquez dans la cellule pour saisir une description du cluster ; par exemple « professionnels, plus de 55 ans, gagnant plus de 100 000 $ ».
- **Taille.** La taille de chaque cluster sous la forme d'un pourcentage de l'échantillon général des clusters. Chaque cellule de taille de la grille affiche une barre verticale qui indique le pourcentage de taille au sein du cluster, un pourcentage de taille au format numérique et les effectifs d'observation du cluster.
- **Fonctions.** Les entrées ou prédicteurs individuels, triés par importance générale par défaut. Si des colonnes ont la même taille, elles sont affichées par ordre croissant des numéros de cluster.

  L'importance des caractéristiques générales est indiquée par la couleur d'ombrage de l'arrière-plan de la cellule ; la caractéristique la plus importante étant plus sombre et la moins importante n'étant pas ombrée. Un guide situé au-dessus du tableau indique l'importance correspondant à chaque couleur de cellule de caractéristique.

Lorsque vous passez la souris sur une cellule, le nom complet/le libellé de la caractéristique et la valeur de l'importance de la cellule s'affichent. De plus amples informations peuvent être affichées selon le type de vue et de caractéristique. Dans la vue Centres des clusters, cela inclut les statistiques de la cellule et la valeur de la cellule, par exemple : "Mean: 4.32". Pour les fonctions catégorielles, la cellule indique le nom de la catégorie la plus fréquente (modale) et son pourcentage.

Dans la vue des clusters, vous pouvez sélectionner plusieurs manières d'afficher les informations des clusters :

- Transposer les clusters et les caractéristiques. Pour plus d'informations, voir «Transposer les clusters et les caractéristiques», à la page 256.
- Trier les fonctions. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Trier les fonctions», à la page 256.
- Trier les clusters. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Trier les clusters», à la page 257.
- Sélectionner le contenu des cellules. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Contenu des cellules», à la page 257.

Transposer les clusters et les caractéristiques

Par défaut, les clusters sont affichés en colonnes et les caractéristiques en lignes. Pour inverser cet affichage, cliquez sur le bouton **Transposer les clusters et les caractéristiques** à gauche des boutons **Trier les caractéristiques par**. Par exemple, vous pouvez réaliser ceci lorsque de nombreux clusters sont affichés, afin de réduire le défilement horizontal nécessaire pour visualiser les données.

Trier les fonctions

Le bouton **Trier les fonctions par** vous permet de sélectionner la façon dont les cellules de fonctions sont affichées :

- **Importance générale.** Il s'agit de l'ordre de tri par défaut. Les fonctions sont triées en ordre décroissant de l'importance générale, et l'ordre de tri est le même pour tous les clusters. Si des fonctions ont des valeurs d'importance liées, les fonctions liées sont répertoriées par ordre croissant des noms de fonctions.
- **Importance intracluster.** Les fonctions sont triées par rapport à leur importance pour chaque cluster. Si des fonctions ont des valeurs d'importance liées, les fonctions liées sont répertoriées par ordre croissant des noms de fonctions. Lorsque cette option est sélectionnée, l'ordre de tri varie généralement d'un cluster à l'autre.
- **Nom.** Les fonctions sont triées par nom dans l'ordre alphabétique.
- **Ordre des données.** Les fonctions sont triées selon leur ordre dans l'ensemble de données.

Trier les clusters

Par défaut, les clusters sont triés en ordre de taille décroissante. Les boutons **Trier les clusters par** vous permettent de les trier par nom dans l'ordre alphabétique, ou, si vous avez créé des libellés uniques, par ordre alphabétique des libellés.

Les caractéristiques ayant le même libellé sont triées selon le nom de cluster. Si des clusters sont triés par libellé et que vous modifiez le libellé d'un cluster, l'ordre de tri est automatiquement mis à jour.

Contenu des cellules

Les boutons **Cellules** vous permettent de modifier l'affichage du contenu des cellules pour les champs de caractéristiques et d'évaluation.

- **Centres de cluster.** Par défaut, les cellules affichent les noms/libellés des caractéristiques et la tendance centrale pour chaque combinaison de cluster/caractéristique. La moyenne est affichée pour des champs continus et le mode (de la catégorie se présentant le plus fréquemment) avec le pourcentage de catégorie des champs qualitatifs.
- **Distributions absolues.** Affiche des noms/libellés de caractéristiques et des distributions absolues des caractéristiques dans chaque cluster. Pour les caractéristiques qualitatives, l'affichage montre des graphiques à barres où sont superposées des catégories en ordre croissant de la valeur des données. Pour les caractéristiques continues, l'affichage montre un tracé de densité lissé qui utilise les mêmes extrema et intervalles pour chaque cluster.

  L'affichage en rouge uni montre la distribution des clusters, alors qu'un affichage plus pâle représente les données générales.

- **Distributions relatives.** Affiche les noms/libellés des caractéristiques et les distributions relatives dans les cellules. En général, les affichages sont similaires à ceux des distributions absolues, excepté les distributions relatives qui sont affichées à la place.

  L'affichage en rouge uni montre la distribution des clusters, alors qu'un affichage plus pâle représente les données générales.

- **Vue de base.** Là où il y a beaucoup de clusters, il peut être difficile de distinguer tous les détails sans procéder à un défilement. Afin de réduire le défilement, sélectionnez cette vue pour modifier l'affichage en une version plus compacte du tableau.

Vue Importance des prédicteurs de cluster

La vue de l'importance des prédicteurs affiche l'importance relative de chaque champ dans l'estimation du modèle.

Vue Tailles des clusters

La vue de la taille des clusters affiche un graphique circulaire qui contient chaque cluster. La taille en pourcentage de chaque cluster est affichée sur chaque tranche ; passez la souris sur chaque tranche pour afficher l'effectif de celle-ci.

En dessous du graphique, un tableau répertorie les informations suivantes sur la taille :

- La taille du cluster le plus petit (en effectif et en pourcentage de l'ensemble).
- La taille du cluster le plus grand (en effectif et en pourcentage de l'ensemble).
- Le rapport de taille du cluster le plus grand par rapport au cluster le plus petit.

Vue Distribution des cellules

La vue de la distribution des cellules affiche un tracé étendu et plus détaillé de la distribution des données pour toutes les cellules de caractéristique que vous sélectionnez dans le tableau du panneau principal des clusters.

Vue Comparaison des clusters

La vue de comparaison des clusters se compose d'une présentation sous forme de grille avec des caractéristiques dans les lignes et des clusters sélectionnés dans les colonnes. Cette vue vous aide à mieux comprendre les facteurs qui composent les clusters ; elle vous permet aussi de voir les différences entre les clusters non seulement par comparaison avec les données générales mais aussi en comparant les clusters les uns aux autres.

Pour sélectionner des clusters à afficher, cliquez en haut de la colonne de cluster sur le panneau principal des clusters. Cliquez en maintenant la touche Ctrl ou Maj enfoncée pour sélectionner ou désélectionner plus d'un cluster pour la comparaison.

Remarque : Vous pouvez sélectionner jusqu'à cinq clusters à afficher.

Les clusters sont affichés dans l'ordre où elles ont été sélectionnées, alors que l'ordre des champs est déterminé par l'option **Trier les caractéristiques par**. Lorsque vous sélectionnez **Importance intra-cluster**, les champs sont toujours triés par ordre d'importance générale.

Les tracés d'arrière-plan affichent les distributions générales de chaque caractéristique :

- Les caractéristiques qualitatives sont affichées sous forme de nuages de points, où la taille des points indique la catégorie la plus fréquente/modale pour chaque cluster (par caractéristique).
- Les caractéristiques continues seront affichées sous forme de boîtes à moustache, qui affichent les médianes générales et les intervalles interquartiles.

Des boîtes à moustache des clusters sélectionnés recouvrent ces vues d'arrière-plan :

- Pour des fonctions continues, des marqueurs en points carrés et des lignes horizontales indiquent la médiane et la plage interquartile de chaque cluster.
- Chaque cluster est représenté par une couleur différente, affichée en haut de la vue.

Navigation dans le Visualiseur de clusters

Le Visualiseur de clusters est un affichage interactif. Vous pouvez :

- sélectionner un champ ou un cluster pour afficher davantage de détails ;
- comparer des clusters afin de sélectionner des éléments intéressants ;
- modifier l'affichage ;
- transposer les axes.
- Générer des noeuds Calculer, Filtre et Sélectionner à l'aide du menu Générer.

Utilisation des barres d'outils

Vous contrôlez les informations affichées dans les panneaux de gauche et de droite à l'aide des options des barres d'outils. Vous pouvez modifier l'orientation de l'affichage (haut-bas, gauche-droite ou droite-gauche) à l'aide des commandes des barres d'outils. En outre, vous pouvez aussi réinitialiser le Visualiseur à ses paramètres par défaut et ouvrir une boîte de dialogue pour spécifier le contenu de la vue des clusters dans le panneau principal.

Les options **Trier les caractéristiques par**, **Trier les clusters par**, **Cellules** et **Affichage** ne sont disponibles que lorsque vous sélectionnez la vue **Clusters** du panneau principal. Pour plus d'informations, voir «Vue Clusters», à la page 256.

Tableau 14. Icônes de la barre d'outils

Icône	Rubrique
	Voir Transposer les clusters et les fonctions
	Voir Trier les fonctions par
	Voir Trier les clusters par
	Voir Cellules

Génération de noeuds à partir de modèles de cluster

Le menu Générer vous permet de créer de nouveaux noeuds basés sur le modèle de cluster. Cette option est disponible dans l'onglet Modèle du modèle généré et vous permet de générer des noeuds basés sur la sélection ou l'affichage actuel (c'est-à-dire tous les clusters visibles ou sélectionnés). Par exemple, vous pouvez sélectionner une caractéristique unique puis générer un noeud Filtre pour ignorer toutes les autres caractéristiques (invisibles). Les noeuds générés sont placés sans connexion sur le canevas. En outre, vous pouvez générer une copie du nugget de modèle dans la palette des modèles. N'oubliez pas de connecter les noeuds et de procéder à toutes les modifications souhaitées avant l'exécution.

- **Générer le noeud de modélisation.** Crée un noeud de modélisation sur le canevas du flux. Ceci peut être utile, par exemple, si vous avez un flux dans lequel vous souhaitez utiliser ces paramètres de modèle mais que vous ne possédez plus le noeud de modélisation utilisé pour les générer.
- **Modèle vers palette.** Crée un nugget sur la palette des modèles. Ceci est utile dans des situations où un collègue peut vous avoir envoyé un flux contenant le modèle mais pas le modèle même.
- **Noeud filtre.** Crée un nouveau noeud Filtre pour filtrer les champs qui ne sont pas utilisés par le modèle de cluster et/ou qui ne sont pas visibles dans l'affichage actuel du Visualiseur de clusters. S'il existe un noeud Type en amont de ce noeud Cluster, tous les champs avec le rôle *Cible* sont ignorés par le noeud Filtre généré.
- **Noeud filtre (à partir de la sélection).** Crée un noeud Filtre pour filtrer des champs basés sur des sélections dans le Visualiseur de clusters. Cliquez tout en maintenant la touche Ctrl enfoncée pour sélectionner plusieurs champs. Les champs sélectionnés dans le Visualiseur de cluster sont ignorés en aval, mais vous pouvez modifier ce comportement en modifiant le noeud Filtre avant l'exécution.
- **Noeud Sélectionner.** Crée un nouveau noeud Sélectionner pour sélectionner des enregistrements en fonction de leur appartenance à l'un des clusters visibles dans l'affichage actuel du Visualiseur de clusters. Une condition de sélection est automatiquement générée.
- **Noeud Sélectionner (à partir de la sélection).** Crée un nouveau noeud Sélectionner pour sélectionner des enregistrements basés sur l'appartenance à des clusters sélectionnés dans le Visualiseur de clusters. Pour sélectionner plusieurs clusters, cliquez tout en maintenant la touche Ctrl enfoncée
- **Noeud dériver.** Crée un noeud Dériver qui calcule un champ indicateur qui attribue une valeur *True (vrai)* ou *False (faux)* à des enregistrements en fonction de l'appartenance à tous les clusters visibles dans le Visualiseur de clusters. Une condition de dérivation est automatiquement générée.
- **Noeud dériver (à partir de la sélection).** Crée un nouveau noeud Dériver qui calcule un champ indicateur en fonction de l'appartenance à des clusters sélectionnés dans le Visualiseur de clusters. Pour sélectionner plusieurs clusters, cliquez tout en maintenant la touche Ctrl enfoncée

Outre la génération de noeuds, vous pouvez aussi créer des graphiques à partir du menu Générer. Pour plus d'informations, voir «Génération de graphiques à partir de modèles de cluster», à la page 260.

Contrôler l'affichage de la vue des clusters

Pour contrôler ce qui est affiché dans la vue des clusters sur le panneau principal, cliquez sur le bouton **Afficher**. La boîte de dialogue Afficher s'ouvre.

Fonctions. Sélectionné par défaut. Pour masquer toutes les caractéristiques entrées, décochez la case.

Champs d'évaluation. Sélectionnez les champs d'évaluation à afficher (les champs qui ne sont pas utilisés pour créer le modèle de cluster, mais envoyés au Visualiseur de modèles pour évaluer les clusters) ; par défaut, aucun n'est affiché. *Remarque* Le champ d'évaluation doit être une chaîne contenant plus d'une valeur. Cette case à cocher n'est pas disponible si aucun champ d'évaluation n'est disponible.

Descriptions des clusters. Sélectionné par défaut. Pour masquer toutes les cellules de description des clusters, décochez la case.

Tailles des clusters. Sélectionné par défaut. Pour masquer toutes les cellules de taille des clusters, décochez la case.

Nombre maximal de catégories. Spécifiez le nombre maximal de catégorie à afficher dans les graphiques de caractéristiques qualitatives ; la valeur par défaut est de 20.

Génération de graphiques à partir de modèles de cluster

Les modèles de cluster fournissent beaucoup d'informations ; cependant, ils ne sont pas toujours dans un format facilement accessible aux utilisateurs professionnels. Pour fournir les données d'une manière facilement incorporable aux rapports d'activité, aux présentations, etc., vous pouvez réaliser des graphiques à partir des données sélectionnées. Par exemple, à partir du Visualiseur de clusters, vous pouvez générer un graphique pour un cluster sélectionné, en ne créant ainsi un graphique que pour les observations de ce cluster.

Remarque : Vous ne pouvez que générer un graphique à partir du Visualiseur de clusters lorsque le nugget de modèle est joint à d'autres noeuds dans un flux.

Générer un graphique

1. Ouvrez le nugget de modèles contenant le Visualiseur de clusters.
2. Dans l'onglet Modèle, sélectionnez *Clusters* à partir de la liste déroulante**Vue**.
3. Dans la vue principale, sélectionnez le ou les clusters pour lesquels vous souhaitez réaliser un graphique.
4. Pour le menu Générer, sélectionnez **Graphique (de la sélection)** ; l'onglet Graphique de base s'affiche.

   Remarque : Seuls les onglets de Base et Détaillé seront disponibles lorsque vous affichez le graphique de cette manière.
5. A l'aide des paramètres de l'onglet de Base ou Détaillé, spécifiez les détails à afficher sur le graphique.
6. Cliquez sur OK pour générer le graphique.

L'en-tête du graphique identifie le type de modèle et le ou les clusters que vous avez choisis d'inclure.

Chapitre 12. Règles d'association

Les **règles d'association** associent une conclusion particulière (l'achat d'un produit particulier, par exemple) à un ensemble de conditions (l'achat de plusieurs autres produits, par exemple). Par exemple, la règle

```
bière <= conserves légumes & surgelés (173, 17,0 %, 0,84)
```

sous-entend que l'événement *bière* se produit lorsque les événements *conserves légumes* et *surgelés* ont lieu en même temps. La règle est fiable à 84 % et s'applique à 17 % des données ou à 173 enregistrements. Les algorithmes des règles d'association recherchent automatiquement les associations que vous pouvez trouver manuellement à l'aide de techniques de visualisation, telles que le noeud Relations.

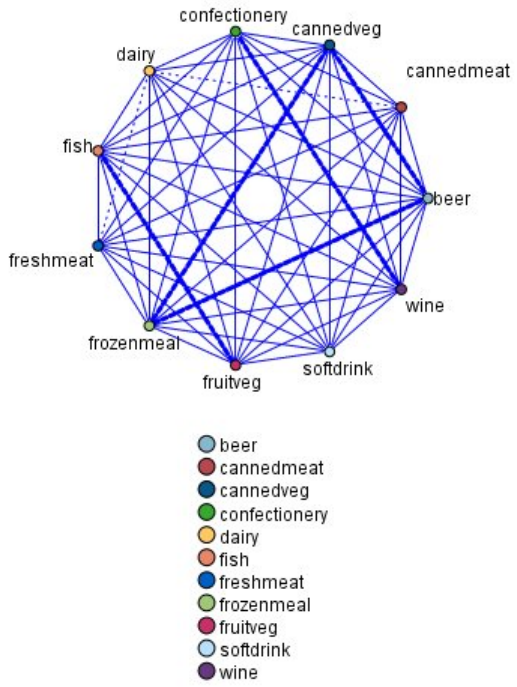


Figure 45. Noeud Relations présentant les associations entre les éléments du panier d'achats

L'avantage des algorithmes de règles d'association par rapport aux algorithmes d'arbre de décisions standard (C5.0 et Arbres C&RT) est le fait qu'il puisse exister des associations entre *tous* les attributs. Un algorithme d'arbre de décisions peut construire une règle uniquement avec une seule conclusion. En revanche, les algorithmes d'association tentent d'en trouver plusieurs, chaque règle pouvant avoir une conclusion différente.

L'inconvénient des algorithmes d'association est qu'ils recherchent des éléments dans un espace de recherche très grand, nécessitant ainsi beaucoup plus de temps qu'un algorithme d'arbre de décisions. Les algorithmes utilisent une méthode de type **générer et tester** pour la recherche de règles. Tout d'abord, des règles simples sont générées, puis elles sont validées par rapport au de l'ensemble de données. Les règles satisfaisantes sont conservées et toutes les règles, soumises à différentes contraintes, sont alors spécialisées. La **spécialisation** consiste à ajouter des conditions à une règle. Ces nouvelles règles sont confrontées aux données pour être validées et lors de ce processus, les meilleures règles, ou les plus intéressantes, sont systématiquement conservées. L'utilisateur apporte généralement certaines limites au nombre possible d'antécédents pour savoir si une règle doit être conservée ou pas. Plusieurs techniques reposant sur la théorie de l'information ou des plans d'indexation efficaces sont utilisées pour réduire significativement l'espace de recherche.

A la fin du traitement, une table contenant les meilleures règles apparaît. A la différence d'un arbre de décisions, cet ensemble de règles ne peut pas être utilisé directement pour faire des prévisions comme pourrait l'être un modèle standard (tel qu'un arbre de décisions ou un réseau de neurones). Ceci est dû aux différentes conclusions possibles pour chaque règle. Un autre niveau de transformation est requis pour transformer les règles d'association en un ensemble de règles de classification. C'est pourquoi les règles d'association produites par les algorithmes d'association sont désignées sous le nom de **modèles bruts**. Même si l'utilisateur peut parcourir ces modèles, il ne peut pas les utiliser explicitement en tant que modèles de classification à moins de demander au système de générer un modèle de cluster à partir du modèle brut. Cette opération est réalisée à partir du navigateur via l'option de menu Générer.

Deux algorithmes de règles d'association sont pris en charge :

Le noeud Apriori extrait des données un ensemble de règles et retient les règles contenant la plus grande quantité d'informations. Le noeud Apriori fournit cinq méthodes de sélection de règles et utilise un modèle d'indexation sophistiqué pour traiter efficacement les volumes de données importants. Pour les problèmes importants, l'apprentissage du noeud Apriori est généralement plus rapide ; il n'existe aucune limite quant au nombre de règles pouvant être conservées et il peut prendre en charge des règles faisant l'objet de 32 pré-conditions. Le noeud Apriori exige que les champs d'entrée et de sortie soient tous catégoriels, mais fournit de meilleures performances car il est optimisé de ce type de données.

Le noeud Séquence recherche des règles d'association dans des données dotées d'une dimension temporelle. Une séquence est une liste de jeux d'éléments ayant tendance à survenir dans un ordre prévisible. Par exemple, un client qui achète un rasoir et une lotion après-rasage achètera vraisemblablement de la crème à raser. Le noeud Séquence est basé sur l'algorithme de règles d'association CARMA, qui utilise une méthode efficace de double lecture pour rechercher des séquences.

Données tabulaires et données transactionnelles

Les données utilisées par les modèles de règles d'association peuvent présenter un format transactionnel ou tabulaire, comme décrit ci-dessous. Les informations fournies ici sont des descriptions d'ordre général ; les exigences particulières qui peuvent s'appliquer sont exposées dans la documentation propre à chaque type de modèle. Lors du scoring d'un modèle, les données faisant l'objet du scoring doivent refléter le format de celles utilisées pour la création du modèle. Les modèles créés à partir de données tabulaires ne peuvent servir qu'au scoring des données tabulaires, et ceux créés à partir de données transactionnelles au scoring de ce type de données.

Format transactionnel

Les données transactionnelles comportent un enregistrement distinct pour chaque transaction ou élément. Supposons, par exemple, qu'un client effectue plusieurs achats. Chacun de ces achats constitue un enregistrement distinct, comportant des éléments associés liés par un ID client. C'est ce que l'on nomme parfois format **till-roll** (déroulant).

Client	Achat
1	confiture
2	lait
3	confiture
3	pain
4	confiture
4	pain
4	lait

Les noeuds Apriori, CARMA et Séquence peuvent tous utiliser des données transactionnelles.

Données tabulaires

Les données tabulaires (également appelées données de **panier d'achat** ou données de **table des valeurs vraies**) comportent des éléments représentés par des indicateurs distincts, chaque champ indicateur indiquant la présence ou l'absence d'un élément spécifique. Chaque enregistrement représente un ensemble complet d'éléments associés. Les champs indicateurs peuvent être catégoriels ou numériques (certains modèles peuvent toutefois présenter des exigences plus particulières).

Client	Confiture	Pain	Lait
1	V	F	F
2	F	F	V
3	V	V	F
4	V	V	V

Les noeuds Apriori, CARMA, GSAR et Séquence peuvent tous utiliser des données tabulaires.

noeud Apriori

Le noeud Apriori recherche également des règles d'association dans les données. Il fournit cinq méthodes de sélection de règles et utilise un modèle d'indexation évolué pour traiter efficacement les volumes de données importants.

Conditions requises. La création d'un ensemble de règles Apriori requiert au moins un champ *Entrée* et au moins un champ *Cible*. Les champs d'entrée et de sortie (dont le rôle *Entrée*, *Cible* ou *Les deux*) doivent être symboliques. Les champs indiquant le rôle *Aucun* sont ignorés. Les types de champ doivent être entièrement instanciés avant l'exécution du noeud. Les données peuvent être au format tabulaire ou transactionnel. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Puissance. Pour les problèmes importants, l'apprentissage du noeud Apriori est généralement plus rapide. D'autre part, il n'existe aucune limite quant au nombre de règles pouvant être conservées et le noeud Apriori peut prendre en charge des règles faisant l'objet de 32 pré-conditions. Le noeud Apriori propose cinq méthodes d'apprentissage, ce qui permet une meilleure adaptation de la méthode d'exploration de données aux problèmes rencontrés.

Noeud Apriori - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Prise en charge minimale de la règle. Vous pouvez spécifier un critère de prise en charge pour toutes les règles. L'option **Prise en charge** correspond au pourcentage d'enregistrements contenus dans les données d'apprentissage pour lesquels les antécédents (la partie "if" de la règle) sont vrais (true). (Cette définition de la prise en charge est différente de celle utilisée dans les noeuds CARMA et Séquence. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Noeud Séquence - Options modèle», à la page 279.) Si vous obtenez des règles qui s'appliquent à des sous-jeux de données de très petite taille, augmentez la valeur de ce paramètre.

Remarque : La définition de la prise en charge d'Apriori repose sur le nombre d'enregistrements dotés des antécédents. Elle diffère ainsi des algorithmes CARMA et Séquence, dont la définition de prise en charge est basée sur le nombre d'enregistrements dotés de tous les éléments d'une règle (c'est-à-dire les antécédents et les conséquences). Les résultats des modèles d'association affichent à la fois la prise en charge (antécédent) et les mesures de prise en charge de règle.

Confiance de règle minimale. Vous pouvez également spécifier un critère de confiance. La **confiance** est basée sur les enregistrements pour lesquels les antécédents de la règle sont vrais (true), et correspond

au pourcentage de ces enregistrements pour lesquels les conséquences sont également vraies (true). Autrement dit, le pourcentage des prévisions basées sur la règle est correct. Les règles dont le niveau de confiance est inférieur au niveau minimal de confiance spécifié sont ignorées. Augmentez la valeur de cette option si le nombre de règles est trop important. En revanche, réduisez la valeur de ce paramètre si le nombre de règles n'est pas assez important, voire nul.

Remarque : Si nécessaire, vous pouvez mettre en évidence la valeur et le type dans votre propre valeur. Sachez que si vous réduisez la valeur de confiance à un niveau inférieur à 1.0, outre la quantité élevée de mémoire disponible nécessaire à l'exécution du processus, la génération des règles pourrait prendre beaucoup de temps.

Nombre maximal d'antécédents. Vous pouvez spécifier le nombre maximal de pré-conditions s'appliquant aux règles. Cela vous permet de limiter leur complexité. Si les règles sont trop complexes ou spécifiques, réduisez la valeur de ce paramètre. Ce paramètre influe beaucoup sur la durée de l'apprentissage. Si l'apprentissage de votre ensemble de règles est trop long, réduisez la valeur de ce paramètre.

Uniquement valeurs vraies pour indicateurs. Si cette option est sélectionnée pour des données au format tabulaire (table des valeurs vraies), seules les valeurs vraies sont incluses dans les règles générées. Cela permet d'interpréter plus facilement les règles. Cette option ne s'applique pas aux données au format transactionnel. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Remarque : Le noeud de génération de modèle CARMA ignore les enregistrements vides lors de la génération d'un modèle si le type de champ est un indicateur, tandis que le noeud de génération de modèle Apriori inclut les enregistrements vides. Les enregistrements vides sont ceux dans lesquels tous les champs utilisés dans la génération de modèle comportent une valeur false.

Optimiser. Sélectionnez, à votre convenance, les options destinées à accroître les performances du système au cours de la création de modèles.

- Sélectionnez **Vitesse** pour que l'algorithme n'utilise jamais le débordement sur disque, afin d'améliorer les performances.
- Sélectionnez **Mémoire** pour que l'algorithme utilise le débordement sur disque en cas de besoin, ce qui a pour effet de réduire la vitesse. Par défaut, cette option est sélectionnée.

  Remarque : Si vous exécutez le système en mode réparti, ce paramètre peut être ignoré par les options administrateur indiquées dans le fichier *options.cfg*. Pour plus d'informations, voir *IBM SPSS Modeler Server - Guide d'administration*.

Options expert du noeud Apriori

Les options expert décrites ci-dessous, qui s'adressent aux utilisateurs ayant une connaissance approfondie des opérations Apriori, permettent d'affiner le processus d'induction. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Mesure évaluation. Le noeud Apriori prend en charge cinq méthodes d'évaluation des règles potentielles.

- **Confiance règle.** La méthode par défaut évalue les règles en fonction de leur degré de confiance (ou exactitude). Par conséquent, l'option **Limite inférieure de la mesure d'évaluation** est désactivée, puisqu'elle crée un effet de redondance avec l'option **Confiance minimale de la règle** de l'onglet Modèles. Pour plus d'informations, voir «Noeud Apriori - Options du modèle», à la page 263.
- **Différence de confiance.** (Egalement appelée **différence de confiance absolue a priori**.) Cette mesure d'évaluation correspond à la différence absolue entre le degré de confiance actuel de la règle et son degré de confiance antérieur. Cette option empêche l'apparition de biais lorsque les résultats ne sont pas distribués de façon régulière. Cela permet d'éviter de conserver des règles trop "évidentes". Par exemple, supposons que 80 % de vos clients achètent votre produit le plus apprécié. Une règle qui prédit avec 85 % d'exactitude que votre produit sera acheté ne constitue pas une information essentielle, même si une exactitude de 85 % semble être un excellent résultat dans l'absolu. Paramétrez la valeur du champ Limite inférieure de la mesure d'évaluation sur la différence minimale de confiance déterminant si les règles doivent être conservées.

- **Rapport de confiance.** (Egalement appelé **différence du quotient de confiance par rapport à 1**.) Cette mesure d'évaluation correspond au rapport entre le degré de confiance actuel et le degré de confiance antérieur de la règle (ou, si le rapport est supérieur à un, sa valeur inverse). Tout comme la différence de confiance, cette méthode prend en compte les proportions irrégulières. Elle vous permet de trouver des règles qui prédisent des événements rares. Prenons pour exemple une maladie extrêmement rare qui concerne seulement 1 % des patients. Une règle capable de prédire cette maladie avec une exactitude de 10 % constitue un grand progrès par rapport à l'estimation aléatoire, même si dans l'absolu une exactitude de 10 % ne semble pas exceptionnelle. Dans le champ Limite inférieure de la mesure d'évaluation, indiquez la différence déterminant si les règles doivent être conservées.
- **Différence d'informations.** (Egalement appelée **différence d'informations a priori**.) Cette mesure est calculée sur la base de la mesure **gain d'informations**. Si la probabilité d'une conséquence particulière est considérée comme une valeur logique (un **bit**), alors le gain d'informations correspond à la proportion de l'octet qui peut être déterminée par les antécédents. La différence d'informations correspond à la différence entre le gain d'informations calculé sur la base des antécédents et le gain d'informations calculé sur la base du degré de confiance antérieur de la conséquence. L'une des principales caractéristiques de cette méthode est qu'elle prend en compte la prise en charge. Ainsi, pour un niveau de confiance donné, les règles qui seront le plus souvent retenues sont celles qui s'appliquent au plus grand nombre d'enregistrements. Dans le champ Limite inférieure de la mesure d'évaluation, indiquez la différence déterminant si les règles doivent être conservées.

  Remarque : Dans la mesure où l'échelle de cette mesure est moins intuitive que les autres échelles, il peut s'avérer nécessaire de tester différentes valeurs de ce paramètre avant d'obtenir un ensemble de règles satisfaisant.
- **Khi-deux normalisé.** (également appelé **mesure de Khi-deux normalisée**). Cette mesure est un index statistique d'associations entre les antécédents et les conséquences. Cette mesure est normalisée de façon à prendre des valeurs comprises entre 0 et 1. L'influence de la prise en charge sur cette mesure est encore plus importante que pour la mesure de la différence d'informations. Dans le champ Limite inférieure de la mesure d'évaluation, indiquez la différence déterminant si les règles doivent être conservées.

  Remarque : Tout comme pour la différence d'informations, l'échelle de cette mesure est moins intuitive que celles des autres mesures. Il peut donc s'avérer nécessaire de tester différentes valeurs de ce paramètre avant d'obtenir un ensemble de règles satisfaisant.

Autoriser les règles ne comportant pas d'antécédents. Sélectionnez cette option pour autoriser les règles qui comprennent uniquement les conséquences (élément ou jeu d'éléments). Cela s'avère utile lorsque vous souhaitez déterminer des éléments ou des jeux d'éléments communs. Par exemple, cannedveg est une règle à élément unique sans antécédent qui indique que l'achat de *conserves légumes* est une occurrence commune aux données. Vous pouvez, dans certains cas, inclure des règles de ce type si vous ne souhaitez obtenir que les prévisions les plus sûres. Cette option est désactivée par défaut. Par convention, la prise en charge des antécédents des règles sans antécédent est de 100 %. Quant à la prise en charge de la règle, elle est identique au degré de confiance.

Noeud CARMA

Le noeud CARMA utilise un algorithme de découverte de règles d'association pour déterminer les règles d'association des données. Les règles d'association sont des instructions ayant la forme suivante

```
if antecedent(s) then consequent(s)
```

Par exemple, si un internaute achète une carte sans fil et un routeur sans fil haut de gamme, il est également probable qu'il achète un serveur de musique sans fil, si l'offre est disponible. Le modèle CARMA extrait un ensemble de règles des données sans que vous ayez à définir les champs d'entrée ou les champs cible. Les règles générées peuvent ainsi être utilisées pour une plus grande variété d'applications. Par exemple, vous pouvez utiliser les règles générées par ce noeud pour rechercher une liste de produits ou de services (antécédents) dont la conséquence correspond à l'élément que vous souhaitez promouvoir à l'occasion de cette période de congés. Grâce à IBM SPSS Modeler, vous pouvez

identifier les clients qui ont acheté les produits antécédents et élaborer une campagne marketing destinée à promouvoir le produit résultant.

Conditions requises. A l'inverse d'Apriori, le noeud CARMA ne requiert pas de champs *Entrée* ou *Cible*. Cette caractéristique est inhérente au mode de fonctionnement de l'algorithme ; cela revient à créer un modèle Apriori dont tous les champs sont paramétrés sur *Les deux*. Vous pouvez limiter les éléments qui sont uniquement répertoriés comme antécédents ou comme conséquences ; il vous suffit pour cela de filtrer le modèle une fois qu'il a été créé. Par exemple, vous pouvez utiliser le navigateur de modèle pour rechercher une liste de produits ou de services (antécédents) dont la conséquence correspond à l'élément que vous souhaitez promouvoir à l'occasion de cette période de congés.

Pour créer un ensemble de règles CARMA, vous devez renseigner un champ ID, ainsi qu'un ou plusieurs champs d'analyse. Le champ ID peut être de n'importe quel rôle ou niveau de mesure. Les champs indiquant le rôle *Aucun* sont ignorés. Les types de champ doivent être entièrement instanciés avant l'exécution du noeud. De même que pour Apriori, les données peuvent être au format tabulaire ou transactionnel. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Puissance. Le noeud CARMA est basé sur l'algorithme de règles d'association CARMA. Contrairement aux noeuds Apriori, le noeud CARMA offre des paramètres de création pour la prise en charge de la règle (à la fois pour les antécédents et les conséquences), et non une prise en charge d'antécédents. CARMA autorise également les règles comportant plusieurs conséquences. A l'instar d'Apriori, les modèles générés par un noeud CARMA peuvent être insérés dans un flux de données afin de créer des prévisions. Pour plus d'informations, voir «Nuggets de modèle», à la page 35.

Noeud CARMA - Options des champs

Avant d'exécuter un noeud CARMA, vous devez renseigner les champs d'entrée dans l'onglet Champs du noeud CARMA. Alors que la plupart des noeuds modélisation partagent les mêmes options dans l'onglet Champs, le noeud CARMA contient plusieurs options exclusives. Toutes ces options sont décrites ci-dessous.

Utiliser les paramètres du noeud type. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ à partir d'un noeud type en amont. Il s'agit de la valeur par défaut.

Utiliser des paramètres personnalisés. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ spécifiées ici, au lieu de celles fournies par un ou des noeuds Type en amont. Une fois cette option sélectionnée, choisissez les champs ci-dessous en fonction du format (tabulaire ou transactionnel) de lecture des données.

Utiliser le format transactionnel. Cette option permet de modifier les commandes de champ situées ailleurs dans cette boîte de dialogue, en fonction du format des données (tabulaire ou transactionnel). Si vous utilisez plusieurs champs avec des données transactionnelles, le système suppose que les éléments spécifiés dans ces champs pour un enregistrement spécifique représentent les éléments trouvés dans une même transaction avec un seul horodatage. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Données tabulaires

Si **Utiliser le format transactionnel** n'est pas sélectionné, les champs suivants apparaissent.

- **Entrées**. Sélectionnez le ou les champs d'entrée. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Entrée* dans un noeud type
- **Partition.** Ce champ permet d'indiquer un champ utilisé pour partitionner les données en échantillons distincts pour les étapes d'apprentissage, de test et de validation de la création d'un modèle. L'utilisation d'un échantillon pour la génération du modèle et d'un échantillon distinct pour le tester vous permet d'avoir une bonne indication de la manière dont le modèle peut se généraliser à des jeux de données plus importants, similaires aux données actuelles. Si plusieurs champs de partition sont définis via des noeuds types ou Partitionner, vous devez en sélectionner un seul dans l'onglet Champs de chaque noeud de modélisation ayant recours au partitionnement. (Dans le cas d'une seule partition, cette partition est automatiquement utilisée lorsque la fonction de partition est activée.) Notez également que, pour appliquer la partition sélectionnée à l'analyse, vous devez activer l'option de

partitionnement dans l'onglet Options de modèle du noeud. (Désélectionnez cette option pour pouvoir désactiver la partition sans modifier les paramètres du champ.)

Données transactionnelles

Si vous sélectionnez **Utiliser le format transactionnel**, les champs suivants apparaissent.

- **ID.** Pour des données transactionnelles, sélectionnez un champ ID dans la liste. Vous pouvez utiliser un champ numérique ou symbolique en tant que champ ID. Chaque valeur unique de ce champ doit indiquer une unité d'analyse spécifique. Par exemple, dans une analyse de paniers du marché, chaque ID peut représenter un client. Dans une analyse de l'utilisation du Web, chaque ID peut représenter un ordinateur (adresse IP) ou un utilisateur (ID de connexion).
- **Les ID sont contigus.** (Pour les noeuds Apriori et CARMA seulement) Si vos données sont prétriées de façon à ce que tous les enregistrements avec le même ID soient regroupés dans le flux de données, sélectionnez cette option pour accélérer le traitement. Si vos données ne sont pas pré-triées (ou si vous n'en êtes pas certain), ne sélectionnez pas cette option ; le noeud triera automatiquement les données.

  Remarque : Si vos données ne sont pas triées et que vous sélectionnez cette option, vous risquez d'obtenir des résultats incorrects dans votre modèle.
- **Contenu.** Permet d'ajouter des informations aux champs d'analyse du modèle. Ces champs contiennent les éléments d'intérêt concernant la modélisation des associations. Vous pouvez définir plusieurs champs indicateurs (si les données sont au format tabulaire) ou un champ nominal unique (si les données sont au format transactionnel).

Noeud CARMA - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Support minimal de la règle (%). Vous pouvez spécifier un critère de prise en charge. L'option de **prise en charge de la règle** correspond à la proportion d'ID dans les données d'apprentissage qui contiennent la règle, (Cette définition de la prise en charge est différente de la prise en charge des antécédents, utilisée dans les noeuds Apriori.) Si vous souhaitez extraire des règles plus standard, augmentez la valeur de ce paramètre.

Confiance minimale de la règle (%) Vous pouvez spécifier un critère de confiance pour toutes les règles. La **confiance** correspond au pourcentage des ID pour lesquels une prévision correcte est effectuée, par rapport à l'ensemble des ID pour lesquels la règle effectue une prévision. Elle est calculée comme suit : nombre d'ID pour lesquels la règle entière est trouvée, divisé par le nombre d'ID pour lesquels les antécédents sont trouvés, sur la base des données d'apprentissage. Les règles dont le niveau de confiance est inférieur au niveau minimal de confiance spécifié sont ignorées. Augmentez la valeur de cette option si le nombre de règles est trop important ou si les règles obtenues sont sans intérêt. En revanche, réduisez la valeur si le nombre de règles n'est pas assez important.

Remarque : Si nécessaire, vous pouvez mettre en évidence la valeur et le type dans votre propre valeur. Sachez que si vous réduisez la valeur de confiance à un niveau inférieur à 1.0, outre la quantité élevée de mémoire disponible nécessaire à l'exécution du processus, la génération des règles pourrait prendre beaucoup de temps.

Taille de règle maximale. Vous pouvez définir le nombre maximal de `jeux d'éléments` (et non d'`éléments`) que doit contenir une règle. Si les règles qui vous intéressent sont relativement courtes, diminuez la valeur de ce paramètre afin d'accélérer la génération de l'ensemble de règles.

Remarque : Le noeud de génération de modèle CARMA ignore les enregistrements vides lors de la génération d'un modèle si le type de champ est un indicateur, tandis que le noeud de génération de modèle Apriori inclut les enregistrements vides. Les enregistrements vides sont ceux dans lesquels tous les champs utilisés dans la génération de modèle comportent une valeur false.

Noeud CARMA - Options expert

Les options expert suivantes, qui s'adressent aux utilisateurs ayant une bonne connaissance du fonctionnement du noeud CARMA, permettent d'affiner le processus de création de modèle. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Exclure les règles comportant plusieurs conséquences. Sélectionnez cette option pour exclure les conséquences "doubles", c'est-à-dire les conséquences qui contiennent deux éléments. Par exemple, la règle `bread & cheese & fish > wine & fruit` contient une conséquence double, `wine & fruit`. Par défaut, ces règles sont incluses.

Définir une valeur d'élagage. L'algorithme CARMA supprime (**élague**) périodiquement de sa liste de jeux d'éléments potentiels les jeux peu fréquents afin d'économiser de la mémoire. Sélectionnez cette option pour régler la fréquence d'élagage ; le nombre que vous indiquez ici détermine la fréquence d'élagage. Entrez une valeur faible pour diminuer les besoins en mémoire de l'algorithme (le temps d'apprentissage requis risque d'être augmenté). Entrez une valeur élevée pour accélérer l'apprentissage (les besoins en mémoire de l'algorithme risquent d'être augmentés). La valeur par défaut est 500.

Varier la prise en charge. Sélectionnez cette option pour accroître l'efficacité grâce à l'exclusion des jeux d'éléments peu fréquents, qui semblent fréquents lorsqu'ils sont inclus de manière irrégulière. Pour cette opération, choisissez d'abord un niveau de prise en charge plus élevé, puis diminuez-le progressivement jusqu'à atteindre le niveau indiqué dans l'onglet Modèle. Entrez la valeur du champ **Nombre de transactions estimé** afin d'indiquer la rapidité à laquelle le niveau de prise en charge doit être diminué.

Autoriser les règles ne comportant pas d'antécédents. Sélectionnez cette option pour autoriser les règles qui comprennent uniquement les conséquences (élément ou jeu d'éléments). Cela s'avère utile lorsque vous souhaitez déterminer des éléments ou des jeux d'éléments communs. Par exemple, `cannedveg` est une règle à élément unique sans antécédent qui indique que l'achat de *conserves légumes* est une occurrence commune aux données. Vous pouvez, dans certains cas, inclure des règles de ce type si vous ne souhaitez obtenir que les prévisions les plus sûres. Cette option est désactivée par défaut.

Nuggets du modèle de règle d'association

Les nuggets du modèle de règles d'association représentent les règles découvertes par l'un des noeuds modélisation de règles d'association suivants :

- Apriori
- CARMA

Les nuggets de modèles contiennent des informations sur les règles extraites des données lors de la génération de modèles.

Remarque : Le score du nugget de règle d'association peut être incorrect si vous ne triez pas les données transactionnelles par ID.

Visualisation des résultats

Vous pouvez parcourir les règles générées par les modèles d'association (Apriori et CARMA) et les modèles Séquence via l'onglet Modèle de la boîte de dialogue. Parcourir un nugget de modèle permet de prendre connaissance d'informations sur les règles, et fournit des options de filtrage et de tri des résultats avant de générer de nouveaux noeuds ou de déterminer le score du modèle.

Détermination du score du modèle

Vous pouvez ajouter des nuggets de modèles affinés (Apriori, CARMA et Séquence) à un flux et les utiliser pour déterminer des scores. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Utilisation de nuggets de modèle dans les flux», à la page 46. Les nuggets de modèles utilisés pour le scoring comportent un onglet supplémentaire, Paramètres, dans leur boîte de dialogue respective. Pour plus d'informations, voir « Paramètres des nuggets de modèles de règles d'association», à la page 272.

Un nugget de modèle non affiné ne peut pas être utilisé pour le scoring. En revanche, vous pouvez générer un ensemble de règles et l'utiliser pour déterminer des scores. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association», à la page 273.

Détails des nuggets de modèle de règle d'association

Dans l'onglet Modèle d'un nugget de modèle de règle d'association, vous pouvez voir un tableau contenant les règles extraites par l'algorithme. Chaque ligne du tableau représente une règle. La première colonne représente les conséquences (la partie "then" de la règle) tandis que la colonne suivante représente les antécédents (la partie "if" de la règle). Les colonnes suivantes contiennent des informations sur la règle, telle que la confiance, la prise en charge et Lift.

Les règles d'association apparaissent souvent au format du tableau suivant :

Tableau 15. Exemple de règle d'association

Conséquence	**Antécédent**
`Médicament = MédY`	`Sex = F` `TA = ELEVEE`

L'exemple de règle est interprété comme suit : *si Sexe = "F" et TA = "ELEVEE", alors Médicament sera probablement médicamentY*. En d'autres termes, *dans les enregistrements où Sexe = "F" et TA = "ELEVEE", Médicament est certainement médicamentY*. A l'aide de la barre d'outils de la boîte de dialogue, vous pouvez choisir d'afficher d'autres informations, telles que la confiance, la prise en charge et les instances.

Menu Trier. Le bouton de menu Trier de la barre d'outils contrôle le tri des règles. Pour modifier l'ordre de tri (ascendant ou descendant), utilisez le bouton d'ordre du tri (flèche vers le haut ou vers le bas).

Vous pouvez trier les règles par :

- Prise en charge
- Confiance
- Prise en charge de la règle
- Conséquence
- Evaluation
- Lift
- Déployabilité

Menu Afficher/Masquer. Le menu Afficher/Masquer (bouton de la barre d'outils indiquant les critères) contrôle les options d'affichage des règles.

Figure 46. Bouton Afficher/Masquer

Les options d'affichage suivantes sont disponibles :

- **ID de règle** affiche l'ID de règle attribué lors de la création du modèle. Un ID de règle permet d'identifier les règles actuellement appliquées à une prévision donnée. Les ID de règle permettent également de fusionner des informations de règle supplémentaires ultérieurement, telles que la capacité de déploiement, les informations sur le produit ou les antécédents.
- L'option **Instances** affiche des informations sur le nombre d'ID uniques auxquels s'applique la règle, c'est-à-dire les enregistrements dont les antécédents sont vrais (true). Par exemple, pour la règle `bread -> cheese`, le nombre d'enregistrements incluant l'antécédent *pain* dans les données d'apprentissage est appelé **instances**.
- L'option **Prise en charge** affiche la prise en charge des antécédents, c'est-à-dire la proportion des ID pour laquelle les antécédents sont true (vrais), sur la base des données d'apprentissage. Par exemple,

si 50 % des données d'apprentissage comprennent l'achat de pain, la règle `bread > cheese` offre une prise en charge de l'antécédent de 50 %. *Remarque* : La prise en charge définie ici est identique aux instances, mais indiquée sous forme de pourcentage.

- **Confiance** affiche le rapport de la prise en charge de la règle sur la prise en charge de l'antécédent. Ce rapport indique la proportion d'ID comportant les antécédents indiqués pour lesquels les conséquences sont également vraies (true). Par exemple, si 50 % des données d'apprentissage contiennent du pain (indiquant la prise en charge de l'antécédent), mais que seulement 20 % contiennent du pain et du fromage (indiquant la prise en charge de la règle), la confiance de la règle `bread > cheese` est `Rule Support / Antecedent Support` ou, dans ce cas, 40 %.
- L'option **Prise en charge de la règle** affiche la proportion d'ID pour lesquels l'intégralité de la règle, les antécédents et les conséquences sont vrais (true). Par exemple, si 20 % des données d'apprentissage comprennent pain et fromage, la prise en charge de la règle `bread > cheese` est de 20 %.
- L'option **Evaluation** est incluse si vous sélectionnez l'un des critères de règle d'association experts (Différence de confiance, Rapport de confiance, Différence d'informations ou Khi-carré normalisé). Ces critères experts sont comparés à la **Limite inférieure de la mesure d'évaluation** définie par l'utilisateur (et s'appliquent uniquement lorsqu'une règle de critère expert est sélectionnée). La statistique Evaluation revêt les significations suivantes pour chaque critère de règle d'association expert :
  - Différence de confiance : confiance postérieure - confiance antérieure
  - Rapport de confiance : (confiance postérieure - confiance antérieure)/confiance postérieure
  - Différence d'informations : mesure de gain d'information
  - Khi-carré normalisé : statistiques du khi-carré normalisé

  Chacune de ces statistiques est comparée à la **Limite inférieure de la mesure d'évaluation** définie par l'utilisateur, et une règle est sélectionnée si la statistique en question dépasse cette limite.
- **Lift** affiche le rapport de confiance de la règle sur la probabilité a priori d'obtenir la conséquence. Par exemple, si 10 % de la population totale achètent du pain, une règle prévoyant l'achat de pain par la population avec une confiance de 20 % comporte un lift de 20/10 = 2. Si une autre règle indique que la population achète du pain avec une confiance de 11 %, le lift de cette règle est de près de 1, ce qui signifie que la présence d'antécédents n'affecte pas réellement la probabilité que la conséquence soit obtenue. En général, les règles dont le lift n'est pas 1 sont plus intéressantes que celles dont le lift est proche de 1.
- **Capacité de déploiement** est la mesure du pourcentage des données d'apprentissage remplissant les conditions de l'antécédent, mais pas de la conséquence. En ce qui concerne l'achat du produit, il s'agit du pourcentage de la base de clientèle totale possédant (ou ayant acheté) les antécédents, mais pas encore la conséquence. La statistique de capacité de déploiement est définie comme suit : `((Prise en charge de l'antécédent dans le nombre d'enregistrements - Prise en charge de la règle dans le nombre d'enregistrements) / Nombre d'enregistrements) * 100`, *Prise en charge de l'antécédent* correspondant au nombre d'enregistrements dont les antécédents sont vrais (true) et *Prise en charge de la règle* correspondant au nombre d'enregistrements dont antécédents et conséquence sont vrais (true).

Bouton Filtrer. Le bouton Filtrer (icône d'entonnoir) du menu développe la partie inférieure de la boîte de dialogue, comportant un panneau où figurent les filtres de règle actifs. Les filtres servent à réduire le nombre de règles affichées dans l'onglet Modèles.

Figure 47. Bouton Filtrer

Pour créer un filtre, cliquez sur l'icône de filtre située à droite du panneau développé. La boîte de dialogue qui apparaît alors permet d'indiquer les contraintes d'affichage des règles. Notez que le bouton Filtrer est fréquemment utilisé avec le menu Générer pour filtrer les règles, puis créer un modèle comportant ce sous-ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Définition de filtres pour les règles», à la page 271 ci-dessous.

Bouton Rechercher la règle. Le bouton Rechercher la règle (icône des jumelles) permet de rechercher l'ID de règle indiqué dans les règles affichées. La boîte d'affichage adjacente indique le nombre de règles actuellement affichées sur le nombre disponible. Les ID de règle sont attribués par le modèle dans l'ordre dans lequel ils sont découverts et sont ajoutés aux données lors de la détermination des scores.

Figure 48. Bouton Rechercher la règle

Pour réorganiser les ID de règle :

1. Dans IBM SPSS Modeler, vous pouvez organiser les ID de règle en triant d'abord le tableau d'affichage des règles selon la mesure voulue, telle que la confiance ou Lift.
2. Puis, à l'aide des options du menu Générer, créez un modèle filtré.
3. Dans la boîte de dialogue Modèle filtré, sélectionnez **Renuméroter les règles de manière consécutive en commençant par** et indiquez un numéro de début.

Pour plus d'informations, voir «Génération d'un modèle filtré», à la page 274.

Définition de filtres pour les règles

Par défaut, les algorithmes de règle, tels qu'Apriori, CARMA et Séquence peuvent générer un grand nombre de règles, généralement encombrant. Pour plus de clarté lors de vos recherches ou pour simplifier la détermination des scores des règles, pensez à filtrer les règles pour que les conséquences et les antécédents intéressants soient affichés de manière plus visible. Les options de filtrage de l'onglet Modèle d'un navigateur de règles permettent d'ouvrir une boîte de dialogue dans laquelle vous indiquez les qualifications de filtre.

Conséquences. Sélectionnez **Activer le filtre** pour activer les options de filtrage des règles en fonction de l'inclusion ou de l'exclusion des conséquences indiquées. Sélectionnez **Inclure l'un(e) des** pour créer un filtre dans lequel les règles contiennent au moins l'une des conséquences indiquées. Vous pouvez également sélectionner **Exclut** pour créer un filtre excluant les conséquences indiquées. Vous pouvez sélectionner les conséquences à l'aide de l'icône de sélection située à droite de la zone de liste. Une boîte de dialogue répertoriant toutes les conséquences présentes dans les règles générées apparaît.

Remarque : Les conséquences peuvent contenir plusieurs éléments. Les filtres vérifient uniquement qu'une conséquence contient l'un des éléments indiqués.

Antécédents. Sélectionnez **Activer le filtre** pour activer les options de filtrage des règles en fonction de l'inclusion ou de l'exclusion des antécédents indiqués. Vous pouvez sélectionner les éléments à l'aide de l'icône de sélection située à droite de la zone de liste. Une boîte de dialogue répertoriant tous les antécédents présents dans les règles générées apparaît.

- Sélectionnez **Inclure tou(te)s les** pour définir le filtre comme étant inclusif, dans lequel tous les antécédents indiqués doivent être inclus dans une règle.
- Sélectionnez **Inclure l'un(e) des** pour créer un filtre dans lequel les règles contiennent au moins l'un des antécédents indiqués.
- Sélectionnez **Exclut** pour créer un filtre excluant les règles contenant un antécédent précis.

Confiance. Sélectionnez **Activer le filtre** pour activer les options de filtrage des règles en fonction du niveau de confiance d'une règle. Vous pouvez utiliser les commandes **Min** et **Max** pour indiquer un intervalle de confiance. Lorsque vous parcourez les modèles générés, la confiance est présentée sous forme de pourcentage. Lorsque vous déterminez le score de sorties, la confiance est exprimée sous la forme d'un chiffre compris entre 0 et 1.

Prise en charge des antécédents. Sélectionnez **Activer le filtre** pour activer les options de filtrage des règles en fonction du niveau de prise en charge des antécédents d'une règle. La prise en charge des antécédents indique la proportion des données d'apprentissage contenant les mêmes antécédents que la règle en cours, ce qui la rend identique à un indice de popularité. Vous pouvez utiliser les commandes **Min** et **Max** pour indiquer un intervalle utilisé pour filtrer les règles selon le niveau de prise en charge.

Lift. Sélectionnez **Activer le filtre** pour activer les options de filtrage des règles en fonction de la mesure du lift (augmentation) d'une règle. *Remarque* : Le filtrage du Lift est uniquement disponible pour les modèles d'association créés après la version 8.5 ou pour les modèles antérieurs contenant une mesure de lift. Les modèles Séquence ne comportent pas cette option.

Cliquez sur **OK** pour appliquer tous les filtres activés dans cette boîte de dialogue.

Génération de graphiques pour les règles

Les noeuds d'association offrent de nombreuses informations, mais ils ne sont pas toujours dans un format très pratique pour les utilisateurs. Pour fournir les données d'une manière facilement incorporable aux rapports d'activité, aux présentations, etc., vous pouvez réaliser des graphiques à partir des données sélectionnées. Dans l'onglet Modèle, vous pouvez générer un graphique pour la règle sélectionnée et créer ainsi un graphique pour les observations de cette règle uniquement.

1. Dans l'onglet Modèle, sélectionnez la règle qui vous intéresse.
2. Dans le menu Générer, sélectionnez **Graphique (à partir de la sélection)**. L'onglet Base de Représentation graphique apparaît.

   Remarque : Seuls les onglets de Base et Détaillé seront disponibles lorsque vous affichez le graphique de cette manière.
3. A l'aide des paramètres de l'onglet de Base ou Détaillé, spécifiez les détails à afficher sur le graphique.
4. Cliquez sur OK pour générer le graphique.

L'en-tête de graphique identifie la règle et les détails de l'antécédent à inclure.

Paramètres des nuggets de modèles de règles d'association

Cet onglet Paramètres est utilisé pour indiquer les options de détermination des scores des modèles d'association (Apriori et CARMA). Il est disponible uniquement lorsque le nugget de modèle a été ajouté à un flux à des fins de scoring.

Remarque : La boîte de dialogue permettant d'accéder à un modèle non affiné ne comprend pas l'onglet Paramètres, puisque les scores de ce modèle ne peuvent pas être déterminés. Pour déterminer les scores du modèle "brut", vous devez d'abord générer un ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association», à la page 273.

Nombre maximal de prévisions Indiquez le nombre maximal de prévisions incluses pour chaque ensemble d'éléments de panier. Cette option est utilisée avec l'option Critères de règle ci-après pour produire les prévisions "supérieures" où *supérieures* indique le plus haut niveau de confiance, de prise en charge, de lift, etc., indiqué ci-après.

Critère de règle Sélectionnez la mesure utilisée pour déterminer la puissance des règles. Les règles sont triées selon la force des critères sélectionnés ici afin de renvoyer les prévisions de niveau supérieur d'un jeu d'éléments. Les critères disponibles sont présentés dans la liste ci-après.

- Confiance
- Prise en charge
- Prise en charge de la règle (Prise en charge * Confiance)
- Lift
- Déployabilité

Autoriser la répétition des prévisions Sélectionnez cette option pour inclure plusieurs règles ayant la même conséquence lors de la détermination des scores. Par exemple, lorsque cette option est sélectionnée, les règles suivantes peuvent être évaluées :

```
bread & cheese -> wine
cheese & fruit -> wine
```

Désactivez cette option pour exclure la répétition des prévisions lors de la détermination des scores.

Remarque : Les règles avec plusieurs conséquents (`bread & cheese & fruit -> wine & pate`) ne sont considérées comme des répétitions de prévisions que si tous les conséquents (`wine & pate`) ont déjà été prévus.

Ignorer les éléments de panier qui ne correspondent pas Sélectionnez cette option pour ignorer la présence d'éléments supplémentaires dans le jeu d'éléments. Par exemple, lorsque cette option est sélectionnée pour un panier contenant `[tent & sleeping bag & kettle]`, la règle `tent & sleeping bag -> gas_stove` s'applique malgré la présence d'un élément supplémentaire (`kettle`) dans le panier.

Dans certaines circonstances, les éléments supplémentaires doivent être exclus. Par exemple, une personne achetant une tente, un sac de couchage et une bouilloire possède probablement déjà un réchaud à gaz, comme l'indique la présence de la bouilloire. En d'autres termes, un réchaud à gaz n'est probablement pas une bonne prévision. Dans ce cas, désélectionnez l'option **Ignorer les éléments de panier qui ne correspondent pas** pour vous assurer que les antécédents de règle correspondent exactement au contenu d'un panier. Par défaut, les éléments ne correspondant pas sont ignorés.

Vérifier que les prédictions ne se trouvent pas dans le panier. Sélectionnez cette option pour vous assurer que les conséquences ne se trouvent pas également dans le panier. Par exemple, si la détermination du score a pour objet la recommandation d'un meuble, une personne dont le panier contient déjà une table de salle à manger n'en achètera probablement pas d'autre. Dans ce cas, sélectionnez cette option. Cependant, si les produits concernés sont périssables ou jetables (comme le fromage, le lait pour nourrisson ou les mouchoirs), les règles dans lesquelles la conséquence figure déjà dans le panier peuvent être valables. Dans ce dernier cas, l'option la plus adaptée est l'option **Ne pas rechercher les prédictions dans le panier** suivante.

Vérifier que les prévisions se trouvent dans le panier Sélectionnez cette option pour vous assurer que les conséquences se trouvent également dans la panier. Cette approche est utile lorsque vous essayez de vous faire une idée des transactions ou des clients existants. Par exemple, vous souhaitez peut-être identifier les règles ayant le plus grand lift, puis explorer les clients qui respectent ces règles.

Ne pas rechercher les prévisions dans le panier Sélectionnez cette option pour inclure toutes les règles lors de la détermination des scores, indépendamment de la présence ou de l'absence de conséquences dans le panier.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Récapitulatif du nugget du modèle de règle d'association

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle Règle d'association affiche le nombre de règles trouvées, ainsi que les valeurs minimale et maximale de prise en charge, de Lift, de confiance et de capacité de déploiement des règles.

Génération d'un ensemble de règles à partir d'un nugget de modèle d'association

Vous pouvez utiliser les nuggets de modèles d'association, tels que CARMA et Apriori, pour déterminer directement le score des données ou vous pouvez d'abord générer un sous-ensemble de règles appelé

ensemble de règles. Les ensembles de règles sont particulièrement utiles lorsque vous utilisez un modèle brut, qui ne peut pas être utilisé directement pour le scoring. Pour plus d'informations, voir «Modèles bruts», à la page 49.

Pour générer un ensemble de règles, sélectionnez **Jeu de règles** dans le menu Générer du navigateur de nuggets de modèles. Vous pouvez utiliser les options suivantes pour convertir des règles en un ensemble de règles :

Nom de l'ensemble de règles. Permet d'attribuer un nom au nouveau noeud Jeu de règles généré.

Créer le noeud sur. Détermine l'emplacement du nouveau noeud Jeu de règles généré. Sélectionnez **Canevas**, **Palette GM** ou **Les deux**.

Champ cible. Détermine quel champ de sortie sera utilisé pour le noeud Jeu de règles généré. Sélectionnez un champ de sortie dans la liste.

Support minimal. Indique la prise en charge minimale que doivent avoir les règles pour apparaître dans l'ensemble de règles généré. Les règles dont la prise en charge est inférieure à la valeur spécifiée ne seront pas incluses dans le nouvel ensemble de règles.

Confiance minimale. Indique la confiance minimale que doivent avoir les règles pour apparaître dans l'ensemble de règles généré. Les règles avec une confiance inférieure à la valeur spécifiée ne seront pas incluses dans le nouvel ensemble de règles.

Valeur par défaut. Permet de spécifier une valeur par défaut pour le champ cible attribué aux enregistrements évalués auxquels aucune règle ne s'applique.

Génération d'un modèle filtré

Pour générer un modèle filtré à partir d'un modèle d'association, tel qu'un noeud Apriori, CARMA ou Jeu de règles de séquence, sélectionnez **Modèle filtré** dans le menu Générer du navigateur de nuggets de modèles. Le modèle de sous-ensemble qui est créé comporte uniquement les règles actuellement affichées dans le navigateur. *Remarque* : Vous ne pouvez pas générer de modèles filtrés pour les modèles non affinés.

Vous pouvez indiquer les options suivantes pour filtrer les règles :

Nom du nouveau modèle. Permet d'attribuer un nom au nouveau noeud Modèle filtré.

Créer le noeud sur. Détermine l'emplacement du nouveau noeud Modèle filtré. Sélectionnez **Canevas**, **Palette GM** ou **Les deux**.

Numérotation des règles. Indiquez comment les ID de règle seront numérotés dans le sous-ensemble des règles incluses dans le modèle filtré.

- **Conserver les numéros d'ID de règle d'origine.** Sélectionnez cette option pour conserver la numérotation d'origine des règles. Par défaut, les règles se voient attribuer un ID correspondant à leur ordre de découverte par l'algorithme. Cet ordre peut varier en fonction de l'algorithme employé.
- **Renuméroter les règles de manière consécutive en commençant par.** Sélectionnez cette option pour attribuer de nouveaux ID de règle aux règles filtrées. Les nouveaux ID sont attribués selon l'ordre de tri affiché dans le tableau du navigateur de règles de l'onglet Modèle et commencent par le chiffre indiqué ici. Vous pouvez indiquer le premier chiffre des ID à l'aide des flèches situées à droite.

Scoring des règles d'association

Les scores produits lors de l'exécution de nouvelles données via un nugget de modèle de règle d'association sont renvoyés dans des champs distincts. Trois nouveaux champs sont ajoutés pour chaque prévision, dans lesquels *P* représente la prévision, *C* la confiance et *I* l'ID de règle. L'organisation de ces champs de sortie dépend du format des données d'entrée (transactionnel ou tabulaire). Reportez-vous à «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262 pour obtenir une présentation de ces formats.

Par exemple, supposons que vous déterminiez les scores des données du panier à l'aide d'un modèle qui génère des prévisions sur la base des trois règles suivantes :

```
Rule_15  bread&wine -> meat (confidence 54%)
Rule_22  cheese -> fruit (confidence 43%)
Rule_5  bread&cheese -> frozveg (confidence 24%)
```

Données tabulaires. Pour les données tabulaires, les trois prévisions (3 est la valeur pas défaut) sont renvoyées dans un enregistrement unique.

Tableau 16. Scores au format tabulaire

ID	Pain	Vin	Fromage	P1	C1	I1	P2	C2	I2	P3	C3	I3
Fred	1	1	1	viande	0,54	15	fruit	0,43	22	légumes surgelés	0,24	5

Données transactionnelles. En ce qui concerne les données transactionnelles, un enregistrement distinct est généré pour chaque prévision. Les prévisions sont toujours ajoutées dans des colonnes distinctes, mais les scores sont renvoyés au fur et à mesure de leur calcul. Vous obtenez ainsi des enregistrements comportant des prévisions incomplètes, comme l'illustre l'exemple de sortie ci-dessous. La deuxième et la troisième prévisions (P2 et P3) sont vides dans le premier enregistrement, ainsi que dans les confiances et les ID de règle associés. Lorsque les scores sont renvoyés, l'enregistrement final comporte alors les trois prévisions.

Tableau 17. Scores au format transactionnel

ID	Elément	P1	C1	I1	P2	C2	I2	P3	C3	I3
Fred	pain	viande	0,54	14	$null$	$null$	$null$	$null$	$null$	$null$
Fred	fromage	viande	0,54	14	fruit	0,43	22	$null$	$null$	$null$
Fred	vin	viande	0,54	14	fruit	0,43	22	légumes surgelés	0,24	5

Pour inclure uniquement les prévisions complètes à des fins de création de rapport ou de déploiement, utilisez un noeud Sélectionner pour sélectionner les enregistrements complets.

Remarque : Pour plus de clarté, les noms de champ utilisés dans ces exemples sont abrégés. Lors de l'utilisation réelle, les champs de résultats des modèles d'association portent les noms indiqués dans le tableau suivant.

Tableau 18. Noms des champs de résultats des modèles d'association

Nouveau champ	Exemple de nom de champ
Prévision	*$A-TRANSACTION_NUMBER-1*
Confiance (ou autre critère)	*$AC-TRANSACTION_NUMBER-1*
ID de règle	*$A-Rule_ID-1*

Règles à plusieurs conséquences

L'algorithme CARMA autorise les règles à plusieurs conséquences, par exemple :

```
bread -> wine&cheese
```

Lorsque vous déterminez des scores de règles "doubles" de ce type, les prévisions sont renvoyées au format affiché dans le tableau suivant.

Tableau 19. Résultats des scores comprenant une prévision à plusieurs conséquences

ID	Pain	Vin	Fromage	P1	C1	I1	P2	C2	I2	P3	C3	I3
Fred	1	1	1	viande&lég	0,54	16	fruit	0,43	22	légumes surgelés	0,24	5

Dans certains cas, vous pourrez avoir besoin de partager ces scores avant le déploiement. Pour diviser une prévision à plusieurs conséquences, vous devez analyser le champ via les fonctions de chaîne CLEM.

Déploiement des modèles d'association

Lors du scoring des modèles d'association, les prévisions et les confiances apparaissent dans des colonnes distinctes (où *P* représente la prévision, *C* la confiance et *I* l'ID de règle). Ce type d'affichage s'applique quel que soit le format des données d'entrée (tabulaire ou transactionnel). Pour plus d'informations, voir «Scoring des règles d'association», à la page 274.

Lorsque vous préparez des scores en vue d'une opération de déploiement, il se peut que votre application requiert la transposition des données de sortie en un format présentant les prévisions sous forme de lignes plutôt que sous forme de colonnes (une prévision par ligne ; ce format est également appelé format "till-roll" (déroulant)).

Transposition des scores tabulaires

Vous pouvez transposer des scores tabulaires de colonnes en lignes en réalisant une série d'étapes dans IBM SPSS Modeler, comme indiqué dans l'énoncé qui suit.

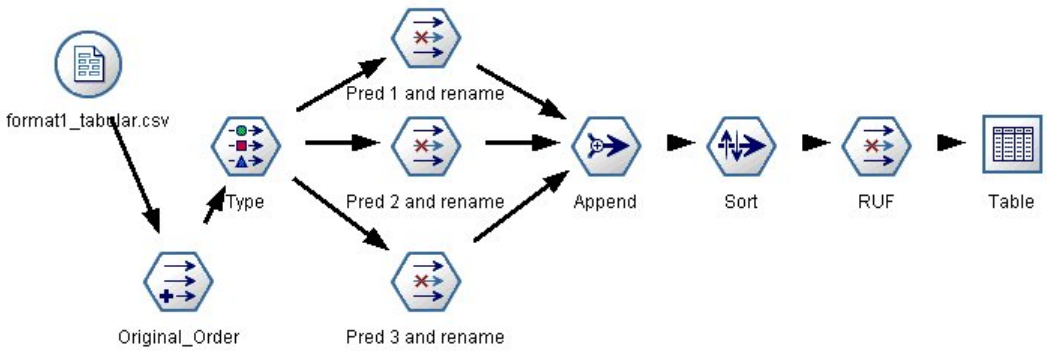


Figure 49. Exemple de flux utilisé pour transposer les données tabulaires au format till-roll

1. Utilisez la fonction `@INDEX` d'un noeud Calculer pour vérifier l'ordre actuel des prévisions et enregistrer cet indicateur dans un nouveau champ, tel que *Ordre d'origine*.
2. Ajoutez un noeud type pour vous assurer que tous les champs ont été instanciés.
3. Utilisez un noeud Filtrer pour renommer les champs de prévision, de confiance et d'ID par défaut (*P1, C1, I1*) en champs communs, tels que *Prévisions*, *Critères* et *ID de règle*, qui seront utilisés ultérieurement pour ajouter des enregistrements. Vous aurez besoin d'un noeud Filtrer pour chaque prévision générée.

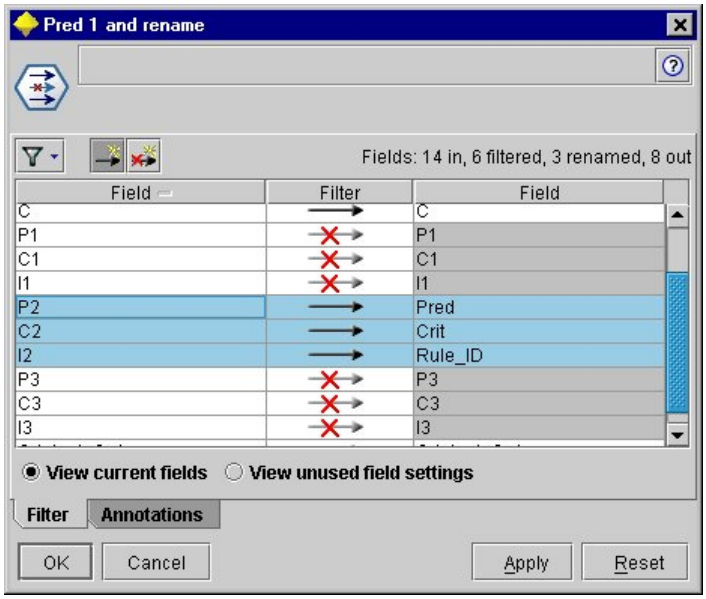


Figure 50. Filtrage des champs des prévisions 1 et 3 lors de l'attribution de nouveaux noms aux champs de la prévision 2.

4. Utilisez un noeud Ajouter pour ajouter des valeurs aux valeurs de *prévision*, de *confiance* et d'*ID de règle* partagées.
5. Reliez un noeud Trier pour trier les enregistrements dans l'ordre croissant pour le champ *Ordre d'origine* et décroissant pour *Critères*, qui est le champ utilisé pour trier les prévisions selon des critères tels que la confiance, Lift et la prise en charge.
6. Utilisez un autre noeud Filtrer pour filtrer le champ *Ordre d'origine* à partir de la sortie.

A ce stade, les données sont prêtes à être déployées.

Transposition de scores transactionnels

Le procédé est identique à celui de transposition des scores transactionnels. Par exemple, le flux ci-dessous transpose les scores dans un format présentant une prévision unique sur chaque ligne, comme le requiert le déploiement.

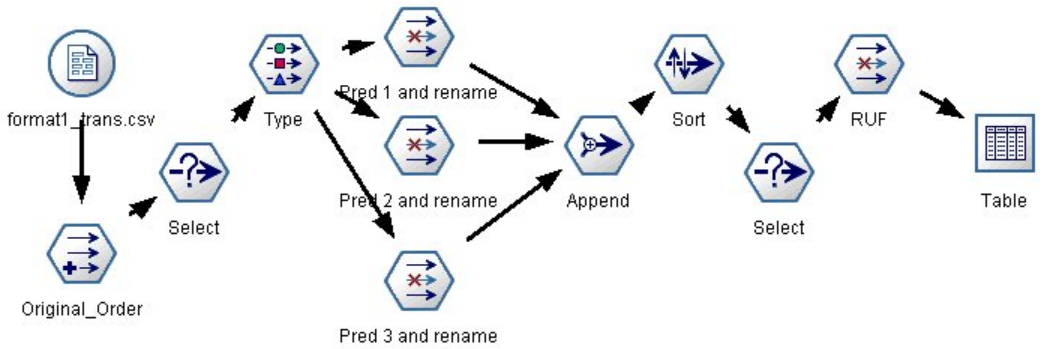


Figure 51. Exemple de flux utilisé pour transposer les données transactionnelles au format till-roll

Si vous ajoutez deux noeuds Sélectionner, le procédé est identique à celui décrit précédemment pour les données tabulaires.

- Le premier noeud Sélectionner est utilisé pour comparer les ID de règle entre les enregistrements adjacents et inclure uniquement des enregistrements uniques ou non définis. Ce noeud Sélectionner utilise l'expression CLEM pour sélectionner les enregistrements : `ID /= @OFFSET(ID,-1) or @OFFSET(ID,-1) = undef`.

- Le deuxième noeud Sélectionner est utilisé pour supprimer les règles superflues ou celles pour lesquelles `Rule_ID` a une valeur nulle. Ce noeud Sélectionner utilise l'expression CLEM suivante pour supprimer les enregistrements : `not(@NULL(Rule_ID))`.

Pour plus d'informations sur la transposition des scores en vue du déploiement, contactez l'assistance technique.

noeud Séquence

Le noeud Séquence recherche des motifs dans des données séquentielles ou des données liées au temps, au format `bread -> cheese`. Les composants d'une séquence sont des **jeux d'éléments** constituant une transaction unique. Supposons, par exemple, qu'une personne aille au supermarché et achète du pain et du lait, puis retourne quelques jours plus tard au supermarché pour acheter du fromage. Les achats de cette personne peuvent alors être représentés par deux jeux d'éléments. Le premier jeu contient le pain et le lait, le second jeu contient le fromage. Une **séquence** est une liste de jeux d'éléments ayant tendance à survenir dans un ordre prévisible. Le noeud Séquence détecte les séquences les plus fréquentes et crée un noeud de modèle généré pouvant être utilisé pour établir des prévisions.

Conditions requises. Pour créer un ensemble de règles Séquence, vous devez renseigner un champ ID obligatoire, un champ de temps facultatif et au moins un champ d'analyse. Remarque : ces paramètres doivent être définis dans l'onglet Champs du noeud de modélisation ; ils ne peuvent pas être lus à partir d'un noeud type en amont. Le champ ID peut être de n'importe quel rôle ou niveau de mesure. Si vous indiquez un champ Temps, il peut avoir n'importe quel rôle mais son stockage doit afficher un nombre, une date, une heure ou un horodatage. Si vous ne définissez pas de champ Temps, le noeud Séquence utilise un horodatage implicite et se sert des numéros de ligne comme valeurs temporelles. Les champs d'analyse peuvent être de n'importe quel niveau de mesure ou rôle, mais tous les champs d'analyse doivent être du même type. S'ils sont numériques, ils doivent contenir des intervalles d'entiers (et non des intervalles de réels).

Puissance. Le noeud Séquence est basé sur l'algorithme de règles d'association CARMA, qui utilise une méthode efficace de double lecture pour rechercher des séquences. En outre, le noeud de modèle généré créé par un noeud Séquence peut être inséré dans un flux de données pour créer des prévisions. Le noeud de modèle généré peut également créer des super noeuds pour détecter et compter des séquences spécifiques, et effectuer des prévisions basées sur des séquences spécifiques.

Noeud Séquence - Options de champs

Avant d'exécuter un noeud Séquence, vous devez renseigner le champ ID et le champ d'analyse dans l'onglet Champs du noeud Séquence. Si vous souhaitez utiliser le champ Temps, sélectionnez l'option correspondante dans cet onglet.

Champ ID. Sélectionnez un champ ID dans la liste. Vous pouvez utiliser un champ numérique ou symbolique en tant que champ ID. Chaque valeur unique de ce champ doit indiquer une unité d'analyse spécifique. Par exemple, dans une analyse de paniers du marché, chaque ID peut représenter un client. Dans une analyse de l'utilisation du Web, chaque ID peut représenter un ordinateur (adresse IP) ou un utilisateur (ID de connexion).

- **Les ID sont contigus.** Si vos données sont prétriées de façon à ce que tous les enregistrements avec le même ID sont regroupés dans le flux de données, sélectionnez cette option pour accélérer le traitement. Si vos données ne sont pas pré-triées (ou si vous n'en êtes pas certain), ne sélectionnez pas cette option ; le noeud Séquence triera automatiquement les données.

Remarque : Si vos données ne sont pas triées et que vous sélectionnez cette option, vous risquez d'obtenir des résultats incorrects dans votre modèle Séquence.

Champ Heure. Pour utiliser un champ dans les données afin d'indiquer l'heure des événements, sélectionnez **Utiliser le champ temporel** et choisissez le champ à utiliser. Le champ Heure doit afficher un nombre, une date, une heure ou un horodatage. Si aucun champ de temps n'est spécifié, le système suppose que les enregistrements proviennent de la source de données selon un ordre séquentiel et les numéros des enregistrements sont alors utilisés comme valeurs temporelles (le premier enregistrement arrive au moment `"1"`, le deuxième au moment `"2"`, etc.).

Champs d'analyse. Permet d'ajouter des informations aux champs d'analyse du modèle. Ces champs contiennent les événements d'intérêt concernant la modélisation des séquences.

Le noeud Séquence peut gérer des données au format tabulaire ou transactionnel. Si vous utilisez plusieurs champs avec des données transactionnelles, le système suppose que les éléments spécifiés dans ces champs pour un enregistrement spécifique représentent les éléments trouvés dans une même transaction avec un seul horodatage. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Partition. Ce champ permet d'indiquer un champ utilisé pour partitionner les données en échantillons distincts pour les étapes d'apprentissage, de test et de validation de la création d'un modèle. L'utilisation d'un échantillon pour la génération du modèle et d'un échantillon distinct pour le tester vous permet d'avoir une bonne indication de la manière dont le modèle peut se généraliser à des jeux de données plus importants, similaires aux données actuelles. Si plusieurs champs de partition sont définis via des noeuds types ou Partitionner, vous devez en sélectionner un seul dans l'onglet Champs de chaque noeud de modélisation ayant recours au partitionnement. (Dans le cas d'une seule partition, cette partition est automatiquement utilisée lorsque la fonction de partition est activée.) Notez également que, pour appliquer la partition sélectionnée à l'analyse, vous devez activer l'option de partitionnement dans l'onglet Options de modèle du noeud. (Désélectionnez cette option pour pouvoir désactiver la partition sans modifier les paramètres du champ.)

Noeud Séquence - Options modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Support minimal de la règle (%) Vous pouvez spécifier un critère de support. L'option de *prise en charge de la règle* correspond à la proportion d'ID des données d'apprentissage qui contiennent la séquence. Si vous souhaitez extraire des séquences plus standard, augmentez la valeur de ce paramètre.

Confiance de règle minimale (%) Vous pouvez spécifier un critère de confiance pour la conservation de séquences dans l'ensemble de séquences. La *confiance* correspond au pourcentage des ID pour lesquels une prévision correcte est effectuée, par rapport à l'ensemble des ID pour lesquels la règle effectue une prévision. Elle est calculée de la manière suivante : nombre d'ID pour lesquels la séquence entière est trouvée, divisé par le nombre d'ID pour lesquels les antécédents sont trouvés, sur la base des données d'apprentissage. Les séquences dont le niveau de confiance est inférieur au niveau spécifié sont ignorées. Si vous obtenez des séquences inintéressantes ou des séquences trop nombreuses, augmentez la valeur de ce paramètre. En revanche, réduisez la valeur si le nombre de séquences n'est pas assez important.

Remarque : Si nécessaire, vous pouvez mettre en évidence la valeur et le type dans votre propre valeur. Sachez que si vous réduisez la valeur de confiance à un niveau inférieur à 1.0, outre la quantité élevée de mémoire disponible nécessaire à l'exécution du processus, la génération des règles pourrait prendre beaucoup de temps.

Taille maximale de la séquence Vous pouvez définir le nombre maximal d'éléments distincts dans une séquence. Si les séquences qui vous intéressent sont relativement courtes, diminuez la valeur de ce paramètre afin d'accélérer la génération de l'ensemble de séquences.

Prévisions à ajouter aux flux Spécifiez le nombre de prévisions à ajouter au flux par le noeud Modèle généré. Pour plus d'informations, voir «Nuggets de modèles de séquences», à la page 281.

Noeud Séquence - Options expert

Les options expert suivantes, qui s'adressent aux utilisateurs ayant une bonne connaissance du fonctionnement du noeud Séquence, permettent d'affiner le processus de création de modèle. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Définir la durée maximale. Lorsque cette option est sélectionnée, les séquences extraites sont celles dont la durée (intervalle de temps entre le premier et dernier jeu d'éléments) est inférieure ou égale à la

valeur indiquée. Si aucun champ Temps n'a été spécifié, la durée est alors exprimée en utilisant les numéros de ligne (enregistrements) des données brutes. Si le champ temporel utilisé est un champ d'heure, de date ou d'horodatage, la durée est exprimée en secondes. Pour les champs numériques, la durée est exprimée dans la même unité que le champ.

Définir une valeur d'élagage. L'algorithme CARMA utilisé dans le noeud Séquence supprime (**élague**) périodiquement de sa liste de jeux d'éléments potentiels les jeux peu fréquents afin d'économiser de la mémoire. Sélectionnez cette option pour régler la fréquence de l'élagage. Le nombre spécifié détermine la fréquence de l'élagage. Entrez une valeur faible pour diminuer les besoins en mémoire de l'algorithme (le temps d'apprentissage requis risque d'être augmenté). Entrez une valeur élevée pour accélérer l'apprentissage (les besoins en mémoire de l'algorithme risquent d'être augmentés).

Définir le nombre maximal de séquences en mémoire. Si cette option est sélectionnée lors de la construction de modèle, l'algorithme CARMA limite son stockage en mémoire des séquences potentielles au nombre de séquences défini. Sélectionnez cette option si IBM SPSS Modeler utilise trop de mémoire pendant la construction de modèles de séquences. Le nombre maximal de séquences indiqué ici correspond au nombre de séquences potentielles enregistrées en interne lors de la construction du modèle. Ce nombre doit être supérieur au nombre de séquences que vous souhaitez voir apparaître dans le modèle final.

Limiter les intervalles entre les jeux d'éléments. Cette option vous permet de spécifier des contraintes pour les intervalles de temps qui séparent les jeux d'éléments. Lorsque cette option est sélectionnée, les jeux d'éléments dont les intervalles de temps sont inférieurs à la valeur du paramètre **Intervalle minimal entre les éléments** ou supérieurs à la valeur du paramètre **Intervalle maximal entre les éléments** sont ignorés. Utilisez cette option pour éviter d'extraire des séquences dont les intervalles de temps sont trop importants ou, au contraire, des séquences qui surviennent dans un intervalle de temps très court.

Remarque : Si le champ temporel utilisé est un champ d'heure, de date ou d'horodatage, l'intervalle est exprimé en secondes. Pour les champs numériques, l'intervalle de temps est exprimé dans la même unité que le champ Temps.

Prenons la liste de transactions suivante comme exemple .

Tableau 20. Exemple de liste de transactions

ID	Heure	Contenu
1001	1	pommes
1001	2	pain
1001	5	fromage
1001	6	vinaigrette

Si vous créez un modèle à partir de ces données en définissant le paramètre Intervalle minimal entre les éléments sur 2, vous obtiendrez les séquences suivantes :

```
pommes -> fromage

pommes -> vinaigrette

pain -> fromage

pain -> vinaigrette
```

Vous n'obtiendrez pas de séquences du type `pommes -> pain` dans la mesure où l'intervalle entre les éléments `pommes` et `pain` est inférieur à l'intervalle minimal spécifié. De même, avec des autres données :

Tableau 21. Exemple de liste de transactions		
ID	**Heure**	**Contenu**
1001	1	pommes
1001	2	pain
1001	5	fromage
1001	20	vinaigrette

Si le paramètre Intervalle minimal entre les éléments est défini sur 10, vous n'obtiendrez aucune séquence comportant l'élément `vinaigrette`, dans la mesure où l'intervalle entre `fromage` et `vinaigrette` est trop important pour que l'on puisse considérer que ces deux éléments appartiennent à la même séquence.

Nuggets de modèles de séquences

Les nuggets de modèles de séquence représentent les séquences trouvées pour un champ de sortie particulier détecté par le noeud Séquence ; ils peuvent être ajoutés à des flux pour générer des prévisions.

Lorsque vous exécutez un flux contenant un noeud de séquence, ce dernier crée pour chaque prévision générée par le modèle de séquence deux nouveaux champs, l'un contenant la prévision et l'autre la valeur de confiance associée. Par défaut, trois paires de champs contenant les trois premières prévisions (et les valeurs de confiance associées) sont ajoutées. Vous pouvez modifier le nombre de prévisions générées en définissant les options de modèle du noeud Séquence lors de la création du modèle ; vous pouvez également le faire après l'ajout du nugget de modèle à un flux dans l'onglet Paramètres. Pour plus d'informations, voir «Paramètres du nugget de modèle de séquence», à la page 284.

Les noms des nouveaux champs sont constitués à partir du nom du modèle. Les noms des champs sont *$S-sequence-n* pour le champ de prévision (*n* indiquant la *n*ième prévision) et *$SC-sequence-n* pour le champ de confiance. Dans un flux comportant plusieurs noeuds Règles de séquence connectés en série, un nombre séquentiel sera ajouté au préfixe du nom des nouveaux champs afin de pouvoir les distinguer. Le premier noeud Ensemble de séquences du flux utilise les noms d'origine, le deuxième noeud les noms commençant par *$S1-* et *$SC1-*, le troisième noeud les noms commençant par *$S2-* et *$SC2-*, et ainsi de suite. Les prévisions sont affichées en fonction de leur degré de confiance, par ordre décroissant. Ainsi le champ *$S-sequence-1* contient la prévision dotée du degré de confiance le plus élevé, le champ *$S-sequence-2* contient la prévision dotée du second degré de confiance le plus élevé et ainsi de suite. Pour les enregistrements où le nombre de prévisions disponibles est inférieur au nombre de prévisions demandées, les prévisions restantes contiennent la valeur $`null`$. Par exemple, si seulement deux prévisions peuvent être établies pour un enregistrement donné, la valeur de *$S-sequence-3* et *$SC-sequence-3* sera $`null`$.

Pour chaque enregistrement, les règles du modèle sont comparées à l'ensemble de transactions traité jusque-là pour l'ID en cours, y compris l'enregistrement actuel et tous les enregistrements précédents dotés du même ID et dont l'horodatage est antérieur. Les *k* règles présentant les valeurs de confiance les plus élevées et s'appliquant à cet ensemble de transactions sont utilisées pour générer les *k* prévisions de l'enregistrement (*k* étant le nombre de prévisions défini dans l'onglet Paramètres une fois le modèle ajouté au flux). (Si plusieurs règles prévoient le même résultat pour l'ensemble de transactions, c'est celle dont le degré de confiance est le plus élevé qui est utilisée.) Pour plus d'informations, voir «Paramètres du nugget de modèle de séquence», à la page 284.

Tout comme avec d'autres types de modèle de règle d'association, le format des données doit correspondre au format utilisé lors de la création du modèle de séquence. Par exemple, vous ne pouvez utiliser les modèles créés à l'aide de données tabulaires que pour déterminer les scores des données tabulaires. Pour plus d'informations, voir «Scoring des règles d'association», à la page 274.

Remarque : Lorsque vous évaluez des données en utilisant dans un flux un noeud Ensemble de séquences généré, tout paramètre de tolérance et d'intervalle que vous avez défini lors de la création du modèle est ignoré.

Prévisions des règles de séquence

Le noeud gère les enregistrements en fonction de l'heure (ou de l'ordre si aucun champ d'horodatage n'a été défini lors de la création du modèle). Les enregistrements doivent être triés par les champs d'ID et d'horodatage (s'ils existent). Toutefois, les prévisions ne sont pas liées à l'horodatage de l'enregistrement auquel elles sont ajoutées. Elles font simplement référence aux éléments les plus susceptibles de se produire *à un certain moment dans le futur* étant donné l'historique des transactions, de l'ID actuel jusqu'à l'enregistrement actuel.

Notez que les prévisions pour chaque enregistrement ne dépendent pas nécessairement des transactions de l'enregistrement en question. Si les transactions de l'enregistrement en cours ne déclenchent pas de règle spécifique, les règles sont sélectionnées en fonction des transactions antérieures relatives à l'ID actuel. Autrement dit, si l'enregistrement en cours n'ajoute aucune information prévisionnelle utile à la séquence, la prévision de la dernière transaction utile de cet ID est reportée sur cet enregistrement.

Par exemple, supposons que vous disposez d'un modèle de séquence avec pour seule règle

```
Jam -> Bread (0.66)
```

et que vous lui transmettez les enregistrements suivants.

Tableau 22. Exemples d'enregistrements

ID	Achat	Prévision
001	confiture	pain
001	lait	pain

Comme vous vous y attendiez, le premier enregistrement génère la prévision *pain*. Le second enregistrement contient également la prévision *pain*, car aucune règle ne propose *confiture* suivi de *lait*. Par conséquent, la transaction *lait* n'apportant aucune information utile, la règle `Jam -> Bread` reste en vigueur.

Génération de noeuds

Le menu Générer vous permet de créer des super noeuds sur la base du modèle de séquence.

- **Super noeud Règle.** Crée un super noeud pouvant détecter et comptabiliser les occurrences de séquences dans des données évaluées. Lorsqu'aucune règle n'est sélectionnée, cette option est désactivée. Pour plus d'informations, voir «Génération d'un super noeud Règle à partir d'un nugget de modèle de séquence», à la page 284.
- **Modèle vers palette.** Renvoie le modèle à la palette de modèles. Ceci est utile dans des situations où un collègue peut vous avoir envoyé un flux contenant le modèle mais pas le modèle même.

Détails du nugget de modèle de séquence

L'onglet Modèle d'un nugget de modèle de séquence affiche les règles extraites par l'algorithme. Chaque ligne du tableau représente une règle, l'antécédent (partie "if" de la règle) se trouvant dans la première colonne et la conséquence (partie "then" de la règle) dans la seconde.

Les règles sont affichées dans le format suivant.

Tableau 23. Format des règles

Antécédent	Conséquence
bière et conserves légumes	bière
poisson poisson	poisson

La première règle exemple est interprétée de la façon suivante : *pour les ID comportant "bière" et "conserves légumes" dans la même transaction, il est probable qu'il existe une autre occurrence de "bière".* La deuxième règle exemple est interprétée de la façon suivante : *pour les ID comportant "poisson" dans une transaction et "poisson" dans une autre, il est probable qu'il existe une autre occurrence de "poisson".* Dans la première règle, les achats *bière* et *conserves légumes* sont simultanés ; dans la seconde règle, l'achat *poisson* fait l'objet de deux transactions distinctes.

Menu Trier. Le bouton de menu Trier de la barre d'outils contrôle le tri des règles. Pour modifier l'ordre de tri (ascendant ou descendant), utilisez le bouton d'ordre du tri (flèche vers le haut ou vers le bas).

Vous pouvez trier les règles par :

- % de support
- % de confiance
- % de prise en charge de la règle
- Conséquence
- Premier antécédent
- Dernier antécédent
- Nombre d'éléments (antécédents)

Par exemple, le tableau suivant est trié dans l'ordre décroissant en fonction du nombre d'articles : Les règles qui présentent plusieurs articles dans le jeu antécédent précèdent celles qui en présentent moins.

Tableau 24. Règles triées par nombre d'éléments

Antécédent	**Conséquence**
`bière et conserves légumes et surgelés`	`surgelés`
`bière et conserves légumes`	`bière`
`poisson` `poisson`	`poisson`
`soda`	`soda`

Afficher/masquer les critères. Le bouton du menu Afficher/Masquer les critères (icône de la grille) contrôle les options d'affichage des règles. Les options d'affichage suivantes sont disponibles :

- L'option **Instances** affiche des informations sur le nombre d'ID uniques pour lesquels la *séquence complète* (à la fois les antécédents et les conséquences) apparaît. (Une différence est à noter avec les modèles d'association : pour ces derniers, le nombre d'instances se rapporte au nombre d'ID pour lesquels *seuls* les antécédents s'appliquent.) Par exemple, pour la règle `pain > fromage`, le nombre d'ID incluant les antécédents *pain* et *fromage* dans les données d'apprentissage est appelé **instances**.
- L'option **Prise en charge** affiche la proportion d'ID, dans les données d'apprentissage, pour lesquels les antécédents sont vrais (true). Par exemple, si 50 % des données d'apprentissage incluent l'antécédent *pain*, la prise en charge de la règle `pain -> fromage` est alors de 50 %. (Contrairement aux modèles d'association, la prise en charge n'est *pas* basée sur le nombre d'instances, comme mentionné précédemment.)
- L'option **Confiance** affiche le pourcentage des ID pour lesquels une prévision correcte est effectuée, par rapport à l'ensemble des ID pour lesquels la règle réalise une prévision. Elle est calculée de la manière suivante : nombre d'ID pour lesquels la séquence entière est trouvée, divisé par le nombre d'ID pour lesquels les antécédents sont trouvés, sur la base des données d'apprentissage. Par exemple, si 50 % des données d'apprentissage contiennent `conserves légumes` (ce qui indique la prise en charge de l'antécédent) mais que seulement 20 % contiennent à la fois `conserves légumes` et `surgelés`, la confiance de la règle `conserves légumes > surgelés` est alors égale à `Prise en charge de la règle/Prise en charge des antécédents` soit, dans ce cas, 40 %.

- L'option **Prise en charge de la règle** des modèles Séquence repose sur les instances et affiche la proportion des enregistrements d'apprentissage pour lesquels l'intégralité de la règle, les antécédents et les conséquences sont vrais (true). Par exemple, si 20 % des données d'apprentissage comprennent *pain* et *fromage*, la prise en charge de la règle `pain > fromage` est de 20 %.

Remarquez que les proportions sont basées sur des transactions valides (celles pour lesquelles au moins un article ou une valeur vraie a été observé) plutôt que sur toutes les transactions. Les transactions incorrectes (celles ne comportant aucun article ou aucune valeur vraie) sont ignorées dans ces calculs.

Bouton Filtrer. Le bouton Filtrer (icône d'entonnoir) du menu développe la partie inférieure de la boîte de dialogue, comportant un panneau où figurent les filtres de règle actifs. Les filtres servent à réduire le nombre de règles affichées dans l'onglet Modèles.

Figure 52. Bouton Filtrer

Pour créer un filtre, cliquez sur l'icône de filtre située à droite du panneau développé. La boîte de dialogue qui apparaît alors permet d'indiquer les contraintes d'affichage des règles. Notez que le bouton Filtrer est fréquemment utilisé avec le menu Générer pour filtrer les règles, puis créer un modèle comportant ce sous-ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Définition de filtres pour les règles», à la page 271 ci-dessous.

Paramètres du nugget de modèle de séquence

L'onglet Paramètres d'un nugget de modèle de séquence affiche les options de scoring du modèle. Il est disponible uniquement lorsque le modèle a été ajouté au canevas de flux à des fins de scoring.

Nombre maximal de prévisions. Indiquez le nombre maximal de prévisions incluses pour chaque ensemble d'éléments de panier. Les règles présentant les valeurs de confiance les plus élevées et s'appliquant à cet ensemble de transactions sont utilisées pour générer les prévisions de l'enregistrement jusqu'à la limite indiquée.

Récapitulatif du nugget de modèle de séquence

L'onglet Récapitulatif d'un nugget de modèle Règle de séquence affiche le nombre de règles trouvées, ainsi que les valeurs minimale et maximale de prise en charge et de confiance des règles. Si vous avez exécuté un noeud Analyse relié à ce noeud de modélisation, les informations issues de l'analyse figureront également dans cette section.

Pour plus d'informations, voir «Exploration des nuggets de modèle», à la page 40.

Génération d'un super noeud Règle à partir d'un nugget de modèle de séquence

Pour générer un super noeud Règle sur la base d'une règle de séquence :

1. Dans l'onglet Modèle du nugget de modèle de la règle de séquence, cliquez sur une ligne du tableau pour sélectionner la règle souhaitée.
2. Dans les menus du navigateur de règles, choisissez :

   Générer > **Super noeud Règle**

Important : Pour utiliser le super noeud généré, vous devez trier les données en fonction du champ ID (et du champ Temps le cas échéant) avant de les transmettre au super noeud. Le super noeud ne détecte pas correctement les séquences si les données ne sont pas triées.

Vous pouvez définir les options suivantes pour la génération d'un super noeud Règle :

Détecter. Spécifie la façon dont les correspondances sont définies pour les données transmises au super noeud.

- **Antécédents uniquement.** Le super noeud identifie une correspondance chaque fois qu'il trouve des antécédents pour la règle sélectionnée dans le bon ordre dans un ensemble d'enregistrements ayant le même ID, qu'une conséquence soit trouvée ou non. Cette opération ne prend pas en compte les paramètres de tolérance d'horodatage ou de contrainte d'intervalle entre les éléments du noeud de modélisation Séquence d'origine. Lorsque le dernier jeu d'éléments antécédent est détecté dans le flux (tous les autres antécédents ont été trouvés dans l'ordre qui convient), tous les enregistrements suivants comportant l'ID en cours contiennent le récapitulatif sélectionné ci-dessous.
- **Séquence entière.** Le super noeud identifie une correspondance chaque fois qu'il trouve des antécédents pour la règle sélectionnée dans le bon ordre et le conséquent pour la règle sélectionnée dans le bon ordre dans un ensemble d'enregistrements ayant le même ID. Cette opération ne prend pas en compte les paramètres de tolérance d'horodatage ou de contrainte d'intervalle entre les éléments du noeud de modélisation Séquence d'origine. Lorsque la conséquence est détectée dans le flux (et que tous les antécédents ont également été trouvés dans l'ordre qui convient), l'enregistrement en cours, ainsi que tous les enregistrements suivants ayant l'ID actuel contiendront le récapitulatif sélectionné ci-dessous.

Afficher. Contrôle la façon dont les récapitulatifs de correspondance sont ajoutés aux données dans la sortie du super noeud Règle.

- **Valeur conséquente pour la première occurrence.** La valeur ajoutée aux données correspond à la valeur conséquente prévue en fonction de la première occurrence de la correspondance. Les valeurs sont ajoutées en tant que nouveau champ appelé *rule_n_consequent*, *n* correspondant au numéro de la règle (basé sur l'ordre de création des super noeuds Règle dans le flux).
- **Valeur vraie pour la première occurrence.** La valeur ajoutée aux données est vraie s'il existe au moins une correspondance pour l'ID et fausse s'il n'en existe pas. Les valeurs sont ajoutées en tant que nouveau champ appelé *rule_n_flag*
- **Décompte des occurrences.** La valeur ajoutée aux données correspond au nombre de concordances de l'ID. Les valeurs sont ajoutées sous forme d'un nouveau champ intitulé *rule_n_count*.
- **Numéro de règle.** La valeur ajoutée est le numéro de la règle sélectionnée. Les **numéros de règle** sont affectés en fonction de l'ordre dans lequel le super noeud a été ajouté au flux. Par exemple, le premier super noeud Règle est considéré comme étant *règle 1*, le deuxième super noeud Règle *règle 2*, etc. Cette option est particulièrement utile lorsque vous devez inclure plusieurs super noeuds Règle dans votre flux. Les valeurs sont ajoutées en tant que nouveau champ appelé *rule_n_number*
- **Inclure le taux de confiance.** Lorsqu'elle est sélectionnée, cette option permet d'ajouter le degré de confiance de la règle au flux de données, ainsi que le récapitulatif sélectionné. Les valeurs sont ajoutées en tant que nouveau champ appelé *rule_n_confidence*.

noeud Règles d'association

Les règles d'association sont des déclarations sous la forme suivante.

Par exemple, "Si un client achète un rasoir et une lotion après rasage, ce client achètera une crème à raser avec un intervalle de confiance de 80 %." Le noeud Règles d'association extrait un ensemble de règles à partir des données, en retenant les règles avec le volume d'informations le plus élevé. Le noeud Règles d'association est fortement similaire au noeud Apriori, avec quelques différences notables :

- Les règles d'association ne peuvent pas traiter de données transactionnelles.
- Le noeud Règles d'association peut traiter des données dont le type de stockage correspond à Liste et le niveau de mesure à Collection.
- Le noeud Règles d'association peut être utilisé avec IBM SPSS Analytic Server. Ceci permet une évolutivité et signifie que vous pouvez traiter des données volumineuses et exploiter un traitement parallèle, lequel est plus rapide.
- Le noeud Règles d'association propose des paramètres supplémentaires, comme la possibilité de restreindre le nombre de règles à générer, de sorte à pouvoir accélérer le traitement.
- La sortie du nugget de modèle est affichée dans le Visualiseur de sortie.

Remarque : Le noeud Règles d'association ne prend pas en charge les étapes Evaluation de modèle ou Champion challenger dans IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.

Remarque : Le noeud Règles d'association ignore les enregistrements vides lors de la génération d'un modèle si le type de champ est un indicateur. Les enregistrements vides sont ceux dans lesquels tous les champs utilisés dans la génération de modèle comportent une valeur false.

Un flux illustrant un exemple fonctionnel d'utilisation de règles d'association, nommé `geospatial_association.str`, et qui référence les fichiers de données `InsuranceData.sav`, `CountyData.sav` et `ChicagoAreaCounties.shp`, est disponible sous le répertoire `Demos` de votre installation IBM SPSS Modeler. Ce répertoire `Demos` est accessible à partir du groupe de programmes IBM SPSS Modeler dans le menu Démarrer de Windows. Le fichier `geospatial_association.str` est situé sous le répertoire `streams`.

Règles d'association - Options de champs

Dans l'onglet **Champs**, vous devez indiquer si vous désirez utiliser les paramètres de rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont (par exemple, un noeud Type antérieur) ou les affecter manuellement.

Utiliser des rôles prédéfinis
Cette option utilise les paramètres de rôle (tels que cibles ou prédicteurs) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont). Les champs avec un rôle d'entrée sont considérés être des Conditions, ceux avec un rôle de cible sont considérés être des Prévisions et ceux utilisés à la fois comme entrées et comme cibles sont considérés avoir les deux rôles.

Utiliser des affectations de champs personnalisées
Sélectionnez cette option si vous désirez affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles depuis cet écran.

Champs
Si vous avez sélectionné **Utiliser des affectations de champs personnalisées**, utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux cadres à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ.

Les deux (Condition ou Prévision)
Les champs ajoutés à cette liste peuvent recevoir le rôle condition ou le rôle prévision dans les règles générées par le modèle. Ceci opère règle par règle et donc un champ peut constituer une condition dans une règle et une prévision dans une autre.

Prévision uniquement
Les champs ajoutés à cette liste ne peuvent figurer qu'en tant que prévision (également dénommée "conséquent") d'une règle. La présence d'un champ dans cette liste ne signifie pas qu'il est utilisé dans une règle quelconque, mais simplement que s'il est utilisé, il ne peut constituer qu'une prévision.

Condition uniquement
Les champs ajoutés à cette liste ne peuvent figurer qu'en tant que condition (également dénommée "antécédent) d'une règle. La présence d'un champ dans cette liste ne signifie pas qu'il est utilisé dans une règle quelconque, mais simplement que s'il est utilisé, il ne peut constituer qu'une condition.

Règles d'association - Construction de règle

Eléments par règle

Utilisez ces options pour spécifier combien d'éléments, ou de valeurs, peuvent être utilisés dans chaque règle.

Remarque : Le total combiné de ces deux champs ne doit pas dépasser 10.

Nombre maximal de conditions
Sélectionnez le nombre maximal de conditions pouvant être incluses dans une même règle.

Nombre maximal de prévisions
Sélectionnez le nombre maximal de prévisions pouvant être incluses dans une même règle.

Construction de règle

Utilisez ces options pour spécifier le nombre et le type de règles à construire.

Nombre maximal de règles
Spécifiez le nombre maximal de règles pouvant être prises en compte dans la construction de règles pour votre modèle.

Critère de règle pour les N premiers
Sélectionnez le critère à utiliser pour identifier les N règles primordiales, où N est la valeur saisie dans la zone **Nombre maximal de règles**. Vous pouvez choisir l'un des critères suivants :

- **Confidence**
- **Support de règle**
- **Support de condition**
- **Lift**
- **Deployability**

Uniquement valeurs vraies pour les indicateurs
Si vos données suivant un format tabulaire, sélectionnez cette option pour sélectionner uniquement les valeurs 'true' des champs d'indicateur dans les règles résultantes. La sélection de valeurs 'true' peut faciliter l'intelligibilité des règles. Cette option ne s'applique pas aux données au format transactionnel. Pour plus d'informations, voir «Données tabulaires et données transactionnelles», à la page 262.

Critère de règle

Si vous sélectionnez **Activer le critère de règle**, vous pouvez utiliser ces options pour spécifier la force minimale des règles pour que leur utilisation dans le modèle soit envisagée.

- **Confiance** Spécifiez le pourcentage minimal du niveau de confiance pour une règle générée par le modèle. Si le modèle génère une règle avec un niveau inférieur à cette valeur, la règle est ignorée.
- **Support de la règle** Spécifiez le pourcentage minimal de support de la règle pour une règle générée par le modèle. Si le modèle génère une règle avec un niveau inférieur à cette valeur, la règle est ignorée.
- **Support de condition** Spécifiez le pourcentage minimal de support de la condition pour une règle générée par le modèle. Si le modèle génère une règle avec un niveau inférieur à la valeur spécifiée, la règle est ignorée.
- **Lift** Spécifiez la valeur Lift minimale autorisée pour une règle générée par le modèle. Si le modèle génère une règle avec un niveau inférieur à la valeur spécifiée, la règle est ignorée.

Exclure les règles

Dans certains cas, l'association entre deux champs, ou plus, est connue ou évidente de sorte que vous pouvez exclure les règles où les champs se prédisent mutuellement. En excluant les règles contenant les deux valeurs, vous pouvez réduire les entrées non pertinentes et augmenter vos chances d'identifier des résultats utiles.

Champs
Sélectionnez les champs associés que vous ne désirez pas utiliser dans la construction de règles. Les champs associés pourraient être, par exemple, Fabricant automobile et Modèle de voiture, ou bien Classe et Age de l'élève. Lorsque le modèle crée des règles, si la règle contient au moins l'un des champs sélectionnés sur l'un des côtés de la règle (condition ou prévision), la règle est ignorée.

Règles d'association - Transformations

Regroupement par casiers

Utilisez ces options pour spécifier comment regrouper en casiers les champs continus (plage numérique).

Nombre de casiers
Tous les champs continus configurés pour regroupement automatique en casiers sont divisés entre les casiers identiquement espacés que vous spécifiez. Vous pouvez spécifier un nombre quelconque compris entre 2 et 10.

Champs Liste

Longueur de liste maximale
Si la longueur d'un champ de liste est inconnue, entrez la longueur maximale de la liste afin de réduire le nombre d'éléments à inclure dans le modèle. Vous pouvez spécifier un nombre quelconque compris entre 1 et 100. Si une liste est plus longue que le nombre saisi, le modèle utilisera néanmoins le champ mais en n'incluant des valeurs qu'à concurrence de ce nombre ; les valeurs excédentaires dans le champ seront ignorées.

Règles d'association - Sortie

Utilisez les options de ce panneau pour spécifier quelle sortie est générée lorsque le modèle est construit.

Tables de règles

Utilisez ces options pour créer un ou plusieurs types de table affichant le nombre optimal de règles (basé sur un nombre que vous sélectionnez) pour chaque critère que vous spécifiez.

Confiance
Ratio de prise en charge de la règle par rapport à la prise en charge de la condition. Pourcentage avec les valeurs résultantes prévues dans les éléments avec les valeurs de condition indiquées. Crée sur la base de ce niveau de confiance une table contenant les N meilleures règles d'association à inclure dans la sortie (où N est la valeur de **Règles à afficher**).

Prise en charge de la règle
Proportion d'éléments pour lesquels l'intégralité de la règle, des conditions et des prévisions sont respectées. Pour toutes les observations dans l'ensemble de données, pourcentage effectivement rencontré et prévu par la règle. Cette mesure dénote l'importance globale de la règle. Crée une table basée sur la prise en charge de la règle et contenant les N meilleures règles d'association à inclure dans la sortie (où N est la valeur de **Règles à afficher**).

Lift
Rapport du niveau de fiabilité de la règle et de la probabilité antérieure de rencontrer la prévision. Valeur du paramètre Confiance d'une règle par rapport au pourcentage que les valeurs déduites se produisent dans la population globale. Ce rapport identifie dans quelle mesure la règle apporte une amélioration par rapport au hasard. Crée une table basée sur le lift et contenant les N meilleures règles d'association à inclure dans la sortie (où N est la valeur de **Règles à afficher**).

Support de condition
Proportion d'éléments pour lesquels les conditions sont remplies. Crée une table basée sur la prise en charge des antécédents et contenant les N meilleures règles d'association à inclure dans la sortie (où N est la valeur de **Règles à afficher**).

Déployabilité
Mesure du pourcentage des données d'apprentissage qui respectent la condition mais non pas la prévision. Cette mesure indique à quelle fréquence la règle échoue dans ses prévisions. Constitue en fait l'opposé de Confiance. Crée une table basée sur la déployabilité et contenant les N meilleures règles d'association à inclure dans la sortie (où N est la valeur de **Règles à afficher**).

Règles à afficher
Stipule le nombre maximal de règles à afficher dans les tables.

Tableaux d'informations sur le modèle

Utilisez une ou plusieurs de ces options pour sélectionner les tableaux de modèle à inclure dans la sortie.

- **Transformations de zones**

- **Récapitulatif des enregistrements**
- **Statistiques de règle**
- **Valeurs les plus fréquentes**
- **Zones les plus fréquentes**

Nuage de mots de règles triable

Utilisez ces options pour créer un nuage de mots affichant les sorties de règles. La taille des mots affichés croît en fonction de leur importance.

Créer un nuage de mots triable.
Cochez cette case pour créer un nuage de mots triable dans votre sortie.

Tri par défaut
Sélectionnez le type de tri à utiliser lors de la création initiale du nuage de mots. Le nuage de mots est interactif et vous pouvez modifier ses critères dans le Visualiseur de modèle afin d'afficher des règles et des tris différents. Vous pouvez choisir l'une des options de tri suivantes :

- Confiance.
- Prise en charge de la règle
- Lift
- Support de condition.
- Déployabilité

Nombre maximal de règles à afficher
Définit le nombre de règles à afficher dans le nuage de mots ; vous pouvez en choisir jusqu'à 20.

Règles d'association - Options de modèle

Utilisez les paramètres de cet onglet pour spécifier les options de scoring pour les modèles Règles d'association.

Nom du modèle Vous pouvez générer un nom de modèle basé automatiquement sur le champ cible (ou le type de modèle si un tel champ n'est pas spécifié), ou encore spécifier un nom personnalisé.

>Nombre maximal de prévisions Spécifiez le nombre maximal de prévisions incluses dans le score résultant. Cette option est utilisée avec les entrées **Critère de règle** pour générer les prévisions “majeures”, où "majeures" indique le plus haut niveau de confiance, de support, de lift, etc.

Critère de règle Sélectionnez la mesure à utiliser pour déterminer le poids des règles. Les règles sont triées d'après le poids des critères sélectionnés ici en vue de renvoyer les prévisions dominantes pour un jeu d'éléments. Vous pouvez choisir entre 5 critères différents.

- **Confiance** La confiance est le ratio de prise en charge de la règle par rapport à la prise en charge de la condition. Pourcentage avec les valeurs résultantes prévues dans les éléments avec les valeurs de condition indiquées.
- **Support de condition** Proportion d'éléments pour lesquels les conditions sont remplies.
- **Support de la règle** Proportion d'éléments pour lesquels l'intégralité de la règle, des conditions et des prévisions sont respectées. Calculé en multipliant la valeur **Support de condition** par la valeur **Confiance**.
- **Lift** Ratio de la confiance de la règle et de la probabilité antérieure de concrétisation de la prévision.
- **Capacité de déploiement** Pourcentage des données d'apprentissage qui répondent à la condition mais non pas à la prévision.

Autoriser la répétition des prévisions Cochez cette case pour inclure lors du scoring plusieurs règles débouchant sur la même prévision. Cette sélection permet, par exemple, le scoring des règles suivantes.

```
bread & cheese -> wine
cheese & fruit -> wine
```

Remarque : Les règles avec plusieurs prévisions (`bread & cheese & fruit -> wine & pate`) ne sont considérées comme des répétitions de prévisions que si toutes les prévisions (`wine & pate`) ont été émises auparavant.

Attribuer un score aux règles uniquement quand des prévisions ne sont pas présentes dans l'entrée Sélectionnez cette option pour garantir que les prévisions ne soient pas aussi présentes dans l'entrée. Par exemple, si l'objet du scoring est d'émettre une recommandation pour un meuble de maison, il est improbable qu'une entrée contenant déjà une table de salle à manger cherche à en acheter une autre. Dans ce cas, sélectionnez cette option. Cependant, si les produits concernés sont périssables ou jetables (comme le fromage, le lait pour nourrisson ou les mouchoirs), des règles où le conséquent est déjà présent dans l'entrée peuvent être utiles. Dans ce dernier cas, l'option la plus utile pourrait être **Attribuer un score à toutes les règles**.

Attribuer un score aux règles uniquement quand des prévisions sont présentes dans l'entrée Sélectionnez cette option pour garantir que les prévisions soient toujours présentes dans l'entrée. Cette approche est utile lorsque vous essayez de vous faire une idée des transactions ou des clients existants. Vous pourriez, par exemple, vouloir identifier les règles avec le plus grand impact et identifier alors les clients qui s'y conforment.

Attribuer un score à toutes les règles Sélectionnez cette option pour inclure toutes les règles dans le scoring, que des prévisions y soient présentes ou absentes.

Nuggets du modèle de règles d'association

Le nugget de modèle contient des informations sur les règles extraites depuis vos données lors de la construction du modèle.

Visualisation des résultats

Vous pouvez consulter les règles générées par les modèles Règles d'association via l'onglet Modèle de la boîte de dialogue. L'examen d'un nugget de modèle vous présente les informations sur les règles avant de générer de nouveaux noeuds ou d'attribuer un score au modèle.

Détermination du score du modèle

Vous pouvez ajouter des nuggets de modèle affinés à un flux et les utiliser pour le scoring. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Utilisation de nuggets de modèle dans les flux», à la page 46. Les nuggets de modèles utilisés pour le scoring comportent un onglet supplémentaire, Paramètres, dans leur boîte de dialogue respective. Pour plus d'informations, voir «Paramètres des nuggets de modèle de règles d'association», à la page 291.

Détails du nugget de modèle de règles d'association

Le nugget de modèle Règles d'association affiche les détails du modèle dans l'onglet Modèle du Visualiseur de sortie. Pour plus d'informations sur l'utilisation de ce Visualiseur, reportez-vous à la section "Utilisation du résultat" dans le manuel Guide de l'utilisateur de Modeler (ModelerUsersGuide.pdf).

L'opération de modélisation GSAR crée un certain nombre de nouveaux champs avec le préfixe $A, comme illustré dans le tableau suivant.

Tableau 25. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation de Règles d'association

Nom de champ	Description

Tableau 25. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation de Règles d'association (suite)	
$A-<prévision>#	Ce champ contient la prévision issue du modèle pour les enregistrements évalués. <prévision> est le nom du champ inclus dans le rôle Prévisions dans le modèle et # une séquence de nombres pour les règles de sortie (par exemple, si le score doit inclure trois règles, la séquence de nombres ira de 1 à 3).
$AC-<prévision>#	Ce champ contient le niveau de confiance pour la prévision. <prévision> est le nom du champ inclus dans le rôle Prévisions dans le modèle et # une séquence de nombres pour les règles de sortie (par exemple, si le score doit inclure trois règles, la séquence de nombres ira de 1 à 3).
$A-ID_règle	Cette colonne contient l'ID de la règle prédite pour chaque enregistrement dans l'ensemble de données évalué. # est une séquence de nombres pour les règles de sortie (par exemple, si le score est défini pour inclure 3 règles, la séquence de nombres ira de 1 à 3).

Paramètres des nuggets de modèle de règles d'association

L'onglet Paramètres d'un nugget de modèle Règles d'association présente des options de scoring pour le modèle. Cet onglet n'est disponible qu'après que le modèle ait été ajouté au canevas du flux pour scoring.

Nombre maximal de prévisions Spécifiez le nombre maximal de prévisions à inclure pour chaque ensemble d'éléments. Les règles présentant les valeurs de confiance les plus élevées et s'appliquant à cet ensemble de transactions sont utilisées pour générer les prévisions de l'enregistrement jusqu'à la limite indiquée. Utilisez cette option de pair avec l'option **Critère de règle** afin de générer les prévisions “majeures”, où *majeures* indique le plus haut niveau de confiance, de support, de lift, etc.

Critère de règle Sélectionnez la mesure à utiliser pour déterminer le poids des règles. Les règles sont triées d'après le poids des critères sélectionnés ici en vue de renvoyer les prévisions dominantes pour un jeu d'éléments. Vous pouvez choisir l'un des critères suivants :

- **Confidence**
- **Support de la règle**
- **Lift**
- **Support de condition**
- **Capacité de déploiement**

Autoriser la répétition des prévisions Cochez cette case pour inclure plusieurs règles avec le même conséquent lors du scoring. Par exemple, lorsque cette option est sélectionnée, la règle peut être incluse dans le scoring :

```
bread & cheese -> wine
cheese & fruit -> wine
```

Décochez cette case pour exclure la répétition des prévisions dans le scoring.

Remarque : Les règles avec plusieurs conséquents (`bread & cheese & fruit -> wine & pate`) ne sont considérées comme des répétitions de prévisions que si tous les conséquents (`wine & pate`) ont déjà été prévus.

Attribuer un score aux règles uniquement quand des prévisions ne sont pas présentes dans l'entrée Sélectionnez cette option pour garantir que les conséquents ne soient pas aussi présents dans l'entrée.

Par exemple, si l'objet du scoring est d'émettre une recommandation pour un meuble de maison, il est improbable qu'une entrée contenant déjà une table de salle à manger cherche à en acheter une autre. Dans ce cas, sélectionnez cette option. Par contre, si les produits concernés sont périssables ou jetables (comme le fromage, le lait pour nourrisson ou les mouchoirs), des règles où le conséquent est déjà présent dans l'entrée peuvent être utiles. Dans ce dernier cas, l'option la plus utile pourrait être **Attribuer un score à toutes les règles**.

Attribuer un score aux règles uniquement quand des prévisions sont présentes dans l'entrée Sélectionnez cette option pour garantir que les conséquents soient aussi présents dans l'entrée. Cette approche est utile lorsque vous essayez de vous faire une idée des transactions ou des clients existants. Vous pourriez, par exemple, vouloir identifier les règles avec le plus grand impact et identifier alors les clients qui s'y conforment.

Attribuer un score à toutes les règles Sélectionnez cette option pour inclure toutes les règles dans le scoring, que les conséquents y soient présents ou absents.

Chapitre 13. Modèles de séries temporelles

Pourquoi prévoir ?

Prévoir signifie prédire les valeurs d'une ou de plusieurs séries dans le temps. Par exemple, vous pouvez prévoir la demande pour une gamme de produits ou de services de façon à allouer les ressources relatives à la fabrication ou à la distribution. Etant donné que la mise en oeuvre des décisions de planification est longue, les prévisions constituent un outil essentiel dans de nombreux processus de planification.

Les méthodes de modélisation des séries temporelles supposent que l'histoire se répète. Même s'il ne s'agit pas de répétitions exactement identiques, la similarité est suffisante pour permettre de prendre de meilleures décisions d'après l'étude du passé. Par exemple, pour prévoir les ventes de l'année prochaine, il est très probable que vous observiez d'abord les ventes de cette année, puis que vous remontiez le temps pour cerner les tendances ou schémas éventuels qui se sont développés au cours des dernières années. Mais il peut s'avérer difficile d'évaluer les schémas. Si vos ventes augmentent pendant plusieurs semaines d'affilée, par exemple, doit-on parler d'un cycle saisonnier ou du début d'une tendance à long terme ?

Grâce aux techniques de modélisation statistique, vous pouvez analyser les schémas des données passées et pratiquer une extrapolation afin de déterminer un intervalle au sein duquel les valeurs futures des séries sont susceptibles de se situer. Vous obtenez alors des prévisions plus précises sur lesquelles vous pouvez baser vos décisions.

Données de séries temporelles

Une **série temporelle** est un ensemble ordonné de mesures prises à intervalles réguliers, par exemple, le cours journalier des valeurs boursières ou les données de ventes hebdomadaires. L'objet des mesures peut correspondre à un élément qui représente un intérêt pour vous et il est généralement possible de classer chaque série dans l'une des catégories suivantes :

- **Dépendante.** Série que vous souhaitez prévoir.
- **Prédicteur.** Série qui peut contribuer à expliquer la cible (par exemple, utilisation d'un budget publicitaire pour prévoir les ventes). Il n'est possible d'utiliser les prédicteurs qu'avec les modèles ARIMA.
- **Evénement.** Série spéciale de prédicteurs utilisée pour représenter les incidents récurrents prévisibles (par exemple, les promotions).
- **Intervention.** Série spéciale de prédicteurs utilisée pour représenter les incidents passés à caractère exceptionnel (par exemple, une panne de courant ou une grève des employés).

Les intervalles peuvent représenter toute unité de temps, mais doivent être les mêmes pour toutes les mesures. De plus, tout intervalle pour lequel il n'existe pas de mesure doit être défini comme valeur manquante. Par conséquent, le nombre d'intervalles comportant des mesures (y compris ceux présentant des valeurs manquantes) définit la durée de l'étendue historique des données.

Caractéristiques des séries temporelles

L'étude du comportement passé d'une série permet d'identifier des schémas et de réaliser de meilleures prévisions. Lorsqu'elles sont représentées graphiquement, de nombreuses séries temporelles affichent une ou plusieurs des caractéristiques suivantes :

- Tendances
- Cycles saisonniers et non saisonniers
- Impulsions et étapes

- Valeurs extrêmes

Tendances

Une **tendance** est un changement ascendant ou descendant progressif du niveau de la série, ou encore la tendance des valeurs de la série à augmenter ou à diminuer dans le temps.

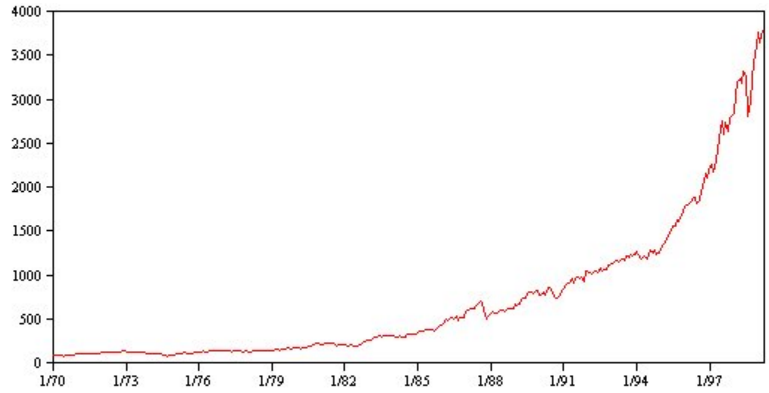


Figure 53. Tendance

Les tendances sont soit **locales**, soit **globales**, mais une série unique peut faire état des deux types. Du point de vue historique, les représentations graphiques des séries de l'indice boursier montrent une tendance globale ascendante. Les tendances locales descendantes apparaissent en période de récession et les tendances locales ascendantes, en période de croissance.

Les tendances peuvent également être **linéaires** ou **non linéaires**. Les tendances linéaires sont des incréments additifs positifs ou négatifs qui s'appliquent au niveau de la série, comparables à l'effet des intérêts simples sur le capital. Les tendances non linéaires sont souvent multiplicatives, avec des incréments proportionnels aux valeurs des séries précédentes.

Les modèles de lissage exponentiel et les modèles ARIMA sont adaptés aux tendances linéaires globales et prévoient ces dernières de façon correcte. Lors de la création de modèles ARIMA, les séries qui présentent des tendances sont généralement différenciées afin de supprimer l'effet de la tendance.

Cycles saisonniers

Un **cycle saisonnier** est un schéma répétitif et prévisible qui caractérise les valeurs d'une série.

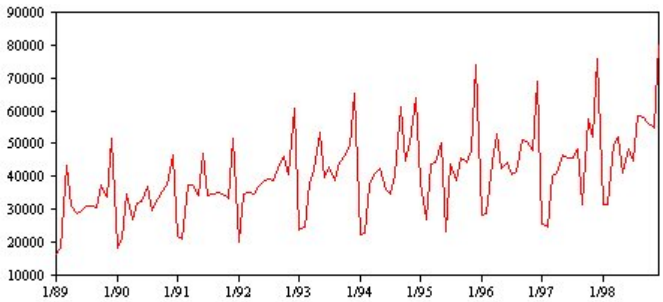


Figure 54. Cycle saisonnier

Les cycles saisonniers sont liés à l'intervalle des séries. Par exemple, des données mensuelles constituent généralement des cycles sur des trimestres et des années. Une série mensuelle peut faire état d'un cycle trimestriel significatif avec un niveau bas au premier trimestre ou encore d'un cycle annuel avec un pic chaque mois de décembre. Les séries faisant état d'un cycle saisonnier sont considérées comme présentant des **effets saisonniers**.

Les schémas saisonniers sont utiles pour obtenir de bons ajustements et de bonnes prévisions ; il existe des modèles de lissage exponentiel et ARIMA qui capturent les effets saisonniers.

Cycles non saisonniers

Un **cycle non saisonnier** est un schéma répétitif, éventuellement imprévisible, qui caractérise les valeurs d'une série.

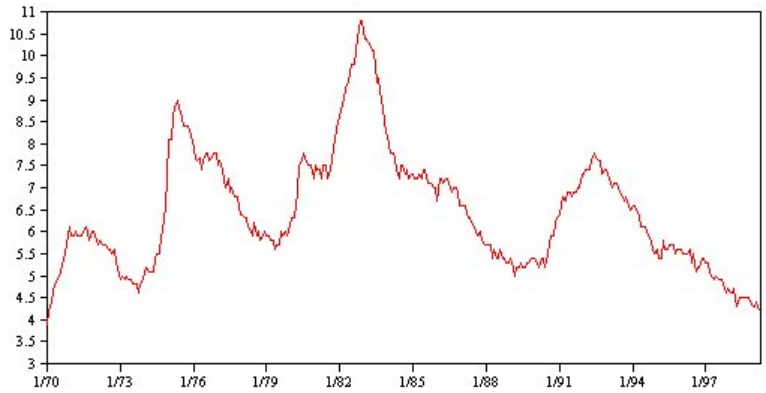


Figure 55. Cycle non saisonnier

Certaines séries, comme le taux de chômage, présentent clairement un comportement cyclique ; toutefois, la périodicité du cycle varie dans le temps, ce qui rend difficile la prévision d'un pic ou d'un niveau bas. D'autres séries peuvent présenter des cycles prévisibles, mais ne correspondent pas exactement au calendrier grégorien ou intègrent des cycles plus longs qu'une année. Par exemple, les marées suivent le calendrier lunaire, les déplacements à l'étranger et le commerce international liés aux Jeux olympiques augmentent tous les quatre ans et il existe un grand nombre de fêtes religieuses dont les dates grégoriennes changent d'une année à l'autre.

Les schémas cycliques non saisonniers sont difficiles à modéliser et augmentent généralement l'incertitude des prévisions. La Bourse, par exemple, fournit de nombreux exemples de séries qui ont résisté aux efforts des prévisionnistes. Toutefois, les schémas non saisonniers doivent être justifiés lorsqu'ils existent. Dans de nombreux cas, vous pouvez toujours identifier un modèle qui s'ajuste aux données historiques de façon relativement correcte ; vous avez ainsi de grandes chances de minimiser l'incertitude des prévisions.

Impulsions et étapes

De nombreuses séries font état de variations de niveau soudaines. Elles sont généralement de deux types :

- Un changement soudain et *temporaire*, ou **impulsion**, dans le niveau de la série ;
- Un changement soudain et *permanent*, ou **étape**, dans le niveau de la série.

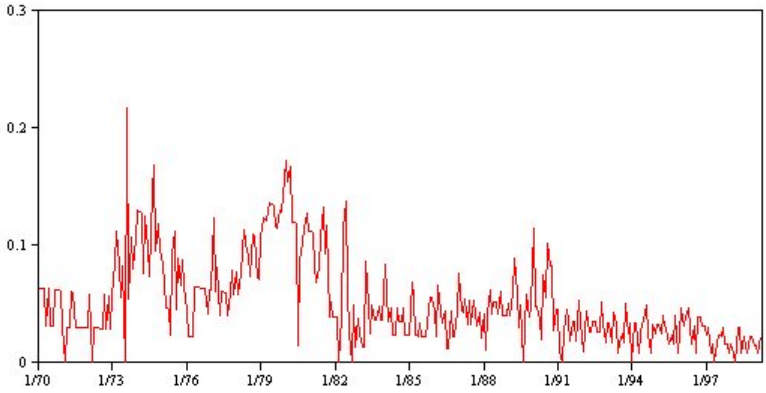


Figure 56. Série avec impulsion

Si vous observez des étapes ou des impulsions, il est important de trouver une explication plausible. Les modèles de séries temporelles sont conçus pour représenter les changements progressifs, et non

soudains. Par conséquent, ils tendent à sous-estimer les impulsions et à être altérés par les étapes, ce qui entraîne de médiocres ajustements de modèle et des prévisions incertaines. (Il se peut que certains exemples d'effets saisonniers montrent des changements soudains dans le niveau, mais celui-ci est constant d'une période saisonnière à l'autre.)

S'il est possible d'expliquer une perturbation, vous pouvez procéder à une modélisation à l'aide d'une **intervention** ou d'un **événement**. Par exemple, en août 1973, un embargo imposé par l'OPEP (Organisation des pays exportateurs de pétrole) sur le pétrole a généré une variation radicale du taux d'inflation, qui est revenu à un niveau normal dans les mois suivants. En spécifiant une **intervention ponctuelle** pour le mois de l'embargo, vous pouvez améliorer l'ajustement du modèle et, par conséquent, améliorer indirectement les prévisions. Par exemple, un commerce de détail peut découvrir que les ventes étaient largement supérieures le jour où les articles faisaient l'objet d'une réduction de 50 %. En spécifiant la promotion de - 50 % comme **événement** récurrent, vous pouvez améliorer l'ajustement du modèle et estimer l'effet de la répétition de la promotion sur des dates futures.

Valeurs extrêmes

Les changements dans le niveau d'une série temporelle ne pouvant pas être expliqués sont nommés **valeurs extrêmes**. Ces observations sont incohérentes par rapport au reste de la série et peuvent considérablement influencer l'analyse et, par conséquent, affecter la capacité de prévision du modèle de série temporelle.

La figure suivante présente plusieurs types de valeurs extrêmes figurant couramment dans les séries temporelles. Les lignes bleues représentent une série sans valeurs extrêmes. Les lignes rouges suggèrent un schéma pouvant être présent si les séries contiennent des valeurs extrêmes. Ces valeurs extrêmes sont toutes classées comme étant **déterministes** car elles n'affectent que le niveau moyen des séries.

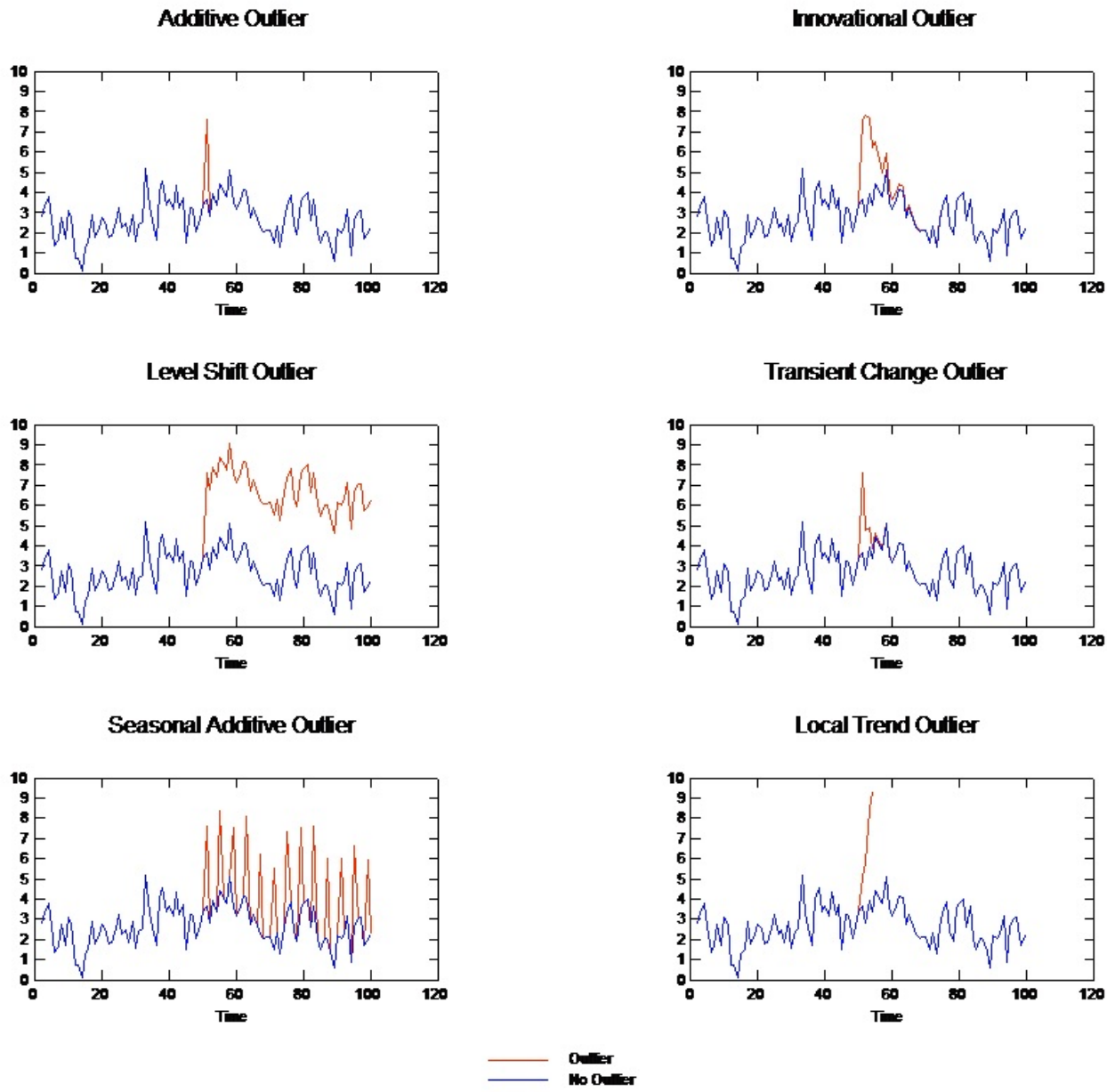


Figure 57. Types de valeurs extrêmes

- **Valeur extrême additive.** Une valeur extrême additive apparaît comme une valeur étonnamment élevée ou faible rencontrée pour une observation unique. Les observations suivantes ne sont pas affectées par une valeur extrême additive. Les valeurs extrêmes consécutives sont généralement nommées **correctifs de valeur extrême additive**.
- **Valeur extrême d'innovation.** Une valeur extrême d'innovation est caractérisée par un impact initial dont les effets subsistent sur des observations ultérieures. L'influence des valeurs extrêmes peut augmenter avec le temps.
- **Valeur extrême avec décalage de niveau.** Pour un décalage de niveau, toutes les observations apparaissant après la valeur extrême passent à un nouveau niveau. Par rapport aux valeurs extrêmes additives, une valeur extrême avec décalage de niveau affecte de nombreuses observations et a un effet permanent.
- **Valeur extrême avec modification passagère.** Les valeurs extrêmes avec modification passagère sont semblables aux valeurs extrêmes avec décalage de niveau, mais l'effet de la valeur extrême diminue de manière exponentielle sur les observations ultérieures. La série finit par retourner à son niveau normal.

- **Valeur extrême additive saisonnière.** Une valeur extrême additive saisonnière apparaît comme une valeur étonnamment élevée ou faible rencontrée de manière répétée à intervalles réguliers.
- **Valeur extrême de tendance locale.** Une valeur extrême de tendance locale génère une déviation générale dans la série causée par un schéma dans les valeurs extrêmes après le début de la valeur extrême initiale.

La détection des valeurs extrêmes dans les séries temporelles implique de déterminer l'emplacement, le type et la grandeur des valeurs extrêmes présentes. Tsay (1988) a proposé une procédure itérative pour détecter les changements de niveau moyen afin d'identifier les valeurs extrêmes déterministes. Ce processus implique de comparer un modèle de série temporelle qui suppose qu'aucune valeur extrême n'est présente dans un autre modèle qui incorpore des valeurs extrêmes. Les différences entre les modèles génèrent des estimations de l'effet du traitement d'un point en tant que valeur extrême.

Fonctions d'autocorrélation et d'autocorrélation partielle

L'autocorrélation et l'autocorrélation partielle sont des mesures de l'association entre des valeurs de séries actuelles et passées ; elles indiquent les valeurs de séries passées les plus utiles à la prévision de valeurs futures. Avec ces données, vous pouvez déterminer l'ordre des processus d'un modèle ARIMA. De façon plus spécifique :

- **Fonction d'autocorrélation (ACF).** Au décalage *k*, il s'agit de la corrélation entre les valeurs de séries séparées par *k* intervalles.
- **Fonction d'autocorrélation partielle (PACF).** Au décalage *k*, il s'agit de la corrélation entre les valeurs de séries séparées par *k* intervalles, compte tenu des valeurs des intervalles intermédiaires.

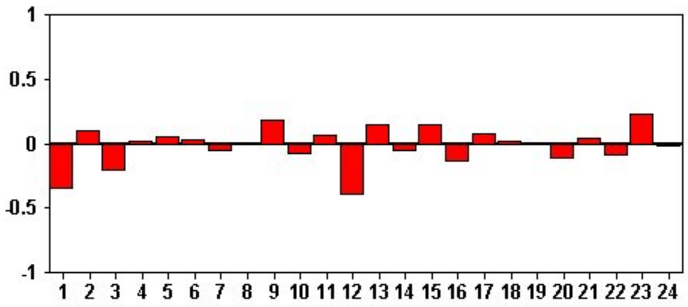


Figure 58. Tracé ACF d'une série

L'axe *x* du tracé ACF indique le décalage auquel l'autocorrélation est calculée ; l'axe *y* indique la valeur de la corrélation (entre 1 et 1). Par exemple, une pointe au décalage 1 dans un tracé ACF indique une forte corrélation entre chaque valeur de série et la valeur précédente ; une pointe au décalage 2 indique une forte corrélation entre chaque valeur et la valeur apparaissant deux points auparavant, etc.

- Une corrélation positive indique que des valeurs actuelles élevées correspondent à des valeurs élevées au niveau du décalage spécifié ; une corrélation négative indique que des valeurs actuelles élevées correspondent à des valeurs faibles au niveau du décalage spécifié.
- La valeur absolue d'une corrélation est une mesure de la force de l'association, des valeurs absolues élevées indiquant des relations plus fortes.

Transformations de série

Les transformations sont souvent utiles pour stabiliser une série avant d'estimer des modèles. Ceci est particulièrement important pour les modèles ARIMA, qui requièrent que les séries soient **stationnaires** avant l'estimation des modèles. Une série est stationnaire si le niveau global (moyenne) et l'écart moyen à partir du niveau (variance) sont constants dans l'ensemble de la série.

Bien que les séries les plus intéressantes ne soient pas stationnaires, le modèle ARIMA est efficace tant que la série peut être rendue stationnaire par l'application de transformations, comme le log naturel, la différenciation ou la différenciation saisonnière.

Transformations de stabilisation de variance. Il est souvent possible de stabiliser les séries dans lesquelles la variance évolue dans le temps à l'aide d'une transformation par le logarithme naturel ou par la racine carrée. Ces transformations sont également appelées transformations fonctionnelles.

- **Log naturel.** Le logarithme naturel est appliqué aux valeurs de la série.
- **Racine carrée.** La fonction racine carrée est appliquée aux valeurs de la série.

Il n'est pas possible d'utiliser les transformations par le logarithme naturel et par la racine carrée pour les séries comportant des valeurs négatives.

Transformations de stabilisation de niveau. Une baisse lente des valeurs de la fonction d'autocorrélation indique que chaque valeur de la série est fortement corrélée à la valeur précédente. En analysant la variation des valeurs de la série, vous obtenez un niveau stable.

- **Différenciation simple.** Les différences entre chaque valeur et la valeur précédente de la série sont calculées, à l'exception, évidemment, de la valeur la plus ancienne. En d'autres termes, la série différenciée inclura une valeur de moins que la série d'origine.
- **Différenciation saisonnière.** Différenciation identique à la différenciation simple, excepté que le calcul porte sur les différences entre chaque valeur et la valeur saisonnière précédente.

Lorsque vous utilisez la différenciation simple ou la différenciation saisonnière simultanément avec la transformation par le logarithme naturel ou par la racine carrée, la transformation de type Stabilisation de variance est toujours appliquée en premier lieu. Lorsque vous utilisez à la fois la différenciation simple et la différenciation saisonnière, les valeurs de série obtenues sont les mêmes, quelle que soit la différenciation appliquée en premier lieu.

Série de prédicteurs

Les séries de prédicteurs contiennent des données connexes qui peuvent contribuer à expliquer le comportement des séries sur lesquelles portera la prévision. Une société de vente sur le Web ou par correspondance peut prévoir ses ventes par rapport au nombre de catalogues envoyés, de lignes téléphoniques ouvertes ou d'accès à sa page Web.

N'importe quelle série peut être utilisée comme prédicteur, dès l'instant que sa durée correspond à la durée que voulez prédire et que ses données sont complètes, sans valeurs manquantes.

Faites preuve de prudence lorsque vous ajoutez des prédicteurs à un modèle. L'ajout d'un grand nombre de prédicteurs augmente le temps nécessaire à l'estimation des modèles. Si l'ajout de prédicteurs peut améliorer la capacité du modèle à s'ajuster aux données historiques, cela ne signifie pas pour autant qu'il effectue de meilleures prévisions. Par conséquent, vu la difficulté supplémentaire, le jeu n'en vaut peut-être pas la chandelle. Idéalement, l'objectif devrait être d'identifier le modèle le plus simple pour effectuer de bonnes prévisions.

En général, il est recommandé d'utiliser un nombre de prédicteurs inférieur à la taille de l'échantillon divisée par 15 (au maximum, un prédicteur pour 15 observations).

Prédicteurs avec des données manquantes. Les prédicteurs contenant des données incomplètes ou manquantes ne peuvent pas être utilisés pour la prévision. Cela s'applique à la fois aux données historiques et aux valeurs futures. Dans certains cas, il est possible de contourner cet obstacle en définissant l'amplitude d'estimation du modèle de façon à exclure les données les plus anciennes lors de l'estimation des modèles.

Noeud de modélisation Prévision spatio-temporelle

La prévision spatio-temporelle (STP) peut être appliquée à de nombreuses applications potentielles comme la gestion de l'énergie dans les bâtiments et les sites, l'analyse de performances et les prévisions par les ingénieurs en services mécaniques, ou la planification des transports publics. Dans ces applications, des relevés, tels que l'utilisation de l'énergie, sont fréquemment capturés dans l'espace et le temps. Des questions pouvant s'avérer pertinentes à l'enregistrement de ces relevés peuvent viser à identifier les facteurs qui affecteront les futures observations, et ce qui peut être fait pour induire un changement souhaitable ou pour mieux gérer le système. Pour traiter ces questions, vous pouvez utiliser

des techniques statistiques capables d'anticiper des valeurs futures à des emplacements différents et modéliser explicitement des facteurs ajustables pour effectuer une analyse d'hypothèses.

L'analyse STP utilise des données contenant des informations d'emplacement, des champs d'entrée pour la prévision (prédicteurs), une zone temporelle et une zone cible. Chaque emplacement correspond à plusieurs lignes dans les données correspondant aux valeurs de chaque prédicteur à chaque mesure. Une fois les données analysées, elles peuvent être utilisées pour anticiper des valeurs cibles à n'importe quel emplacement dans les données de forme utilisées dans l'analyse. Elle peut également prévoir quand les données d'entrée pour les points futurs seront connues.

Remarque : Le noeud STP ne prend pas en charge les étapes Evaluation de modèle ou Champion challenger dans IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.

Un flux nommé `stp_server_demo.str` présentant un exemple concret d'utilisation de STP et référençant les fichiers de données `room_data.csv` et `score_data.csv` est disponible dans le répertoire `Demos` de votre installation IBM SPSS Modeler. Ce répertoire `Demos` est accessible à partir du groupe de programmes IBM SPSS Modeler dans le menu Démarrer de Windows. Le fichier `stp_server_demo.str` est situé dans le répertoire `streams`.

Prévision spatio-temporelle - Options Champs

Dans l'onglet Champs, vous devez indiquer si vous désirez utiliser les paramètres de rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont ou les affecter manuellement.

Utiliser des rôles prédéfinis
Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles et prédicteurs uniquement) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisées
Sélectionnez cette option pour affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles sur cet écran.

Champs
Affiche tous les champs pouvant être sélectionnés dans les données. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement depuis cette liste des éléments aux divers cadres à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ.

Remarque : Pour fonctionner correctement, STP requiert 1 enregistrement par emplacement et intervalle de temps ; ces champs sont donc obligatoires.

Cliquez en bas du panneau **Champs** sur le bouton **Tous** pour sélectionner tous les champs, sans considération du niveau de mesure, ou cliquez sur un niveau de mesure spécifique afin de sélectionner tous les champs correspondants.

Cible
Sélectionnez un champ comme cible pour la prévision.

Remarque : Vous ne pouvez sélectionner que des champs dont le niveau de mesure est continu.

Emplacement
Sélectionnez le type d'emplacement à utiliser dans le modèle.

Remarque : Vous ne pouvez sélectionner que des champs dont le niveau de mesure est géospatial.

Libellé de l'emplacement
Les données de forme incluent fréquemment un champ qui présente les noms des caractéristiques de la couche. Il pourrait s'agir, par exemples, des noms de pays ou de régions. Utilisez ce champ pour associer un nom, ou libellé, à un emplacement en sélectionnant un champ catégoriel pour libeller le champ **Emplacement** choisi dans votre sortie.

Zone Heure
Sélectionnez les zones Heure à utiliser dans vos prévisions.

Remarque : Vous ne pouvez sélectionner que des champs dont le niveau de mesure est continu et dont le stockage est de type heure, date, horodatage ou entier.

Prédicteurs (Entrées)
Choisissez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Remarque : Vous ne pouvez sélectionner que des champs dont le niveau de mesure est continu.

Prévision spatio-temporelle - Intervalles de temps

Vous pouvez sélectionner dans le panneau Intervalles de temps les options définissant l'intervalle de temps et l'agrégation éventuellement requise au fil du temps.

Une préparation des données est requise afin de convertir les zones de temps en index avant de pouvoir construire un modèle STP. Pour que cette conversion soit possible, la zone de temps doit avoir un intervalle constant entre les enregistrements. Si vos données ne contiennent pas encore cette information, utilisez les options de ce panneau pour définir cet intervalle avant d'utiliser le noeud de modélisation.

Intervalle de temps Sélectionez l'intervalle vers lequel convertir les données. Les options disponibles dépendent du type de stockage de la zone choisie comme **Zone Heure** pour le modèle dans l'onglet Zones.

- **Périodes** N'est disponible que pour les zones de temps de type entier ; correspond à une série d'intervalles, avec un intervalle uniforme entre chaque mesure, qui ne correspondent à aucun autre intervalle disponible.
- **Années** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Date ou Horodatage.
- **Trimestres** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Date ou Horodatage. Si vous choisissez cette option, vous êtes invité à sélectionner le **Mois de début** du premier trimestre.
- **Mois** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Date ou Horodatage.
- **Semaines** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Date ou Horodatage.
- **Jours** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Date ou Horodatage.
- **Heures** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Time ou Horodatage.
- **Minutes** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Time ou Horodatage.
- **Secondes** Disponible uniquement pour les zones de temps de type Time ou Horodatage.

Lorsque vous sélectionnez l'**Intervalle de temps**, vous êtes invité à renseigner d'autres zones. Les zones disponibles dépendent à la fois de l'intervalle de temps et du type de stockage. Les zones pouvant s'afficher sont répertoriées dans la liste ci-dessous.

- **Nombre de jours par semaine**
- **Nombre d'heures dans une journée**
- **La semaine débute le** Premier jour de la semaine
- **La journée commence à** L'heure de votre choix.
- **Valeur d'intervalle** Vous pouvez sélectionner l'une des options suivantes : 1, 2, 3, 4, 5, 6, 10, 12, 15, 20 ou 30.
- **Mois de début** Mois de début de l'exercice fiscal.
- **Période de départ** Si vous utilisez **Périodes**, sélectionnez la période de départ.

Les données sont conformes aux paramètres d'intervalle de temps définis Cochez cette case si vos données contiennent déjà les informations d'intervalle de temps correctes et n'ont pas besoin d'être converties. Si vous cochez cette case, les zones de la section **Agrégation** ne sont pas disponibles.

Agrégation

Disponible uniquement si la case **Les données sont conformes aux paramètres d'intervalle de temps définis** n'est pas cochée ; spécifiez les options d'agrégation de zones afin qu'elle correspondent à l'intervalle spécifié. Par exemple, en présence d'une combinaison de données hebdomadaires ou mensuelles, vous pouvez agréger, ou "cumuler", les valeurs hebdomadaires de sorte à obtenir un

intervalle mensuel uniforme. Sélectionnez les paramètres par défaut à utiliser pour l'agrégation de types de champs différents et créez les paramètres personnalisés voulus pour les champs spécifiques de votre choix.

- **Continue** Définit la méthode d'agrégation par défaut à appliquer à toutes les zones continues qui n'ont pas été spécifiées individuellement. Vous avez le choix entre plusieurs méthodes :
  - Somme
  - Moyenne
  - Minimum
  - Maximum
  - Médiane
  - premier quartile
  - troisième quartile

Paramètres personnalisés pour les zones spécifiées Pour appliquer une fonction d'agrégation spécifique à des zones individuelles, sélectionnez-les dans ce tableau et choisissez la méthode d'agrégation.

- **Champ** Utilisez le bouton **Ajouter un champ** pour afficher la boîte de dialogue **Sélectionner les champs** et choisir les champs requis. Les champs choisis sont affichés dans cette colonne.
- **Fonction d'agrégation** Sélectionnez dans la liste déroulante la fonction d'agrégation pour la conversion du champ vers l'intervalle de temps spécifié.

Prévision spatio-temporelle - Options de construction de base

Utilisez les options de cette boîte de dialogue pour définir les options de construction de modèle de base.

Paramètres du modèle

Inclure la constante
L'inclusion de la constante (le terme constant dans le modèle) peut améliorer la précision globale de la solution. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Ordre autorégressif maximum

Les ordres autorégressifs indiquent quelles valeurs précédentes seront utilisées pour prévoir les valeurs actuelles. Utilisez cette option pour spécifier le nombre d'enregistrements antérieurs à utiliser pour calculer une nouvelle valeur. Vous pouvez choisir n'importe quel entier entre 1 et 5.

Covariance spatiale

Méthode d'estimation
Sélectionnez la méthode d'estimation à utiliser : **Paramétrique** ou **Non-paramétrique**. Pour la méthode **Paramétrique**, vous pouvez choisir entre trois types de **Modèle** :

- **Gaussian**
- **Exponential**
- **Exponentiel à exposant** Si vous sélectionnez cette option, vous devez également spécifier le niveau d'**exposant** à utiliser. Ce niveau peut recevoir n'importe quelle valeur entre 1 et 2, en incréments de 0,1.

Prévision spatio-temporelle - Options de construction avancées

Les utilisateurs avec une connaissance approfondie de STP peuvent utiliser les options suivantes pour affiner le processus de construction du modèle.

Pourcentage maximal de valeurs manquantes
Spécifiez le pourcentage maximal d'enregistrements contenant des valeurs manquantes qui peuvent être inclus dans le modèle.

Niveau de signification pour test d'hypothèses dans la construction du modèle
Spécifie la valeur de niveau d'importance à utiliser pour tous les tests d'estimation du modèle STP, y-compris de tests two Goodness of Fit, de tests d'effets F et de tests de coefficient T. Ce niveau peut recevoir n'importe quelle valeur comprise entre 0 et 1, en incréments de 0,01.

Prévision spatio-temporelle - Sortie

Avant de construire le modèle, utilisez les options de ce panneau pour sélectionner la sortie à inclure dans le Visualiseur de sortie.

Informations sur le modèle

Spécifications de modèle
Sélectionnez cette option pour inclure les informations de spécification du modèle dans la sortie du modèle.

Récapitulatif des informations temporelles
Sélectionnez cette option pour inclure un récapitulatif des informations temporelles dans la sortie du modèle.

Evaluation

Qualité du modèle
Sélectionnez cette option pour inclure la qualité du modèle dans la sortie du modèle.

Test des effets dans le modèle de structure de la moyenne
Sélectionnez cette option pour inclure les informations des tests d'effets dans la sortie du modèle.

Interprétation

Coefficients de structure de moyenne du modèle
Sélectionnez cette option pour inclure les informations de coefficients de structure de moyenne du modèle dans la sortie du modèle.

Coefficients autorégressifs
Sélectionnez cette option pour inclure les informations de coefficients autorégressifs dans la sortie du modèle.

Tests de dégradation dans l'espace
Sélectionnez cette option pour inclure les informations de test de covariance spatiale, ou dégradation dans l'espace, dans la sortie du modèle.

Tracé des paramètres de covariance spatiale paramétrique du modèle
Sélectionnez cette option pour inclure les informations de tracé des paramètres de covariance spatiale paramétrique dans la sortie du modèle.

Remarque : Cette option n'est disponible que si vous avez sélectionné la méthode d'estimation **Paramétrique** dans l'onglet Bases.

Carte de densité des corrélations
Sélectionnez cette option pour inclure une carte des valeurs cibles dans la sortie du modèle.

Remarque : Si votre modèle comporte plus de 500 emplacements, la sortie de mappe ne sera pas créée.

Mappe de corrélations
Sélectionnez cette option pour inclure une mappe des corrélations dans la sortie du modèle.

Remarque : Si votre modèle comporte plus de 500 emplacements, la sortie de mappe ne sera pas créée.

Emplacements clusters
Sélectionnez cette option pour inclure les emplacements de clusters dans la sortie du modèle. Seule la sortie ne requérant pas un accès aux données de mappe est incluse dans la sortie de cluster.

Remarque : Cette sortie ne peut être créée que pour un modèle de covariance spatiale non paramétrique.

Si vous sélectionnez cette option, vous pouvez spécifier les éléments suivants :

- **Seuil de similarité** Sélectionnez le seuil auquel les clusters de sortie sont considérés comme étant suffisamment similaires pour être fusionnés dans un seul cluster.
- **Nombre maximal de clusters à afficher** Définissez le nombre plafond de clusters pouvant être inclus dans la sortie du modèle.

Prévision spatio-temporelle - Options Modèle

Nom du modèle Vous pouvez générer automatiquement le nom du modèle, à partir des champs cible, ou spécifier un nom personnalisé. Le nom généré automatiquement est le nom du champ cible.

Facteur d'incertitude (%) Le facteur d'incertitude est une valeur exprimée en pourcentage représentant la croissance de l'incertitude lors de l'établissement de prévisions quant au futur. La limite inférieure et la limite supérieure de l'incertitude des prévisions augmentera d'après ce pourcentage à chaque future étape. Spécifiez le facteur d'incertitude à appliquer à la sortie de vos modèles ; ceci définit les valeurs plancher et plafond des valeurs prédites.

Nugget de modèle de prévision spatio-temporelle

Le nugget de modèle SPT (Spatio-Temporal Prediction) affiche les détails du modèle dans l'onglet Modèle du Visualiseur de sortie. Pour plus d'informations sur l'utilisation de ce Visualiseur, reportez-vous à la section "Utilisation du résultat" dans le manuel Guide de l'utilisateur de Modeler (ModelerUsersGuide.pdf).

L'opération de modélisation spatio-temporelle crée un certain nombre de nouveaux champs avec le préfixe $STP, comme illustré dans le tableau suivant.

Tableau 26. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation de prévision de séries temporelles (STP)

Nom de champ	Description
$STP-<Heure>	Champ heure créé dans le cadre de la construction du modèle. Les paramètres du panneau Intervalles de temps de l'onglet Options de génération déterminent comment ce champ est créé. <Heure> est le nom originel du champ sélectionné en tant que **Champ Heure** dans l'onglet Champs. **Remarque :** Il n'est créé que si vous avez converti le **Champ Heure** originel dans le cadre de la construction du modèle.
$STP-<Cible>	Ce champ contient les prévisions pour la valeur cible. <Cible> correspond au nom du champ **Cible** d'origine pour le modèle
$STPVAR-<Cible>	Ce champ contient les valeurs de VarianceOfPointPrediction. <Cible> correspond au nom du champ **Cible** d'origine pour le modèle
$STPLCI-<Cible>	Ce champ contient les valeurs de LowerOfPredictionInterval, à savoir, la limite inférieure de confiance. <Cible> correspond au nom du champ **Cible** d'origine pour le modèle

Tableau 26. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation de prévision de séries temporelles (STP) (suite)	
$STPUCI-<Cible>	Ce champ contient les valeurs de UpperOfPredictionInterval, à savoir, la limite supérieure de confiance. <Cible> correspond au nom du champ **Cible** d'origine pour le modèle

Paramètres du modèle de prévision spatio-temporelle

Utilisez l'onglet Paramètres pour définir le niveau d'incertitude que vous considérez être acceptable dans l'opération de modélisation.

Facteur d'incertitude (%) Le facteur d'incertitude est une valeur exprimée en pourcentage représentant la croissance de l'incertitude lors de l'établissement de prévisions quant au futur. La limite inférieure et la limite supérieure de l'incertitude des prévisions augmentera d'après ce pourcentage à chaque future étape. Spécifiez le facteur d'incertitude à appliquer à la sortie de vos modèles ; ceci définit les valeurs plancher et plafond des valeurs prédites.

Noeud TCM

Utilisez ce noeud pour créer un modèle de causalité temporelle (TCM).

Modèles de causalité temporelle

La modélisation de causalité temporelle tente de découvrir des relations de causalité clés dans les données de séries temporelles. Dans la modélisation de causalité temporelle, vous spécifiez un ensemble de séries cibles et un ensemble d'entrées candidates sur ces cibles. La procédure construit alors un modèle de série temporelle autorégressive pour chaque cible et n'inclut que les entrées avec une relation de causalité avec la cible. Cette approche diffère de la modélisation traditionnelle de série temporelle où vous devez spécifier explicitement les prédicteurs pour une série cible. Vu que la modélisation de causalité temporelle implique généralement la construction de modèles pour plusieurs séries temporelles associées, le résultat est dénommé *système modèle*.

Dans le contexte de modélisation de causalité temporelle, le terme *causal* se réfère à la causalité au sens de Granger. Un série temporelle X est dite "causer au sens de Granger" une autre série temporelle Y si la régression de Y en prenant en compte les valeurs passées de X et de Y produit un meilleur modèle pour Y que la seule régression des valeurs passées de Y.

Remarque : Le noeud de modélisation de causalité temporelle ne prend pas en charge les étapes Evaluation de modèle ou Champion challenger dans IBM SPSS Collaboration and Deployment Services.

Exemples

Les décideurs métier peuvent utiliser la modélisation de causalité temporelle pour identifier des relations de causalité dans un vaste ensemble de métriques basées temps qui décrivent l'activité. L'analyse peut révéler un petit nombre d'entrées contrôlables qui ont l'impact le plus déterminant sur les indicateurs de performances clés.

Les responsables de systèmes informatiques à grande échelle peuvent utiliser la modélisation de causalité temporelle pour détecter des anomalies dans un large éventail de métriques opérationnelles interdépendantes. Le modèle causal peut alors ne pas se contenter de détecter des anomalies, mais découvrir aussi leurs causes premières les plus probables.

Exigences concernant les champs

Au moins une cible doit avoir été définie. Par défaut, les champs avec le rôle prédéfini Aucun ne sont pas utilisés.

Structure des données

La modélisation de causalité temporelle prend en charge deux types de structures de données.

Données basées colonne
Pour les données basées colonne, chaque zone de série temporelle contient les données d'une seule série temporelle. Il s'agit de la structure traditionnelle des données de série temporelle, telle qu'utilisée par Time Series Modeler.

Données multidimensionnelles
Pour les données multidimensionnelles, chaque champ de série temporelle contient les données de plusieurs séries temporelles. Les séries temporelles distinctes au sein d'un champ donné sont alors identifiées par un ensemble de valeurs de champs catégoriels, dénommés champs de *dimension*. Par exemple, les données de ventes de deux circuits de vente différents (détail et Web) pourraient être stockées dans une zone *ventes* unique. Une zone de dimension nommée *canal*, avec pour valeurs 'détail' et 'Web', identifie les enregistrements associés à chacun des deux circuits de vente.

Remarque : Pour construire un modèle de causalité temporelle, vous avez besoin d'un nombre suffisant de points de données. Le produit utilise la contrainte suivante :

```
m>(L + KL + 1)
```

où `m` correspond au nombre de points de données, L au nombre de décalages et K au nombre de prédicteurs. Prenez soin que votre ensemble de données soit suffisamment volumineux afin que le nombre de points de données (`m`) respecte cette condition.

Séries temporelles à modéliser

Dans l'onglet Champs, utilisez les paramètres **Série temporelle** pour préciser la série à inclure dans le système modèle.

Sélectionnez l'option de structure de données qui s'applique à vos données. Pour les données multidimensionnelles, cliquez sur **Sélectionner les dimensions** pour spécifier les champs de dimension. L'ordre des champs de dimension indiqués définit l'ordre dans lequel ils apparaissent dans tous les boîtes de dialogue et sorties ultérieures. Utilisez les boutons de flèche vers le haut et le bas dans la sous-boîte de dialogue Sélectionnez les dimensions pour réorganiser les champs de dimension.

Pour les données basées sur des colonnes, le terme *série* a le même sens que le terme *champ*. Pour les données multidimensionnelles, les champs contenant des séries temporelles sont appelés des champs *métriques*. Une série temporelle, pour les données multidimensionnelles, est définie par un champ métrique et une valeur pour chacun des champs de dimension. Les considérations suivantes s'appliquent aux données basées sur les colonnes et aux données multidimensionnelles.

- Les séries qui sont spécifiées en tant qu'entrées candidates ou à la fois comme séries cible et en entrée sont prises en compte pour être incluses dans le modèle de chaque cible. Le modèle de chaque cible inclut toujours des valeurs en attente de la cible elle-même.
- Les séries qui sont spécifiées comme entrées forcées sont toujours incluses dans le modèle de chaque cible.
- Au moins une série doit être spécifiée comme cible ou à la fois comme cible et entrée.
- Lorsque **Utiliser des rôles prédéfinis** est sélectionné, les champs prédéfinis qui ont un rôle d'entrée sont définis comme entrées candidates. Aucun rôle prédéfini n'est mappé avec une entrée forcée.

Données multidimensionnelles

Pour les données multidimensionnelles, vous spécifiez des champs métriques et leurs rôles associés dans une grille, où chaque ligne de la grille indique une seule métrique et un seul rôle. Par défaut, le système modèle comprend une série pour toutes les combinaisons des champs de dimension pour chaque ligne de la grille. Par exemple, s'il existe des dimensions pour *région* et *marque*, par défaut, le fait de spécifier la métrique *ventes* comme cible signifie qu'il existe une série de cibles de ventes distinctes pour chaque combinaison de *région* et de *marque*.

Pour chaque ligne de la grille, vous pouvez personnaliser l'ensemble des valeurs des champs de dimension en cliquant sur le bouton de points de suspension d'une dimension. Cette action ouvre la sous-boîte de dialogue Sélectionnez des valeurs pour Dimension. Vous pouvez également ajouter, supprimer ou copier des lignes de la grille.

La colonne **Comptage des séries** affiche le nombre des ensembles de valeurs de dimension actuellement spécifiées pour la métrique associée. La valeur affichée peut être supérieure au nombre réel de séries (une série par ensemble). Cette condition se produit lorsque certaines des combinaisons spécifiées de valeurs de dimension ne correspondent pas aux séries contenues dans la métrique associée.

Sélectionnez des valeurs pour Dimension

Pour les données multidimensionnelles, vous pouvez personnaliser l'analyse en spécifiant les valeurs de dimension qui s'appliquent à un champ métrique particulier avec un rôle particulier. Par exemple, si *ventes* est un champ de métrique et *canal*, une dimension avec les valeurs 'détail' et 'Web,' vous pouvez indiquer que les ventes 'Web' correspondent à une entrée et les ventes 'détail', à une cible. Vous pouvez également spécifier des sous-ensembles de dimension qui s'appliquent à tous les champs de métrique utilisés dans l'analyse. Par exemple, si *région* est un champ de dimension qui indique une région géographique, vous pouvez limiter l'analyse à des régions particulières.

Toutes les valeurs
Indique que toutes les valeurs du champ de dimension en cours sont incluses. Il s'agit de l'option par défaut.

Sélectionnez les valeurs à inclure ou à exclure
Cette option permet de spécifier l'ensemble des valeurs du champ de dimension en cours. Quand **Inclure** est sélectionné pour **Mode**, seules les valeurs spécifiées dans la liste **Valeurs sélectionnées** sont incluses. Quand **Exclure** est sélectionné pour **Mode**, toutes les valeurs autres que celles spécifiées dans la liste **Valeurs sélectionnées** sont incluses.

Vous pouvez filtrer l'ensemble des valeurs dans lesquelles choisir. Les valeurs conformes à la condition de filtrage apparaissent dans l'onglet **Correspondance** et celles qui n'y correspondent pas figurent dans l'onglet **Sans correspondance** de la liste **Valeurs non sélectionnées**. L'onglet **Toutes** recense toutes les valeurs non sélectionnées, sans considération de condition de filtrage quelconque.

- Vous pouvez utiliser des astérisques (*) comme caractères génériques lorsque vous spécifiez un filtre.
- Pour effacer le filtre en cours, spécifiez une valeur vide pour le terme de recherche dans la boîte de dialogue Filtrer les valeurs affichées.

Observations

Dans l'onglet champs, utilisez les paramètres **Observations** pour spécifier les champs qui définissent les observations.

Observations définies par date/heures

Vous pouvez spécifier que les observations sont définies par un champ date, heure ou horodatage. Outre le champ qui définit les observations, sélectionnez l'intervalle de temps approprié qui décrit les observations. Selon l'intervalle de temps choisi, vous pouvez spécifier d'autres paramètres, comme l'intervalle entre les observations (incrément) ou le nombre de jours par semaine. Les considérations suivantes s'appliquent à l'intervalle de temps :

- Utilisez la valeur **Irrégulier** si les observations sont espacées irrégulièrement dans le temps (par exemple l'heure à laquelle une commande d'achat est traitée). Lorsque **Irrégulier** est sélectionné, vous devez spécifier l'intervalle de temps à utiliser pour l'analyse dans le paramètre **Intervalle de temps** de l'onglet Spécifications des données.
- Lorsque les observations représentent une date et heure et que l'intervalle de temps est exprimé en heures, minutes, ou secondes, utilisez **Heures par jour**, **Minutes par jour** ou **Secondes par jour**. Lorsque les observations représentent une durée sans référence à une date et que l'intervalle de temps est exprimé en heures, minutes, ou secondes, utilisez **Heures (non périodique)**, **Minutes (non périodique)**, ou **Secondes (non périodique)**.

- Selon l'intervalle de temps sélectionné, la procédure peut détecter des observations manquantes. La détection d'observations manquantes est nécessaire vu que la procédure suppose que toutes les observations sont également espacées dans le temps et qu'il n'y a pas d'observations manquantes. Par exemple, si l'intervalle de temps choisi est Jours et que la date 2014-10-27 est suivie du 2014-10-29, une observation est alors manquante pour le 2014-10-28. Des valeurs sont attribuées en cas d'observations manquantes. Les paramètres de traitement des valeurs manquantes peuvent être spécifiés dans l'onglet Spécifications des données.
- L'intervalle de temps spécifié permet à la procédure de détecter des observations multiples au sein du même intervalle qui doivent être agrégées et d'aligner les observations par rapport à la limite de l'intervalle (par exemple, le premier du mois) pour garantir que les observations soient également espacées. Par exemple, si l'intervalle de temps est défini à Mois, plusieurs dates sur le même mois seront alors agrégées. Ce type d'agrégation est dénommé *regroupement*. Par défaut, les observations sont additionnées lorsqu'elles sont regroupées. Vous pouvez spécifier une méthode de regroupement différente, comme la moyenne des observations, depuis les paramètres **Agrégation et distribution** de l'onglet Spécifications des données.
- Pour certains intervalles de temps, les paramètres supplémentaires peuvent définir une coupure dans les intervalles normalement avec espacement uniforme des observations. Par exemple, si l'intervalle de temps est défini à Jours, mais que seuls les jours ouvrés sont valides, vous pouvez spécifier que le semaine compte cinq jours et qu'elle commence le lundi.

Observations définies par périodes ou par périodes cycliques

Les observations peuvent être définies par un ou plusieurs champs de type entier qui représentent des périodes ou des cycles de périodes répétitifs, à concurrence d'un nombre arbitraire de cycles. Via cette structure, vous pouvez décrire des séries d'observations qui ne se prêtent pas à un intervalle de temps standard. Par exemple, une année fiscale composés de 10 mois seulement peut être décrite par un champ cycle représentant les années et un champ période représentant les mois, la longueur du cycle étant 10.

Les champs qui spécifient des périodes cycliques définissent une hiérarchie de niveaux périodiques, où le niveau le plus faible est défini par le champ **Période**. Le niveau juste au-dessus est spécifié par un champ cycle dont le niveau est 1, suivi par un champ cycle dont le niveau est 2, et ainsi de suite. Les valeurs de champ pour chaque niveau, à l'exception du plus élevé, doivent être périodiques par rapport au suivant. Les valeurs du niveau le plus haut ne peuvent pas être périodiques. Par exemple, dans le cas de l'année fiscale sur 10 mois, les mois sont périodiques dans les années et les années ne sont pas périodiques.

- La longueur d'un cycle à un niveau donné est la périodicité du prochain niveau au-dessous. Pour l'exemple de l'année fiscale, un seul niveau cycle existe et la longueur du cycle est 10 vu que le prochain niveau au-dessous correspond à des mois et que l'année fiscale spécifiée comporte 10 mois.
- Spécifiez la valeur de départ de chaque champ périodique ne commençant pas à 1. Ce paramètre est nécessaire pour détecter les valeurs manquantes. Par exemple, si un champ périodique commence par la valeur 2 mais que la valeur de départ a été fixée à 1, la procédure suppose l'existence d'une valeur manquante pour la première période dans chaque cycle de ce champ.

Intervalle de temps pour l'analyse

L'intervalle de temps utilisé pour l'analyse peut être différent de celui des observations. Par exemple, si l'intervalle de temps des observations est spécifié comme Jours, vous pourriez choisir Mois comme intervalle de temps pour l'analyse. Les données sont alors agrégées de données quotidiennes en données mensuelles avant la construction du modèle. Vous pouvez également choisir de distribuer les données d'un intervalle de temps plus long sur un intervalle de temps plus court. Par exemple, si les observations sont trimestrielles, vous pouvez les distribuer sur une base mensuelle.

Les choix disponibles pour l'intervalle de temps sur lequel l'analyse est effectuée dépendent de la façon dont les données sont définies et de leur intervalle de temps. En particulier, lorsque les observations sont définies par des périodes cycliques, seule l'agrégation est prise en charge. Dans ce cas, l'intervalle d'analyse doit être supérieur ou égal à celui des observations.

L'intervalle de temps pour l'analyse est spécifié dans les paramètres **Intervalle de temps** sur l'onglet Spécifications des données. La méthode d'agrégation ou de distribution des données est spécifiée depuis les paramètres **Agrégation et distribution** dans l'onglet Spécifications des données.

Agrégation et distribution

Fonctions d'agrégation
Lorsque l'intervalle de temps utilisé pour l'analyse est plus long que celui des observations, les données d'entrée sont agrégées. Une agrégation est effectuée, par exemple, lorsque l'intervalle de temps des observations est exprimé en Jours et celui de l'analyse, en Mois. Les fonctions d'agrégation suivantes sont disponibles : moyenne, somme, mode, min, ou max.

Fonctions de distribution
Lorsque l'intervalle de temps utilisé pour l'analyse est plus court que celui des observations, les données d'entrée sont distribuées. Une distribution est effectuée, par exemple, lorsque l'intervalle de temps des observations est exprimé en Trimestres et celui de l'analyse, en Mois. Les fonctions de distribution suivantes sont disponibles : moyenne ou somme.

Fonctions de regroupement
Un regroupement est appliqué lorsque des observations sont définies par date/heure et que plusieurs observations surviennent dans le même intervalle de temps. Par exemple, si l'intervalle de temps des observations est défini à Mois, plusieurs dates dans le même mois seront regroupées et associées au mois dans lequel elles se produisent. Les fonctions d'agrégation suivantes sont disponibles : moyenne, somme, mode, min ou max. Un regroupement est toujours effectué lorsque les observations sont définies par date/heures et que l'intervalle de temps des observations est spécifié comme étant irrégulier.

Remarque : Bien que le regroupement constitue une forme d'agrégation, il est effectué avant tout traitement de valeurs manquantes tandis que l'agrégation formelle est effectuée après traitement des valeurs manquantes éventuelles. Lorsque l'intervalle de temps des observations est spécifié comme étant irrégulier, l'agrégation est effectuée uniquement avec la fonction de regroupement.

Agréger les observations de la journée à la journée précédente
Spécifie si les observations qui franchissent une limite de journée doivent être agrégées aux valeurs de la journée précédente. Par exemple, pour les observations horaires avec un jour couvrant huit heures et commençant à 20h00, ce paramètre spécifie si les observations situées entre minuit et 04h00 doivent être incluses dans les résultats agrégés de la journée précédente. Ce paramètre ne s'applique que si l'intervalle de temps des observations correspond à Heures par jour, Minutes par jour ou Secondes par jour et que l'intervalle de temps de l'analyse indique Jours.

Paramètres personnalisés pour les zones spécifiées
Vous pouvez spécifier des fonctions d'agrégation, de distribution et de regroupement sur la base d'une zone individuelle. Ces paramètres prévalent sur les paramètres par défaut des fonctions d'agrégation, de distribution et de groupement.

Valeurs manquantes

Les valeurs manquantes dans les données d'entrée sont remplacées par une valeur saisie. Les méthodes de remplacement suivantes sont disponibles :

Interpolation linéaire
Remplace les valeurs manquantes par le biais d'une interpolation linéaire. La dernière valeur valide avant la valeur manquante et la première valeur valide après la valeur manquante sont utilisées pour l'interpolation. Si la première ou la dernière observation de la série a une valeur manquante, les deux valeurs non manquantes les plus proches au début ou à la fin de la série sont utilisées.

Moyenne de la série
Remplace les valeurs manquantes par la moyenne de toute la série.

Moyenne des points voisins
Remplace les valeurs manquantes par la moyenne des valeurs valides qui les entourent. La sphère des points voisins est le nombre de valeurs valides au-dessus et au-dessous de la valeur manquante qui sont utilisées pour calculer la moyenne.

Valeur médiane des points voisins
Remplace les valeurs manquantes par la médiane des valeurs valides qui les entourent. La sphère des points voisins est le nombre de valeurs valides au-dessus et au-dessous de la valeur manquante qui sont utilisées pour calculer la valeur médiane.

Tendance linéaire
Cette option utilise toutes les observations non manquantes dans la série afin d'alimenter un modèle de régression linéaire simple, qui est ensuite utilisé pour imputer les valeurs manquantes.

Autres paramètres :

Pourcentage maximal de valeurs manquantes (%)
Spécifie le pourcentage maximal de valeurs manquantes autorisé pour une série. Les séries avec un nombre de valeurs manquantes supérieur à ce maximum sont exclues de l'analyse.

Options générales pour les données

Nombre maximal de valeurs distinctes par zone de dimension
Ce paramètre s'applique aux données multidimensionnelles et spécifie le nombre maximal de valeurs distinctes permises pour un champ de dimension quelconque. Par défaut, cette limite est fixée à 10000, mais vous pouvez l'augmenter jusqu'au nombre de votre choix.

Options générales de construction

Largeur de l'intervalle de confiance (%)
Ce paramètre contrôle les intervalles de confiance pour les prévisions et pour les paramètres du modèle. Vous pouvez spécifier n'importe quelle valeur positive inférieure à 100. Par défaut, un intervalle de confiance de 95 % est utilisé.

Nombre maximal d'entrées pour chaque cible
Ce paramètre spécifie le nombre maximal d'entrées autorisé dans le modèle pour chaque cible. Vous pouvez spécifier un entier sur la plage 1 à 20. Le modèle pour chaque cible inclut toujours ses propres valeurs décalées, et donc si vous spécifiez la valeur 1, la seule entrée est la cible elle-même.

Tolérance du modèle
Ce paramètre spécifie le processus itératif utilisé pour déterminer le jeu d'entrées optimal pour chaque cible. Vous pouvez spécifier n'importe quelle valeur supérieure à zéro. Valeur par défaut : 0.001. La tolérance du modèle est un critère d'arrêt pour la sélection de prédicteur. Elle peut affecter le nombre de prédicteurs inclus dans le modèle final. Mais même si une cible peut se prévoir très bien elle-même, d'autres prédicteurs peuvent ne pas être inclus dans le modèle final. Plusieurs tâtonnements peuvent être nécessaires (par exemple, si vous définissez une valeur trop élevée, vous pourriez la réduire pour voir si d'autres prédicteurs sont inclus ou non).

Seuil valeurs extrêmes (%)
Une observation est marquée comme étant une valeur extrême si la probabilité, calculée depuis le modèle, qu'il s'agisse d'une valeur extrême dépasse ce seuil. Vous pouvez spécifier une valeur dans la plage de 50 à 100.

Nombre de décalages pour chaque entrée
Ce paramètre spécifie le nombre de termes de décalage pour chaque entrée pour chaque cible dans le modèle. Par défaut, le nombre de termes de décalage est déterminé automatiquement à partir de l'intervalle de temps utilisé pour l'analyse. Par exemple, si l'intervalle de temps est défini à Mois (avec un incrément d'un mois), le nombre de décalages est alors de 12. Vous avez la possibilité de spécifier explicitement le nombre de décalages. La valeur spécifiée doit être un entier sur la plage 1 à 20.

Poursuivre l'estimation en utilisant les modèles existants
Si vous avez déjà généré un modèle de causalité temporaire, sélectionnez cette option pour réutiliser les paramètres de critère spécifiés pour ce modèle au lieu d'en construire un nouveau. De la sorte, vous pouvez gagner du temps en générant une nouvelle prévision basée sur les mêmes paramètres de modèle qu'auparavant, mais faisant appel à des données plus récentes.

Séries à afficher

Ces options spécifient les séries (cibles ou entrées) pour lesquelles une sortie est affichée. Le contenu de la sortie pour les séries spécifiées est déterminé par les paramètres **Options de sortie**.

Afficher les cibles associées aux modèles les plus adaptés

Par défaut, la sortie est affichée pour les cibles associées aux 10 modèles les plus adaptés, comme déterminé par la valeur R-carré. Vous pouvez spécifier un nombre fixe différent de modèles les plus adaptés ou un pourcentage de ces modèles. Vous pouvez également sélectionner l'une des mesures suivantes d'adéquation des modèles :

R-carré

Mesure de qualité d'ajustement d'un modèle linéaire, parfois appelée coefficient de détermination. Il s'agit de la proportion de la variation de la variable cible, expliquée par le modèle. Elle varie entre 0 et 1. Des valeurs faibles indiquent que le modèle n'est pas bien ajusté aux données.

Pourcentage d'erreur quadratique moyenne

Mesure illustrant l'ampleur de l'écart entre les valeurs prévues par le modèle et les valeurs observées dans les séries. Elle est indépendante des unités utilisées et peut donc servir pour comparer les séries comportant des unités différentes.

Ecart type moyen

La racine carrée de l'erreur quadratique moyenne. Une mesure de la variation de la série dépendante par rapport au niveau de prédiction, exprimée dans les mêmes unités que la séries dépendante.

BIC

normalisé. Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur le log de vraisemblance réduit -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. Le critère BIC (Bayesian Information Criterion) "pénalise" lui aussi les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un nombre élevé d'entrées, par exemple), mais de façon plus stricte que le critère AIC (Akaike's Information Criterion).

AIC

Critère d'information d'Akaike. Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur le log de vraisemblance réduit -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AIC "pénalise" les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un grand nombre d'entrées, par exemple).

Spécifier des séries individuelles

Vous pouvez spécifier des séries individuelles pour lesquelles générer une sortie.

- Pour les données basées colonnes, spécifiez les champs contenant les séries voulues. L'ordre des champs spécifiés détermine leur ordre d'apparition dans la sortie.
- Pour les données multidimensionnelles; spécifiez une série spécifique en ajoutant une entrée dans la grille pour le champ de métrique qui contient la série. Spécifiez ensuite les valeurs des champs de dimension qui définissent la série.
  - Vous pouvez entrer directement dans la grille la valeur pour chaque champ de dimension ou la sélectionner dans la liste des valeurs de dimension disponibles. Pour effectuer une sélection dans cette liste, cliquez sur les points de suspension dans la cellule correspondant à la dimension voulue. Cette action ouvre la sous-boîte de dialogue Sélectionnez une valeur pour Dimension.
  - Vous pouvez effectuer une recherche dans la liste des valeurs de dimension depuis la sous-boîte de dialogue Sélectionnez une valeur pour Dimension en cliquant sur l'icône en forme de jumelles et en spécifiant un terme de recherche. Les espaces sont considérés faire partie du terme de recherche. Les astérisques (*) dans le terme de recherche ne correspondent pas à des caractères génériques.
  - L'ordre des séries dans la grille détermine leur ordre d'apparition dans la sortie.

Pour les données basées colonnes, tout comme pour les données multidimensionnelles, la sortie est limitée à 30 séries. Cette limite inclut les séries individuelles (entrées ou cibles) que vous spécifiez,

ainsi que les cibles associées aux modèles les plus adaptés. Les séries spécifiées individuellement sont prioritaires sur les cibles associées aux modèles les plus adaptés.

Options de sortie

Ces options spécifient le contenu de la sortie. Les options du groupe **Sortie pour cibles** génèrent une sortie pour les cibles associées avec les modèles les plus adaptés dans les paramètres **Séries à afficher**. Les options du groupe **Sortie pour séries** génèrent une sortie pour les séries individuelles spécifiées dans les paramètres **Séries à afficher**.

Système de modèle global

Affiche une représentation graphique des relations de causalité entre les séries dans le système modèle. Des tables de statistiques d'ajustement du modèle et des valeurs extrêmes pour les cibles affichées sont incluses dans l'élément en sortie. Lorsque cette option est sélectionnée dans le groupe **Sortie pour séries**, un élément en sortie distinct est créé pour chaque série individuelle spécifiée dans les paramètres **Séries à afficher**.

Les relations de causalité ont un niveau d'importance associé, où un niveau plus faible indique une connexion plus significative. Vous pouvez indiquer de masquer les relations dont le niveau d'importance est supérieur à une valeur spécifiée.

Qualité de l'ajustement : statistiques et valeurs extrêmes
Tables de statistiques d'ajustement du modèle et des valeurs extrêmes pour les séries cibles sélectionnées pour leur affichage. Ces tables contiennent les mêmes informations que celles de la vue Système de modèle global. Ces tables prennent en charge toutes les fonctions standard pour pivotement et édition de tables.

Effets du modèle et paramètres du modèle
Tables des tests d'effets du modèle et des paramètres du modèle pour les séries cibles sélectionnées pour leur affichage. Les tests d'effets du modèle incluent les statistiques F et la valeur de signification associée à chaque entrée incluse dans le modèle.

Diagramme d'impact

Affiche une représentation graphique des relations de causalité entre la série qui vous intéresse et d'autres séries qu'elle affecte ou qui l'affectent. Les séries qui affectent celle qui vous intéresse sont désignées comme *causes*. La sélection de **Effets** génère un diagramme d'impact qui est initialisé pour afficher les effets. La sélection de **Causes** génère un diagramme d'impact qui est initialisé pour afficher les causes. La sélection de **Causes et effets** génère deux diagrammes d'impact distincts, l'un étant initialisé pour afficher les causes, et l'autre, pour afficher les effets. Vous pouvez basculer interactivement entre causes et effets dans l'élément en sortie qui affiche le diagramme d'impact.

Vous pouvez sélectionner le nombre de niveaux de causes ou d'effets à afficher, le premier niveau étant simplement la série qui vous intéresse. Chaque niveau supplémentaire présente des causes ou des effets plus indirects de la série qui vous intéresse. Par exemple, le troisième niveau dans l'affichage consiste des séries contenant des séries dans le second niveau en tant qu'entrée directe. Les séries du troisième niveau sont donc affectées indirectement par la série qui vous intéresse puisque celle -ci est une entrée directe pour les séries du second niveau.

Tracé des séries
Tracé des valeurs observées et des valeurs prévues pour les séries cibles sélectionnées pour leur affichage. Lorsque des prévisions sont demandées, le tracé indique également les valeurs anticipées et les intervalles de confiance pour les prévisions.

Tracé résiduels
Tracés des résidus du modèle pour les séries cibles sélectionnées pour leur affichage.

Principales entrées
Tracé de chaque cible affichée, au fil du temps, avec les trois principales entrées pour la cible. Il s'agit des entrées avec la plus faible valeur de signification. Pour composer avec des échelles différentes pour les entrées et les cibles, l'axe des Y représente le score z pour chaque série.

Tableau des prévisions
Tableaux des valeurs prévues et des intervalles de confiance de ces prévisions pour les séries cibles sélectionnées pour leur affichage.

Analyse de la cause première des valeurs extrêmes
Détermine quelles sont les séries les plus probablement à l'origine de chaque valeur extrême dans la série qui vous intéresse. Une analyse de la cause première des valeurs extrêmes est effectuée pour chaque série cible incluse dans la liste des séries individuelles dans les paramètres **Séries à afficher**.

Sortie

Tableau et graphique interactifs des valeurs extrêmes
Tableau et graphique des valeurs extrêmes et de leurs causes premières pour chaque série qui vous intéresse. Le tableau contient une seule ligne pour chaque valeur extrême. Le graphique est un diagramme d'impact. La sélection d'une ligne du tableau met en évidence dans le diagramme d'impact le chemin de la série qui vous intéresse vers la série le plus probablement à l'origine de la valeur extrême associée.

Tableau croisé des valeurs extrêmes
Tableau des valeurs extrêmes et de leurs causes premières pour chaque série qui vous intéresse. Cette table contient les mêmes informations que la table dans l'affichage interactif. Elle prend en charge toutes les fonctions standard pour pivotement et édition de tables.

Niveaux de causalité
Vous pouvez spécifier le nombre de niveaux à inclure dans la recherche des causes premières. Le concept de niveaux utilisé ici est le même que celui décrit pour les diagrammes d'impact.

Qualité du modèle par rapport à tous les modèles
Histogramme de la qualité de l'ajustement pour tous les modèles et des statistiques d'ajustement sélectionnées. Les statistiques d'ajustement suivantes sont disponibles :

R-carré
Mesure de qualité d'ajustement d'un modèle linéaire, parfois appelée coefficient de détermination. Il s'agit de la proportion de la variation de la variable cible, expliquée par le modèle. Elle varie entre 0 et 1. Des valeurs faibles indiquent que le modèle n'est pas bien ajusté aux données.

Pourcentage d'erreur quadratique moyenne
Mesure illustrant l'ampleur de l'écart entre les valeurs prévues par le modèle et les valeurs observées dans les séries. Elle est indépendante des unités utilisées et peut donc servir pour comparer les séries comportant des unités différentes.

Ecart type moyen
La racine carrée de l'erreur quadratique moyenne. Une mesure de la variation de la série dépendante par rapport au niveau de prédiction, exprimée dans les mêmes unités que la séries dépendante.

BIC
normalisé. Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur le log de vraisemblance réduit -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. Le critère BIC (Bayesian Information Criterion) "pénalise" lui aussi les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un nombre élevé d'entrées, par exemple), mais de façon plus stricte que le critère AIC (Akaike's Information Criterion).

AIC
Critère d'information d'Akaike. Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur le log de vraisemblance réduit -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AIC "pénalise" les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un grand nombre d'entrées, par exemple).

Valeurs extrêmes dans le temps
Graphique à barres du nombre de valeurs extrêmes entre toutes les cibles pour chaque intervalle de temps sur la période d'estimation.

Transformations de série
Tableau des transformations éventuelles appliquées aux séries dans le système modèle. Les transformations possibles sont l'imputation de valeur manquante, l'agrégation et la distribution.

Période d'estimation

Par défaut, la période d'estimation commence au moment de l'observation la plus ancienne et se finit au moment de la dernière observation sur toutes les séries.

Par heure de début et de fin
Vous pouvez spécifier à la fois le début et la fin de la période d'estimation, ou juste son début ou sa fin. Si vous omettez d'indiquer le début ou la fin de la période d'estimation, la valeur par défaut est utilisée.

- Si les observations sont définies par un champ de date/heure, entrez des valeurs de début et de fin dans le même format que celui utilisé pour le champ de date/heure.
- Pour les observations définies par des périodes cycliques, spécifiez une valeur pour chacune des zones de période cyclique. Chaque champ est affiché dans une colonne distincte.

Par intervalle de temps le plus récent ou le plus ancien

Définit la période d'estimation en fonction du nombre d'intervalles de temps spécifié commençant au plus ancien ou se terminant au plus récent dans les données, avec un décalage facultatif. Dans ce contexte, l'intervalle de temps se réfère à celui de l'analyse. Supposons, par exemple, que les observations sont mensuelles mais que l'intervalle de temps de l'analyse couvre des trimestres. Si vous spécifiez **Le plus récent** avec la valeur 24 pour le **Nombre d'intervalles de temps**, ceci signifie que la période d'estimation porte sur les 24 derniers trimestres.

Vous avez la possibilité de spécifier un nombre d'intervalles de temps à exclure. Par exemple, si vous spécifiez les 24 intervalles de temps les plus récents et 1 pour le nombre d'intervalles à exclure, la période d'estimation couvrira les 24 intervalles qui précédent le plus récent.

Options de modèle

Nom de modèle
Vous pouvez spécifier un nom personnalisé pour le modèle ou accepter celui généré automatiquement, à savoir *TCM*.

Prévision
L'option **Etendre les enregistrements dans le futur** définit le nombre d'intervalles de temps sur lesquels effectuer des prévisions au-delà de la période d'estimation. L'intervalle de temps dans ce cas est celui de l'analyse, tel que spécifié dans l'onglet Spécifications des données. Lorsque des prévisions sont demandées, des modèles autorégressifs sont construits automatiquement pour chaque série d'entrée ne constituant pas également une cible. Ces modèles sont ensuite utilisés pour générer des valeurs pour ces séries d'entrée sur la période de prévision. Il n'existe pas de limite maximale pour ce paramètre.

Sortie interactive

La sortie de la modélisation de causalité temporelle comporte un certain nombre d'objets en sortie interactifs. Les fonctions interactives sont accessibles en activant (par un double-clic) l'objet dans le Visualiseur de sortie.

Système de modèle global
Affiche les relations de causalité entre les séries dans le système modèle. Toutes les lignes qui connectent une cible spécifique à ses entrées ont la même couleur. L'épaisseur de la ligne indique le niveau d'importance de la connexion causale, les lignes plus épaisses dénotant une importance plus significative. Les entrées qui ne constituent pas également des cibles sont représentées par un carré noir.

- Vous pouvez afficher les relations pour les principaux modèles, une série spécifiée, toutes les séries, ou les modèles dépourvus d'entrées. Les modèles principaux sont ceux conformes aux

critères spécifiés pour les modèles avec la meilleure adéquation dans les paramètres **Séries à afficher**.

- Vous pouvez générer des diagrammes d'impact pour une ou plusieurs séries en sélectionnant le nom de ces séries dans le diagramme, en cliquant avec le bouton droit de la souris, puis en sélectionnant **Créer un diagramme d'impact** dans le menu contextuel.
- Vous pouvez opter de masquer les relations de causalité avec un niveau d'importance supérieur à une valeur spécifiée. Des niveaux d'importance moindres indiquent une relation de causalité plus significative.
- Vous pouvez afficher les relations d'une série donnée en sélectionnant son nom dans le graphique, en cliquant avec le bouton droit de la souris et en sélectionnant **Mettre en évidence les relations des séries** dans le menu contextuel.

Diagramme d'impact
Affiche une représentation graphique des relations de causalité entre la série qui vous intéresse et d'autres séries qu'elle affecte ou qui l'affectent. Les séries qui affectent celle qui vous intéresse sont désignées comme *causes*.

- Vous pouvez changer les séries qui vous intéressent en spécifiant le nom de la série voulue. Un double-clic sur un noeud dans le diagramme d'impact remplace la série qui vous intéresse par celle associée à ce noeud.
- Vous pouvez basculer l'affichage entre causes et effets et modifier le nombre de niveaux de causes et effets à afficher.
- Un clic sur un noeud quelconque ouvre un diagramme de séquence détaillé pour la série associée à ce noeud.

Analyse de la cause première des valeurs extrêmes
Détermine quelles sont les séries les plus probablement à l'origine de chaque valeur extrême dans la série qui vous intéresse.

- Vous pouvez afficher la cause première de n'importe quelle valeur extrême en sélectionnant sa ligne dans le tableau Valeurs extrêmes. Vous pouvez également afficher sa cause première en cliquant sur l'icône de la valeur extrême dans le diagramme de séquence.
- Un clic sur un noeud quelconque ouvre un diagramme de séquence détaillé pour la série associée à ce noeud.

Qualité globale du modèle
Histogramme d'adéquation pour tous les modèles et pour une statistique d'adéquation spécifique. Un clic sur une barre du diagramme filtre le tracé des points en n'affichant que les modèles associés à la barre sélectionnée. Vous pouvez identifier le modèle d'une série cible spécifique dans le tracé de points en spécifiant le nom de la série.

Distribution des valeurs extrêmes
Graphique à barres du nombre de valeurs extrêmes entre toutes les cibles pour chaque intervalle de temps sur la période d'estimation. Un clic sur une barre du diagramme filtre le tracé des points en n'affichant que les valeurs extrêmes associées à la barre sélectionnée.

Nugget de modèle TCM

L'opération de modélisation TCM crée un certain nombre de nouveaux champs avec le préfixe $TCM, comme illustré dans le tableau suivant.

Tableau 27. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation TCM

Nom de champ	Description
$TCM-*nom_colonne*	La valeur prévue par le modèle pour chaque série de cibles.
$TCMLCI-*nom_colonne*	Intervalles de confiance inférieurs pour chaque série de la prévision.
$TSUCI-*nom_colonne*	Intervalles de confiance supérieurs pour chaque série de la prévision.

Tableau 27. Nouveaux champs créés par l'opération de modélisation TCM (suite)	
$TCMResidual-*nom_colonne*	Valeur du résidu de bruit pour chaque colonne de données du modèle généré.

Paramètres du nugget de modèle TCM

L'onglet Paramètres fournit des options supplémentaires pour le nugget de modèle TCM.

Prévision

L'option **Etendre les enregistrements dans le futur** définit le nombre d'intervalles de temps sur lesquels effectuer des prévisions au-delà de la période d'estimation. L'intervalle de temps dans ce cas est celui de l'analyse, tel que spécifié dans l'onglet Spécifications des données du noeud TCM. Lorsque des prévisions sont demandées, des modèles autorégressifs sont construits automatiquement pour chaque série d'entrée ne constituant pas également une cible. Ces modèles sont ensuite utilisés pour générer des valeurs pour ces séries d'entrée sur la période de prévision.

Rendre disponible pour l'évaluation

Créer de nouveaux champs pour chaque modèle à évaluer. Permet de spécifier les nouveaux champs à créer pour chaque modèle à évaluer.

- **Résidus de bruits.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer un champ (doté du préfixe par défaut $TCM-) pour les résidus de modèle pour chaque champ cible, et de calculer le total de ces valeurs.
- **Limites de confiance supérieure et inférieure.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer des champs (dotés du préfixe par défaut $TCM-) pour les intervalles de confiance inférieur et supérieur, respectivement, pour chaque champ cible, et de calculer le total de ces valeurs.

Cibles incluses pour le calcul du score. Sélectionnez les cibles disponibles à inclure dans le score du modèle.

Scénarios de modèle de causalité temporelle

La procédure Scénarios de modèle de causalité temporelle exécute des scénarios définis par l'utilisateur pour un système de modèle causal temporel à partir des données de l'ensemble de données actif. Un *scénario* est défini par une série temporelle, dénommée *série racine*, et un ensemble de valeurs définies par l'utilisateur pour cette série sur une plage de temps spécifiée. Les valeurs spécifiées sont ensuite utilisées pour générer des prévisions pour les séries temporelles affectées par la série racine. La procédure requiert un fichier de système modèle créé par la procédure Modélisation de causalité temporelle. Il est supposé que l'ensemble de données actif correspond aux même données que celles utilisées pour créer le fichier de système de modèle.

Exemple

A l'aide de la procédure Modélisation de causalité temporelle, un décideur métier a découvert une métrique clé qui affecte un certain nombre d'indicateurs de performance importants. La métrique étant contrôlable, le décideur désire examiner l'effet de diverses valeurs sur la métrique au cours du trimestre suivant. L'analyse est facilement exécutée en chargeant le fichier de système modèle dans la procédure Scénarios de causalité temporelle et en spécifiant les ensembles de valeurs pour la métrique clé.

Définition de la période du scénario

La période de scénario est celle pour laquelle vous spécifiez les valeurs à utiliser pour exécuter vos scénarios. Elle peut débuter avant ou après la fin de la période d'estimation. Vous avez la possibilité de demander des prévisions au-delà de la fin de la période du scénario. Par défaut, les prévisions sont générées jusqu'à la fin de la période du scénario. Tous les scénarios utilisent la même période de scénario et les mêmes spécifications d'échéance des prévisions.

Remarque : Les prévisions commencent à la première période de temps après le début de la période du scénario. Par exemple, si la période du scénario commence le 1er novembre 2014 et que l'intervalle de temps est exprimé en mois, la première prévision portera sur le 1er décembre 2014.

Spécifier par date/heure de début, de fin et de prévision jusqu'à...

- Si les observations sont définies par un champ de date/heure, entrez des valeurs de début, de fin, et de prévision jusqu'à... sous le même format que celui utilisé pour le champ de date/heure. Les valeurs pour les champs de date/heure sont alignées sur le début de l'intervalle de temps associé. Par exemple, si l'intervalle de temps de l'analyse est les mois, la valeur 10/10/2014 sera ajustée au 01/10/2014, à savoir le début du mois.
- Pour les observations définies par des périodes cycliques, spécifiez une valeur pour chacune des zones de période cyclique. Chaque champ est affiché dans une colonne distincte.

Spécifier par intervalles de temps relatifs à la fin de la période d'estimation

Définit le début et la fin en termes du nombre d'intervalles de temps relativement à la fin de la période d'estimation, où l'intervalle de temps est celui de l'analyse. La fin de la période d'estimation est définie comme intervalle de temps 0. Les intervalles de temps avant la fin de la période d'estimation ont des valeurs négatives et ceux après la fin de la période d'estimation ont des valeurs positives. Vous pouvez également spécifier le nombre d'intervalles pour lequel effectuer des prévisions après la fin de la période du scénario. La valeur par défaut est 0.

Supposons, par exemple, que l'intervalle de temps de l'analyse est les mois et que vous spécifiez la valeur 1 pour l'intervalle de début, 3 pour l'intervalle de fin et 1 pour la durée de prévisions au delà. La période du scénario est alors celle des 3 mois qui suivent la fin de la période d'estimation. Des prévisions sont générées pour le second et le troisième mois de la période du scénario et pour un mois de plus au-delà de la fin de la période du scénario.

Ajout de scénarios et de groupes de scénarios

L'onglet Scénarios spécifie les scénarios à exécuter. Pour définir des scénarios, vous devez d'abord spécifier la période du scénario en cliquant sur **Définir la période du scénario**. Les scénarios et les groupes de scénarios (s'appliquent uniquement aux données multidimensionnelles) sont créés en cliquant sur le bouton **Ajouter un scénario** ou **Ajouter un groupe de scénarios** associé. En sélectionnant un scénario ou un groupe de scénarios spécifique dans la grille associée, vous pouvez le modifier, en faire une copie, ou le supprimer.

Données basées colonne

La colonne **Zone racine** dans la grille spécifie la zone de série temporelle dont remplacer les valeurs par celles du scénario. La colonne **Valeurs du scénario** affiche le valeurs du scénario spécifié, de la plus ancienne à la plus récente. Si les valeurs du scénario sont définies par une expression, la colonne affiche l'expression concernée.

Données multidimensionnelles

Scénarios individuels

Chaque ligne de la grille Scénarios individuels spécifie une série temporelle dont les valeurs sont remplacées par celles du scénario spécifié. La série est définie par la combinaison de la zone spécifiée dans la colonne **Métrique racine** et de la valeur spécifiée pour chacune des zones de dimension. Le contenu de la colonne **Valeurs du scénario** est le même que pour les données basées colonnes.

Groupes de scénarios

Un *groupe de scénarios* définit un ensemble de scénarios basés sur un champ de métrique racine unique et plusieurs jeux de valeurs de dimension. Chaque jeu de valeurs de dimension (une valeur par champ de dimension) pour le champ de métrique spécifié définit une série temporelle. Un scénario individuel est ensuite généré pour chaque série temporelle concernée, dont les valeurs sont alors remplacées par celles du scénario. Les valeurs de scénario pour un groupe de scénarios sont spécifiées par une expression, et celle-ci est appliquée à chaque série temporelle dans le groupe.

La colonne **Comptage des séries** affiche le nombre de jeux de valeurs de dimension associés à un groupe de scénarios. La valeur affichée peut être supérieure au nombre réel de séries temporelles associées au groupe de scénarios (une série par jeu). Cette condition survient lorsque certaines combinaisons de valeurs de dimension spécifiées ne correspondent pas aux séries contenues par la métrique racine pour le groupe.

A titre d'exemple de groupe de scénarios, supposons une zone de métrique *advertising* et deux zones de dimension : *region* et *brand*. Vous pouvez définir un groupe de scénarios basé sur *advertising* comme métrique racine et qui inclut toutes les combinaisons de *region* et de *brand*. Vous pourriez alors spécifier `advertising*1.2` comme expression afin d'étudier l'effet d'une augmentation de 20 % de *advertising* pour chacune des séries temporelles associées à la zone *advertising*. Si 4 valeurs de *region* et 2 valeurs de *brand* existent, 8 de ces séries temporelles seront alors présentes, et donc 8 scénarios seront définis par le groupe.

Définition de scénario

Les paramètres de définition d'un scénario varient selon que vos données sont basées colonnes ou multidimensionnelles.

Série racine
Spécifie la série racine pour le scénario. Chaque scénario est basé sur une série racine unique. Dans le cas de données basées colonnes, vous sélectionnez le champ qui définit la série racine. Dans le cas de données multidimensionnelles, vous spécifiez la série racine en ajoutant une entrée dans la grille pour la zone de métrique qui contient la série. Vous définissez ensuite les champs de dimension qui définissent la série racine. Les instructions suivantes s'appliquent lorsque vous spécifiez les valeurs de dimension :

- Vous pouvez entrer directement dans la grille la valeur pour chaque champ de dimension ou la sélectionner dans la liste des valeurs de dimension disponibles. Pour effectuer une sélection dans cette liste, cliquez sur les points de suspension dans la cellule correspondant à la dimension voulue. Cette action ouvre la sous-boîte de dialogue Sélectionnez une valeur pour Dimension.
- Vous pouvez effectuer une recherche dans la liste des valeurs de dimension depuis la sous-boîte de dialogue Sélectionnez une valeur pour Dimension en cliquant sur l'icône en forme de jumelles et en spécifiant un terme de recherche. Les espaces sont considérés faire partie du terme de recherche. Les astérisques (*) dans le terme de recherche ne correspondent pas à des caractères génériques.

Spécifiez les cibles affectées
Utilisez cette option lorsque vous connaissez les cibles spécifiques affectées par la série racine et souhaitez étudier les effets sur ces cibles uniquement. Par défaut, les cibles affectées par la série racine sont déterminées automatiquement. Vous pouvez spécifier l'amplitude des séries affectées par le scénario via des paramètres de l'onglet Options.

Dans le cas de données basées colonne, spécifiez les cibles de votre choix. Dans le cas de données multidimensionnelles, vous spécifiez la série cible ajoutant une entrée dans la grille pour la zone de métrique cible qui contient la série. Par défaut, toutes les séries contenues dans la zone de métrique spécifiée sont incluses. Vous pouvez personnaliser le jeu de séries incluses en personnalisant les valeurs incluses pour une ou plusieurs zones de dimension. Pour personnaliser les valeurs de dimension à inclure, cliquez sur les points de suspension en regard de la dimension voulue. Cette action ouvre la boîte de dialogue Sélectionnez des valeurs pour Dimension.

La colonne **Comptage des séries** (pour données multidimensionnelles) affiche le nombre de jeux de valeurs de dimension spécifiés actuellement pour la métrique racine associée. La valeur affichée peut être supérieure au nombre réel de séries cibles affectées (une série par jeu). Cette condition survient lorsque certaines combinaisons de valeurs de dimension spécifiées ne correspondent pas aux séries contenues par la métrique cible associée.

ID du scénario
Chaque scénario doit avoir un identificateur unique. Cet identificateur est affiché dans la sortie associée au scénario. Aucune restriction n'est imposée quant à la valeur de l'identificateur, à part son unicité.

Spécifier les valeurs de scénario pour la série racine
Utilisez cette option pour spécifier des valeurs explicites pour la série racine sur la période du scénario. Vous devez spécifier une valeur numérique pour chaque intervalle de temps répertorié dans la grille. Vous pouvez obtenir les valeurs de la série racine (réelle ou prévue) pour chaque intervalle dans le scénario en cliquant sur **Lire**, **Prévision**, ou sur **Lire\Prévision**.

Spécifier une expression pour les valeurs de scénario pour la série racine
Vous pouvez définir une expression pour calculer les valeurs de la série racine dans la période du scénario. Vous pouvez entrer l'expression directement ou cliquer sur le bouton représentant une calculatrice et créer l'expression à l'aide du Générateur d'expressions de valeurs de scénario.

- L'expression peut contenir n'importe quelle cible ou entrée dans le système modèle.
- Lorsque la période du scénario s'étend au-delà des données existantes, l'expression est appliquée aux valeurs anticipées des champs dans l'expression.
- Dans le cas de données multidimensionnelles, chaque champ dans l'expression spécifie une série temporelle définie par le champ et les valeurs de dimension spécifiées pour la métrique racine. Ces séries temporelles sont celles utilisées pour évaluer l'expression.

A titre d'exemple, supposons que la zone racine est *advertising* et l'expression `advertising*1.2`. Les valeurs *advertising* utilisées dans le scénario représentent un accroissement de 20 % par rapport aux valeurs existantes.

Remarque : Les scénarios sont créés en cliquant sur **Ajouter un scénario** dans l'onglet Scénarios.

Sélectionner des valeurs de dimension

Pour les données multidimensionnelles, vous pouvez personnaliser les valeurs de dimension qui définissent les cibles affectées par un scénario ou par un groupe de scénarios. Vous pouvez également personnaliser les valeurs de dimension qui définissent le jeu de séries racine pour un groupe de scénarios.

Toutes les valeurs
Spécifie d'inclure toutes les valeurs du champ de dimension actuel. Il s'agit de l'option par défaut.

Sélectionner des valeurs
Utilisez cette option pour spécifier l'ensemble de valeurs pour le champ de dimension actuel. Vous pouvez filtrer le jeu de valeurs pouvant être sélectionnées. Les valeurs conformes à la condition de filtrage apparaissent dans l'onglet **Correspondance** et celles qui n'y correspondent pas figurent dans l'onglet **Sans correspondance** de la liste **Valeurs non sélectionnées**. L'onglet **Toutes** recense toutes les valeurs non sélectionnées, sans considération de condition de filtrage quelconque.

- Vous pouvez utiliser des astérisques (*) comme caractères génériques lorsque vous spécifiez un filtre.
- Pour effacer le filtre en cours, spécifiez une valeur vide pour le terme de recherche dans la boîte de dialogue Filtrer les valeurs affichées.

Pour personnaliser les valeurs de dimension pour les cibles affectées :

1. Dans la boîte de dialogue Définition du scénario ou Définition du groupe de scénarios, sélectionnez la métrique cible pour laquelle vous désirez personnaliser les valeurs de dimension.
2. Cliquez sur les points de suspension dans la colonne de la dimension que vous désirez personnaliser.

Pour personnaliser les valeurs de dimension pour les séries racine d'un groupe de scénarios :

1. Dans la boîte de dialogue Définition du groupe de scénarios, cliquez sur les points de suspension (dans la grille de la série racine) en regard de la dimension que vous désirez personnaliser.

Définition du groupe de scénarios

Séries racine
Spécifie le jeu de séries racine pour le groupe de scénarios. Un scénario individuel est généré pour chaque série temporelle dans le jeu. Vous spécifiez la série racine en ajoutant une entrée à la grille pour la zone de métrique contenant la série voulue. Vous spécifiez ensuite les valeurs des zones

dimension qui définissent le jeu de séries. Par défaut, toutes les séries contenues dans la zone de métrique racine spécifiée sont incluses. Vous pouvez personnaliser le jeu de séries incluses en personnalisant les valeurs incluses pour une ou plusieurs zones de dimension. Pour personnaliser les valeurs de dimension à inclure, cliquez sur les points de suspension en regard d'une dimension. Cette action ouvre la boîte de dialogue Sélectionnez des valeurs pour Dimension.

La colonne **Comptage des séries** affiche le nombre de jeux de valeurs de dimension inclus actuellement pour la métrique racine. La valeur affichée peut être supérieure au nombre réel de séries racine pour le groupe de scénarios (une série par jeu). Cette condition survient lorsque certaines combinaisons de valeurs de dimension spécifiées ne correspondent pas aux séries contenues par la métrique racine.

Spécifiez les séries cibles affectées
Utilisez cette option lorsque vous connaissez les cibles spécifiques affectées par le jeu de séries racine et souhaitez étudier les effets sur ces cibles uniquement. Par défaut, les cibles affectées par chaque série racine sont déterminées automatiquement. Vous pouvez spécifier l'amplitude des séries affectées par chaque scénario individuel via des paramètres de l'onglet Options.

Vous spécifiez une série racine en ajoutant une entrée dans la grille pour la zone de métrique qui contient la série. Par défaut, toutes les séries contenues dans la zone de métrique spécifiée sont incluses. Vous pouvez personnaliser le jeu de séries incluses en personnalisant les valeurs incluses pour une ou plusieurs zones de dimension. Pour personnaliser les valeurs de dimension à inclure, cliquez sur les points de suspension en regard de la dimension voulue. Cette action ouvre la boîte de dialogue Sélectionnez des valeurs pour Dimension.

La colonne **Comptage des séries** affiche le nombre de jeux de valeurs de dimension spécifiés actuellement pour la métrique racine associée. La valeur affichée peut être supérieure au nombre réel de séries cibles affectées (une série par jeu). Cette condition survient lorsque certaines combinaisons de valeurs de dimension spécifiées ne correspondent pas aux séries contenues par la métrique cible associée.

Préfixe de l'ID de scénario
Chaque groupe de scénarios doit avoir un préfixe unique. Ce préfixe est utilisé pour construire un identificateur qui est affiché dans la sortie associée à chaque scénario individuel du groupe de scénarios. L'identificateur d'un scénario individuel est son préfixe, suivi d'un trait de soulignement, puis de la valeur de chaque zone de dimension qui identifie la série racine. Les valeurs de dimension sont séparées par un trait de soulignement. Aucune restriction n'est imposée quant à la valeur du préfixe, à part son unicité.

Expression pour les valeurs de scénario pour les séries racine
Les valeurs de scénario pour un groupe de scénarios sont spécifiées par une expression, laquelle est ensuite utilisée pour calculer les valeurs de chacune des séries racine dans le groupe. Vous pouvez entrer une expression directement ou cliquer sur le bouton représentant une calculatrice et créer l'expression à l'aide du Générateur d'expressions de valeurs de scénario.

- L'expression peut contenir n'importe quelle cible ou entrée dans le système modèle.
- Lorsque la période du scénario s'étend au-delà des données existantes, l'expression est appliquée aux valeurs anticipées des champs dans l'expression.
- Pour chaque série racine du groupe, les zones de l'expression spécifient les séries temporelles définies par ces zones et les valeurs de dimension qui définissent la série racine. Ces séries temporelles sont celles utilisées pour évaluer l'expression. Par exemple, si une série racine est définie par `region='north'` et `brand='X'`, les séries temporelles utilisées dans l'expression sont définies par ces mêmes valeurs de dimension.

A titre d'exemple, supposons que la zone de métrique racine est *advertising* et qu'existent les deux zones de dimension *region* et *brand*. Supposons également que le groupe de scénarios inclut toutes les combinaisons des valeurs de zones de dimension. Vous pourriez alors spécifier `advertising*1.2` comme expression afin d'étudier l'effet d'une augmentation de 20 % de *advertising* pour chacune des séries temporelles associées à la zone *advertising*.

Remarque : Les groupes de scénarios s'appliquent uniquement aux données multidimensionnelles et sont créés en cliquant sur **Ajouter un groupe de scénarios** dans l'onglet Scénarios.

Options

Niveau maximal pour les cibles affectées
Spécifie le nombre maximal de niveaux pour les cibles affectées. Chaque niveau successif, jusqu'au maximum de 5, inclut des cibles affectées plus indirectement par la série racine. Spécifiquement, le premier niveau inclut des cibles pour lesquelles la série racine est une entrée directe. Les cibles du second niveau ont comme entrées directes des cibles du premier niveau, et ainsi de suite. L'augmentation de la valeur de ce paramètre accroît la complexité du calcul et peut affecter les performances.

Nombre maximal de cibles détectées automatiquement
Spécifie le nombre maximal de cibles affectées qui sont automatiquement détectées pour chaque série racine. L'augmentation de la valeur de ce paramètre accroît la complexité du calcul et peut affecter les performances.

Diagramme d'impact
Affiche une représentation graphique des relations de causalité entre la série racine pour chaque scénario et les séries cibles qu'elle affecte. Des tableaux des valeurs du scénario et des valeurs prévues pour les cibles affectées sont inclus dans le cadre de l'élément en sortie. Le graphique inclut des tracés des valeurs prévues des cibles affectées. Un clic sur un noeud quelconque dans le diagramme d'impact ouvre un diagramme de séquence détaillé pour la série associée à ce noeud. Un diagramme d'impact distinct est généré pour chaque scénario.

Tracés de séries
Génère des tracés des séries des valeurs prévues pour chaque cible affectée dans chaque scénario.

Tableaux de prévision et de scénario
Tableaux des valeurs prévues et des valeurs du scénario pour chaque scénario. Ces tableaux contiennent les mêmes informations que celui du diagramme d'impact. Ces tableaux prennent en charge toutes les fonctions standard pour pivotement et édition de tableaux.

Inclure les intervalles de confiance dans les tracés et les tableaux
Spécifie si les intervalles de confiance pour les prévisions du scénario doivent être inclus à la fois dans le graphique et dans la sortie en tableau.

Largeur de l'intervalle de confiance (%)
Ce paramètre contrôle les intervalles de confiance pour les prévisions du scénario. Vous pouvez spécifier n'importe quelle valeur positive inférieure à 100. Par défaut, un intervalle de confiance de 95 % est utilisé.

Noeud Séries temporelles

Le noeud Séries temporelles peut être utilisé avec des données dans un environnement local ou distribué ; dans un environnement distribué, vous pouvez exploiter la puissance d'IBM SPSS Analytic Server. Avec ce noeud, vous pouvez indiquer d'estimer et de générer des modèles de lissage exponentiel, ARIMA (Autoregressive Integrated Moving Average) à 1 facteur ou ARIMA à plusieurs facteurs (ou fonction de transfert) pour les séries temporelles, et de générer des prévisions d'après les données des séries temporelles.

Le **lissage exponentiel** est une méthode qui vise à prévoir des valeurs futures à partir de valeurs pondérées d'observations de séries antérieures. De part sa nature, le lissage exponentiel n'est pas basé sur une compréhension théorique des données. Il prévoit un point à la fois et ajuste ses prévisions en fonction des nouvelles données obtenues. Cette technique permet de prévoir les séries dont se dégagent une tendance et/ou des effets saisonniers. Vous pouvez choisir parmi divers modèles exponentiels qui diffèrent dans leur manière de traiter la tendance et la saison.

Les modèles **ARIMA** mettent à votre disposition des méthodes de modélisation des composantes de tendance et saisonnières plus élaborées que celles proposées par les modèles de lissage exponentiel. En particulier, ils permettent d'inclure des variables indépendantes (prédicteurs) dans le modèle. Cela suppose la spécification explicite des ordres autorégressifs et de moyennes mobiles, ainsi que du degré de différenciation. Vous pouvez inclure des variables de prédicteur et définir des fonctions de transfert pour certaines ou pour toutes, et spécifier la détection automatique des valeurs extrêmes ou d'un ensemble explicite de valeurs extrêmes.

Remarque : Sur le plan pratique, les modèles ARIMA s'avèrent particulièrement utiles pour inclure des prédicteurs susceptibles d'expliquer le comportement des séries en cours de prévision, telles que le nombre de catalogues envoyés par courrier électronique ou le nombre d'accès à la page web d'une société. Les modèles de lissage exponentiel décrivent le comportement des séries temporelles sans essayer d'en analyser les causes. Par exemple, une série, dont l'historique montre qu'elle connaît un pic tous les 12 mois, continuera probablement à se comporter ainsi, même si vous ignorez la raison de ce cycle.

Vous disposez également d'une option **Expert Modeler**, qui tente d'identifier et d'estimer automatiquement le modèle ARIMA ou de lissage exponentiel le mieux adapté pour une ou plusieurs variables cible ; cela évite d'identifier un modèle approprié via une série d'essais et d'erreurs. En cas de doute, utilisez l'option Expert Modeler.

Si des variables de prédicteur sont spécifiées, Expert Modeler sélectionne celles qui présentent une relation significative d'un point de vue statistique avec la série dépendante afin de les inclure dans les modèles ARIMA. Les variables de modèle sont transformées le cas échéant à l'aide de transformation par différenciation, par racine carrée ou par log népérien. Par défaut, Expert Modeler prend en considération tous les modèles de lissage exponentiel et tous les modèles ARIMA, et sélectionne, parmi ceux-ci, le meilleur modèle pour chaque champ cible. Toutefois, vous pouvez faire en sorte que Expert Modeler ne sélectionne que le meilleur des modèles de lissage exponentiel ou que le meilleur des modèles ARIMA. Vous pouvez également indiquer la détection automatique des valeurs éloignées.

Noeud Séries temporelles - Options de champ

Dans l'onglet Champs, vous pouvez choisir d'utiliser les paramètres du rôle de champ déjà définis dans les noeuds en amont, ou de réaliser manuellement des affectations de champs.

Utiliser des rôles prédéfinis Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des cibles, des prédicteurs et d'autres rôles, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste aux divers champs de rôle à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle.

Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cibles. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme cibles pour la prédiction.

Entrées candidates. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées de la prévision. Vous ne pouvez sélectionner que des champs dont le niveau de mesure est continu.

Evénements et interventions. Utilisez cette zone pour indiquer certaines zones de saisie comme zones d'événement ou d'intervention. Cette désignation identifie une zone comme contenant des données de série temporelle qui peuvent être affectées par des événements (situations récurrentes prévisibles, telles que des campagnes publicitaires) ou des interventions (incidents occasionnels, tels qu'une panne de courant ou une grève du personnel). Les champs que vous sélectionnez doivent être des indicateurs dotés d'un stockage d'entier.

Noeud Série temporelle - Options de spécification des données

L'onglet Spécifications des données est celui où vous définissez toutes les options des données à inclure dans votre modèle. A partir du moment où vous spécifiez à la fois un **champ Date/Heure** et un **Intervalle**, vous pouvez cliquer sur le bouton **Exécuter** pour créer un modèle avec toutes les options par défaut, mais normalement vous pouvez personnaliser la création selon vos propres objectifs.

L'onglet contient plusieurs sous-fenêtres dans lesquelles vous définissez les personnalisations propres à votre modèle.

Noeud Séries temporelles - Observations

Utilisez les paramètres de cette sous-fenêtre pour spécifier les champs qui définissent les observations.

Observations spécifiées par un champ de date/heure

Vous pouvez spécifier que les observations sont définies par un champ date, heure ou horodatage. Outre le champ qui définit les observations, sélectionnez l'intervalle de temps approprié qui décrit les observations. Selon l'intervalle de temps choisi, vous pouvez spécifier d'autres paramètres, comme l'intervalle entre les observations (incrément) ou le nombre de jours par semaine. Les considérations suivantes s'appliquent à l'intervalle de temps :

- Utilisez la valeur **Irrégulier** si les observations sont espacées irrégulièrement dans le temps (par exemple l'heure à laquelle une commande d'achat est traitée). Lorsque **Irrégulier** est sélectionné, vous devez spécifier l'intervalle de temps à utiliser pour l'analyse dans le paramètre **Intervalle de temps** de l'onglet Spécifications des données.
- Lorsque les observations représentent une date et heure et que l'intervalle de temps est exprimé en heures, minutes, ou secondes, utilisez **Heures par jour**, **Minutes par jour** ou **Secondes par jour**. Lorsque les observations représentent une durée sans référence à une date et que l'intervalle de temps est exprimé en heures, minutes, ou secondes, utilisez **Heures (non périodique)**, **Minutes (non périodique)**, ou **Secondes (non périodique)**.
- Selon l'intervalle de temps sélectionné, la procédure peut détecter des observations manquantes. La détection d'observations manquantes est nécessaire vu que la procédure suppose que toutes les observations sont également espacées dans le temps et qu'aucune observation ne manque. Par exemple, si l'intervalle de temps choisi est Jours et que la date 2015-10-27 est suivie du 2015-10-29, une observation est manquante pour la date du 2015-10-28. Des valeurs sont attribuées en cas d'observations manquantes ; utilisez la zone **Traitement des valeurs manquantes** de l'onglet Spécifications des données pour spécifier les paramètres de gestion des valeurs manquantes.
- L'intervalle de temps spécifié permet à la procédure de détecter des observations multiples au sein du même intervalle qui doivent être agrégées et d'aligner les observations par rapport à la limite de l'intervalle (par exemple, le premier du mois) pour garantir que les observations soient également espacées. Par exemple, si l'intervalle de temps est défini à Mois, plusieurs dates sur le même mois seront alors agrégées. Ce type d'agrégation est dénommé *regroupement*. Par défaut, les observations sont additionnées lorsqu'elles sont regroupées. Vous pouvez spécifier une méthode de regroupement différente, comme la moyenne des observations, depuis les paramètres **Agrégation et distribution** de l'onglet Spécifications des données.
- Pour certains intervalles de temps, les paramètres supplémentaires peuvent définir une coupure dans les intervalles normalement avec espacement uniforme des observations. Par exemple, si l'intervalle de temps est défini à Jours, mais que seuls les jours ouvrés sont valides, vous pouvez spécifier que le semaine compte cinq jours et qu'elle commence le lundi.

Observations définies comme périodes ou périodes cycliques

Les observations peuvent être définies par un ou plusieurs champs de type entier qui représentent des périodes ou des cycles de périodes répétitifs, à concurrence d'un nombre arbitraire de cycles. Via cette structure, vous pouvez décrire des séries d'observations qui ne se prêtent pas à un intervalle de temps standard. Par exemple, une année fiscale de seulement 10 mois peut être décrite avec un champ de cycle représentant les années et un champ de période représentant les mois, où la longueur d'un cycle est de 10.

Les champs qui spécifient des périodes cycliques définissent une hiérarchie de niveaux périodiques, où le niveau le plus faible est défini par le champ **Période**. Le niveau juste au-dessus est spécifié par un champ cycle dont le niveau est 1, suivi par un champ cycle dont le niveau est 2, et ainsi de suite. Les valeurs de champ pour chaque niveau, à l'exception du plus élevé, doivent être périodiques par rapport au suivant. Les valeurs du niveau le plus haut ne peuvent pas être périodiques. Par exemple, dans le cas de l'année fiscale sur 10 mois, les mois sont périodiques dans les années et les années ne sont pas périodiques.

- La longueur d'un cycle à un niveau donné est la périodicité du prochain niveau au-dessous. Pour l'exemple de l'année fiscale, un seul niveau cycle existe et la longueur du cycle est 10 vu que le prochain niveau au-dessous correspond à des mois et que l'année fiscale spécifiée comporte 10 mois.
- Spécifiez la valeur de départ de chaque champ périodique ne commençant pas à 1. Ce paramètre est nécessaire pour détecter les valeurs manquantes. Par exemple, si un champ périodique commence par la valeur 2 mais que la valeur de départ a été fixée à 1, la procédure suppose l'existence d'une valeur manquante pour la première période dans chaque cycle de ce champ.

Noeud Séries temporelles - Intervalle de temps pour l'analyse

L'intervalle de temps que vous utilisez pour l'analyse peut être différent de celui des observations. Par exemple, si l'intervalle de temps des observations est spécifié comme Jours, vous pourriez choisir Mois comme intervalle de temps pour l'analyse. Les données sont alors agrégées de données quotidiennes en données mensuelles avant la construction du modèle. Vous pouvez également choisir de distribuer les données d'un intervalle de temps plus long sur un intervalle de temps plus court. Par exemple, si les observations sont trimestrielles, vous pouvez les distribuer sur une base mensuelle.

Utilisez les paramètres de cette sous-fenêtre pour spécifier l'intervalle de temps de l'analyse. La méthode d'agrégation ou de distribution des données est spécifiée depuis les paramètres **Agrégation et distribution** dans l'onglet Spécifications des données.

Les choix disponibles pour l'intervalle de temps sur lequel l'analyse est effectuée dépendent de la façon dont les données sont définies et de leur intervalle de temps. En particulier, lorsque les observations sont définies par des périodes cycliques, seule l'agrégation est prise en charge. Dans ce cas, l'intervalle d'analyse doit être supérieur ou égal à celui des observations.

Noeud Séries temporelles - Options d'agrégation et de distribution

Utilisez les paramètres de cette sous-fenêtre pour spécifier les paramètres d'agrégation et de distribution des données d'entrée par rapport aux intervalles de temps des observations.

Fonctions d'agrégation
Lorsque l'intervalle de temps qui est utilisé pour l'analyse est supérieur à l'intervalle des observations, les données d'entrée sont agrégées. Par exemple, l'agrégation s'effectue lorsque l'intervalle de temps des observations est Jours et l'intervalle de temps de l'analyse est Mois. Les fonctions d'agrégation suivantes sont disponibles : moyenne, somme, mode, min ou max.

Fonctions de distribution
Lorsque l'intervalle de temps qui est utilisé pour l'analyse est inférieur à l'intervalle des observations, les données d'entrée sont distribuées. Par exemple, la distribution s'effectue lorsque l'intervalle de temps des observations est Trimestres et l'intervalle de temps de l'analyse est Mois. Les fonctions de distribution suivantes sont disponibles : moyenne ou somme.

Fonctions de regroupement
Le regroupement est appliqué lorsque des observations sont définies par date/heures et que plusieurs observations se produisent dans le même intervalle de temps. Par exemple, si l'intervalle de temps des observations est Mois, plusieurs dates dans le même mois sont regroupées et associées au mois dans lequel elles se produisent. Les fonctions de regroupement suivantes sont disponibles : Moyenne, Somme, Mode, Min ou Max. Le regroupement est toujours effectué lorsque les observations sont définies par des dates et des heures et que leur intervalle de temps est spécifié comme étant irrégulier.

Remarque : bien qu'un regroupement soit une forme d'agrégation, il est effectué avant le traitement des valeurs manquantes, tandis que l'agrégation formelle s'effectue une fois que les valeurs manquantes ont été traitées. Lorsque l'intervalle de temps des observations est spécifié en tant que Irrégulier, l'agrégation est effectuée uniquement avec la fonction de regroupement.

Agréger les observations de la journée à la journée précédente
Spécifie si les observations qui franchissent une limite de journée doivent être agrégées aux valeurs de la journée précédente. Par exemple, pour les observations horaires avec un jour couvrant huit heures et commençant à 20h00, ce paramètre spécifie si les observations situées entre minuit et

04h00 doivent être incluses dans les résultats agrégés de la journée précédente. Ce paramètre s'applique uniquement si l'intervalle de temps des observations est Heures par jour, Minutes par jour ou Secondes par jour et si l'intervalle de temps de l'analyse est Jours.

Paramètres personnalisés pour les champs spécifiés
Vous pouvez spécifier les fonctions d'agrégation, de distribution et de regroupement champ par champ. Ces paramètres remplacent les paramètres par défaut des fonctions d'agrégation, de distribution et de regroupement.

Noeud Séries temporelles - Options de valeurs manquantes

Utilisez les paramètres de cette sous-fenêtre pour spécifier la manière dont les valeurs manquantes des données d'entrée doivent être remplacées par une valeur imputée. Les méthodes de remplacement suivantes sont disponibles :

Interpolation linéaire
Remplace les valeurs manquantes par le biais d'une interpolation linéaire. La dernière valeur valide avant la valeur manquante et la première valeur valide après la valeur manquante sont utilisées pour l'interpolation. Si la première ou la dernière observation de la série a une valeur manquante, les deux valeurs non manquantes les plus proches au début ou à la fin de la série sont utilisées.

Remplace les valeurs manquantes par le biais d'une interpolation linéaire.

- Pour les données non saisonnières, la dernière valeur valide avant la valeur manquante et la première valeur valide après la valeur manquante sont utilisées pour l'interpolation. Si les valeurs manquantes se trouvent au début ou à la fin d'une série temporelle, une méthode d'extrapolation linéaire est utilisée en fonction des deux valeurs valides les plus proches.
- Pour les données saisonnières, une valeur manquante est interpolée de façon linéaire à l'aide de la dernière valeur valide de la même période avant la valeur manquante et de la première valeur valide de la même période après la valeur manquante. Si l'une des deux valeurs de la même période est introuvable pour la valeur manquante, les données sont alors considérées comme des données non saisonnières et l'interpolation linéaire des données non saisonnières est utilisée pour imputer la valeur manquante.

Moyenne de la série
Remplace les valeurs manquantes par la moyenne de toute la série.

Moyenne des points voisins
Remplace les valeurs manquantes par la moyenne des valeurs valides qui les entourent. La sphère des points voisins est le nombre de valeurs valides au-dessus et au-dessous de la valeur manquante qui sont utilisées pour calculer la moyenne.

Valeur médiane des points voisins
Remplace les valeurs manquantes par la médiane des valeurs valides qui les entourent. La sphère des points voisins est le nombre de valeurs valides au-dessus et au-dessous de la valeur manquante qui sont utilisées pour calculer la valeur médiane.

Tendance linéaire
Cette option utilise toutes les observations non manquantes dans la série afin d'alimenter un modèle de régression linéaire simple, qui est ensuite utilisé pour imputer les valeurs manquantes.

Autres paramètres :

Score de qualité de données inférieur (%)
Calcule les mesures de qualité des données pour la variable de temps et pour les données d'entrée correspondant à chaque série temporelle. Si le score de qualité des données est inférieur à ce seuil, la série temporelle correspondante sera annulée.

Noeud Série temporelle - Période d'estimation

Dans la sous-fenêtre Période d'estimation, vous pouvez préciser l'intervalle d'enregistrements à utiliser dans l'estimation du modèle. Par défaut, la période d'estimation commence au moment de l'observation la plus ancienne et se finit au moment de la dernière observation sur toutes les séries.

Par heure de début et de fin

Vous pouvez spécifier à la fois le début et la fin de la période d'estimation, ou juste son début ou sa fin. Si vous omettez d'indiquer le début ou la fin de la période d'estimation, la valeur par défaut est utilisée.

- Si les observations sont définies par un champ de date/heure, entrez des valeurs de début et de fin dans le même format que celui utilisé pour le champ de date/heure.
- Pour les observations définies par des périodes cycliques, spécifiez une valeur pour chacune des zones de période cyclique. Chaque champ est affiché dans une colonne distincte.

Par intervalle de temps le plus récent ou le plus ancien

Définit la période d'estimation en fonction du nombre d'intervalles de temps spécifié commençant au plus ancien ou se terminant au plus récent dans les données, avec un décalage facultatif. Dans ce contexte, l'intervalle de temps se réfère à celui de l'analyse. Supposons, par exemple, que les observations sont mensuelles mais que l'intervalle de temps de l'analyse couvre des trimestres. Si vous spécifiez **Le plus récent** avec la valeur 24 pour le **Nombre d'intervalles de temps**, ceci signifie que la période d'estimation porte sur les 24 derniers trimestres.

Vous avez la possibilité de spécifier un nombre d'intervalles de temps à exclure. Par exemple, si vous spécifiez les 24 intervalles de temps les plus récents et 1 pour le nombre d'intervalles à exclure, la période d'estimation couvrira les 24 intervalles qui précédent le plus récent.

Noeud Série temporelle - Options de création

L'onglet Options de création est celui où vous définissez toutes les options de création de votre modèle. Vous pouvez bien sûr cliquer simplement sur le bouton **Exécuter** pour créer un modèle avec toutes les options par défaut, mais normalement vous pouvez personnaliser la création selon vos propres objectifs.

L'onglet contient plusieurs sous-fenêtres dans lesquelles vous définissez les personnalisations propres à votre modèle.

Noeud Séries temporelles - Options générales de création

Les options disponibles dans cette sous-fenêtre dépendent du paramètre que vous choisissez parmi les trois de la liste **Méthode** :

- **Expert Modeler.** Sélectionnez cette option pour utiliser Expert Modeler, qui recherche automatiquement le modèle le mieux adapté pour chaque série dépendante.
- **Lissage exponentiel.** Utilisez cette option pour indiquer un modèle de lissage exponentiel personnalisé.
- **ARIMA.** Utilisez cette option pour indiquer un modèle ARIMA personnalisé.

Expert Modeler

Sous **Type de modèle**, sélectionnez le type de modèles que vous voulez générer :

- **Tous les modèles.** Expert Modeler considère aussi bien les modèles ARIMA que ceux de lissage exponentiel.
- **Modèles de lissage exponentiel uniquement.** Expert Modeler ne prend en considération que les modèles de lissage exponentiel.
- **Modèles ARIMA uniquement.** Expert Modeler ne prend en considération que les modèles ARIMA.

Expert Modeler prend en compte les modèles saisonniers. Cette option n'est activée que si une périodicité a été définie pour l'ensemble de données actif. Lorsque cette option est sélectionnée, Expert Modeler prend en considération les modèles saisonniers et non saisonniers. Si cette option n'est pas sélectionnée, Expert Modeler considère uniquement les modèles non saisonniers.

Expert Modeler prend en compte les modèles de lissage exponentiels. Lorsque cette option est sélectionnée, Expert Modeler recherche un total de 13 modèles de lissage exponentiel (7 d'entre eux ont existé dans le noeud Séries temporelles d'origine et 6 d'entre eux ont été ajoutés à la version 18.1). Si

cette option n'est pas sélectionnée, Expert Modeler recherche uniquement les 7 modèles de lissage exponentiel d'origine.

Sous **Valeurs extrêmes**, choisissez parmi les options suivantes :

Détecter les valeurs extrêmes automatiquement. Par défaut, la détection automatique de valeurs extrêmes n'est pas exécutée. Sélectionnez cette option pour procéder à la détection automatique des valeurs extrêmes, puis sélectionnez les types de valeur extrême qui vous intéressent.

Les champs d'entrée doit avoir un niveau de mesure *Indicateur*, *Nominal*, ou *Ordinal* et doivent être numériques (par exemple, 1/0, pas Vrai/Faux, pour un champ indicateur) avant d'être inclus dans cette liste.

Expert Modeler n'envisage qu'une régression simple et ignore les fonctions de transfert arbitraires pour les entrées identifiées en tant que champs d'événement ou d'intervention dans l'onglet **Champs**.

Lissage exponentiel

Type de modèle. Les modèles de lissage exponentiel sont de type soit saisonnier, soit non saisonnier.[1] Les modèles saisonniers ne sont disponibles que si la périodicité définie à l'aide du panneau Intervalle de temps est saisonnière. Les périodicités saisonnières sont les suivantes : périodes cycliques, années, trimestres, mois, jours par semaine, heures par jour, minutes par jour et secondes par jour. Les types de modèle suivants sont disponibles :

- **Simple.** Ce modèle est approprié aux séries dont ne se dégage aucune tendance ou effet saisonnier. Son seul paramètre de lissage pertinent est le niveau. Le lissage exponentiel simple ressemble sensiblement à une ARIMA avec aucun ordre d'autorégression, un ordre de différenciation, un ordre de moyenne mobile et aucune constante.
- **Tendance linéaire de Holt.** Ce modèle est approprié aux séries dont se dégage une tendance linéaire, mais aucun effet saisonnier. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau et la tendance. Dans ce modèle, la valeur d'un paramètre n'est pas tributaire de celle d'un autre paramètre. Le modèle de Holt est plus général que le modèle de Brown, mais il prend plus de temps pour calculer les estimations pour les grandes séries. Le lissage exponentiel de Holt ressemble sensiblement à une ARIMA avec aucun ordre d'autorégression, deux ordres de différenciation et deux ordres de moyenne mobile.
- **Tendance amortie.** Ce modèle est approprié aux séries dont se dégage une tendance linéaire qui s'éteint, mais aucun effet saisonnier. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance et la tendance avec amortissement. Le lissage exponentiel amorti ressemble sensiblement à une ARIMA avec un ordre d'autorégression, un ordre de différenciation et deux ordres de moyenne mobile.
- **Tendance multiplicative.** Ce modèle est approprié aux séries dont se dégage une tendance qui varie en fonction de la valeur des séries, mais aucun effet saisonnier. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau et la tendance. Le lissage exponentiel de tendance multiplicative ne ressemble à aucun modèle ARIMA.
- **Tendance linéaire de Brown.** Ce modèle est approprié aux séries dont se dégage une tendance linéaire, mais aucun effet saisonnier. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau et la tendance, mais, dans ce modèle, ils sont supposés égaux. Par conséquent, le modèle de Brown est un cas particulier du modèle de Holt. Le lissage exponentiel de Brown ressemble sensiblement à une ARIMA avec aucun ordre d'autorégression, deux ordres de différenciation et deux ordres de moyenne mobile, le coefficient du deuxième ordre de moyenne mobile étant égal à la moitié du coefficient du premier ordre élevé au carré.
- **Saisonnier simple.** Ce modèle est approprié aux séries ne présentant pas de tendance et un effet saisonnier constant dans le temps. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau et la saison. Le lissage exponentiel saisonnier ressemble sensiblement à une ARIMA avec aucun ordre d'autorégression, un ordre de différenciation, un ordre de différenciation saisonnier, ainsi que 1, *p* et *p* +1 ordres de moyenne mobile, où *p* représente le nombre de périodes dans un intervalle saisonnier. Pour les données mensuelles, *p* a pour valeur 12.

[1] Gardner, E. S. 1985. Exponential smoothing: The state of the art. *Journal of Forecasting,* 4, 1-28.

- **Modèle additif de Winters.** Ce modèle est approprié aux séries présentant une tendance linéaire et un effet saisonnier constant dans le temps. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance et la saison. Le lissage exponentiel additif de Winters ressemble sensiblement à une ARIMA avec aucun ordre d'autorégression, un ordre de différenciation, un ordre de différenciation saisonnière et *p*+1 ordres de moyenne mobile, où *p* représente le nombre de périodes dans un intervalle saisonnier. Pour les données mensuelles, *p* a pour valeur 12.
- **Tendance réduite avec saisonnalité additive.** Ce modèle est approprié aux séries présentant une tendance linéaire avec amortissement et un effet saisonnier constant dans le temps. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance, la tendance avec amortissement et la saison. La tendance réduite et le lissage exponentiel avec saisonnalité additive ne ressemble à aucun modèle ARIMA.
- **Tendance multiplicative avec saisonnalité additive.** Ce modèle est approprié aux séries présentant une tendance qui varie en fonction de la valeur des séries et un effet saisonnier constant dans le temps. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance et la saison. La tendance multiplicative et le lissage exponentiel avec saisonnalité additive ne ressemble à aucun modèle ARIMA.
- **Saisonnalité multiplicative.** Ce modèle est approprié aux séries dont ne se dégage aucune tendance mais qui présentent un effet saisonnier qui varie en fonction de la valeur des séries. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau et la saison. Le lissage exponentiel avec saisonnalité multiplicative ne ressemble à aucun modèle ARIMA.
- **Modèle multiplicatif de Winters.** Ce modèle est approprié aux séries qui présentent une tendance linéaire et un effet saisonnier qui varie en fonction de la valeur des séries. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance et la saison. Le lissage exponentiel multiplicatif de Winter n'est pas similaire à un modèle ARIMA.
- **Tendance réduite avec saisonnalité multiplicative.** Ce modèle est approprié aux séries qui présentent une tendance linéaire qui décroît et un effet saisonnier qui varie en fonction de la valeur des séries. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance, la tendance réduite et la saison. La tendance réduite et le lissage exponentiel avec saisonnalité multiplicative ne ressemble à aucun modèle ARIMA.
- **Tendance multiplicative avec saisonnalité multiplicative.** Ce modèle est approprié aux séries qui présentent une tendance et un effet saisonnier qui varient tous les deux en fonction de la valeur des séries. Ses paramètres de lissage pertinents sont le niveau, la tendance et la saison. La tendance multiplicative et le lissage exponentiel avec saisonnalité multiplicative ne ressemble à aucun modèle ARIMA.

Transformation cible. Vous pouvez indiquer qu'une transformation doit être effectuée sur chaque variable dépendante avant que celle-ci ne soit modélisée.

- **Aucun.** Aucune transformation n'est effectuée.
- **Racine carrée.** Une transformation par la racine carrée est effectuée.
- **Log naturel.** Une transformation par le logarithme naturel est effectuée.

ARIMA

Spécifiez la structure d'un modèle ARIMA personnalisé.

Ordres ARIMA. Entrez des valeurs pour les différentes composantes ARIMA de votre modèle dans les cellules correspondantes de la grille. Toutes les valeurs doivent être des entiers non négatifs. Pour les composants autorégressifs et de moyenne mobile, la valeur représente l'ordre maximum. Tous les ordres inférieurs positifs sont inclus dans le modèle. Par exemple, si vous spécifiez 2, le modèle comprend les ordres 2 et 1. Les cellules de la colonne Saisonnier ne sont activées que si une périodicité est définie pour l'ensemble de données actif.

- **Autorégressif (p).** Le nombre d'ordres autorégressifs dans le modèle. Les ordres autorégressifs indiquent quelles valeurs précédentes de la série seront utilisées pour prévoir les valeurs en cours. Par exemple, un ordre autorégressif de 2 indique que la valeur de la série de deux périodes antérieures est utilisée pour prévoir la valeur en cours.
- **Différence (d).** Spécifie l'ordre de différenciation appliqué à la série avant d'estimer les modèles. La différenciation est nécessaire lorsque les tendances sont présentes (les séries avec tendances sont en

général non stationnaires et la modélisation ARIMA suppose la stationnarité) et est utilisée pour supprimer leurs effets. L'ordre de différenciation correspond au degré de tendance de série ; aux comptes de différenciation de premier ordre pour les tendances linéaires, aux comptes de différenciation de second ordre pour les tendances quadratiques, etc.

- **Moyenne mobile (q).** Le nombre d'ordres de moyenne mobile dans le modèle. Les ordres de moyenne mobile indiquent comment les écarts de la moyenne de la série pour les valeurs précédentes sont utilisés pour prévoir les valeurs en cours. Par exemple, des ordres de moyenne mobile de 1 et 2 indiquent que les écarts de la valeur de la moyenne de la série pour chacune des deux dernières périodes doivent être considérés lors de la prévision des valeurs actuelles de la série.

Saisonnier. Les composants autorégressifs, de moyenne mobile et de différenciation saisonniers tiennent le même rôle que leurs équivalents non saisonniers. Cependant, pour les ordres saisonniers, les valeurs en cours de la série sont affectées par les valeurs de série précédentes séparées par une ou plusieurs périodes saisonnières. Par exemple, pour des données mensuelles (période saisonnière de 12), un ordre saisonnier de 1 indique que la valeur de série en cours est affectée par les 12 périodes de la valeur de série précédant celle en cours. Un ordre saisonnier de 1, pour des données mensuelles, est alors le même que lorsqu'on spécifie un ordre non saisonnier de 12.

Détecter les valeurs extrêmes automatiquement. Sélectionnez cette option pour effectuer une détection automatique des valeurs extrêmes et sélectionnez un ou plusieurs des types de valeur extrême disponibles.

Type de valeurs extrêmes à détecter. Sélectionnez les types de valeur extrême à détecter. Les types pris en charge sont :

- Additif (sélectionné par défaut)
- Changement de niveau (sélectionné par défaut)
- Innovation
- Transitoire
- Additif saisonnier
- Tendance locale
- Correctif additif

Ordres de fonction de transfert et transformations. Pour spécifier les transformations et définir des fonctions de transfert pour les champs d'entrée de votre choix dans votre modèle ARIMA, cliquez sur **Définir** ; une boîte de dialogue distincte s'affiche pour vous permettre d'entrer les détails du transfert et de la transformation.

Inclure la constante dans le modèle. L'inclusion d'une constante est normale, à moins que vous ne soyez sûr que la valeur de série de la moyenne générale est 0. L'exclusion de la constante est recommandée lorsque la différenciation s'applique.

Détails supplémentaires

- Pour plus d'informations sur les types de valeurs extrêmes, voir «Valeurs extrêmes», à la page 296.
- Pour plus d'informations sur les fonctions de transfert et de transformation, voir «Fonctions de transfert et transformation», à la page 329.

Fonctions de transfert et transformation

La boîte de dialogue Ordres de fonction de transfert et transformations permet de spécifier les transformations et de définir des fonctions de transfert pour les champs d'entrée de votre choix dans votre modèle ARIMA.

Transformations cible. Dans cette sous-fenêtre, vous pouvez indiquer qu'une transformation doit être effectuée sur chaque variable cible avant que celle-ci ne soit modélisée.

- **Aucun.** Aucune transformation n'est effectuée.
- **Racine carrée.** Une transformation par la racine carrée est effectuée.

- **Log naturel.** Une transformation par le logarithme naturel est effectuée.

Transformation et fonctions de transfert des entrées candidates. Les fonctions de transfert permettent de spécifier la manière dont les valeurs passées des champs d'entrée sont utilisées pour la prévision des valeurs futures des séries cible. La liste de gauche de la sous-fenêtre affiche tous les champs d'entrée. Les autres informations de cette sous-fenêtre sont spécifiques au champ d'entrée que vous sélectionnez.

Ordres de fonction de transfert. Entrez des valeurs pour les différents composants de la fonction de transfert dans les cellules correspondantes de la grille **Structure**. Toutes les valeurs doivent être des entiers non négatifs. Pour les composants numérateur et dénominateur, la valeur représente l'ordre maximum. Tous les ordres inférieurs positifs sont inclus dans le modèle. En outre, l'ordre 0 est toujours inclus pour les composants numérateur. Par exemple, si vous spécifiez 2 comme numérateur, le modèle comprend les ordres 2, 1 et 0. Si vous indiquez 3 en guise de dénominateur, le modèle comporte les ordres 3, 2 et 1. Les cellules de la colonne Saisonnier ne sont activées que si une périodicité est définie pour le jeu de données actif.

Numérateur. L'ordre du numérateur de la fonction de transfert détermine les valeurs précédentes de la série indépendante sélectionnée (prédicteur) qui sont utilisées pour la prévision des valeurs actuelles de la série dépendante. Par exemple, un ordre de numérateur de 1 indique que la valeur d'une série indépendante d'une période antérieure, en plus de la valeur en cours de la série indépendante, sont utilisées pour prévoir la valeur en cours de chaque série dépendante.

Dénominateur. L'ordre du dénominateur de la fonction de transfert détermine la manière dont les écarts par rapport à la moyenne de la série, pour les valeurs précédentes de la série indépendante sélectionnée (prédicteur), sont utilisés pour la prévision des valeurs actuelles de la série dépendante. Par exemple, un ordre de dénominateur de 1 indique que les écarts de la valeur moyenne d'une série indépendante d'une période antérieure sont pris en compte lors de la prévision de la valeur en cours de chaque série dépendante.

Différence. Spécifie l'ordre de différenciation appliqué à la série indépendante (prédicteur) avant d'estimer les modèles. La différenciation est nécessaire lorsque les tendances sont présentes et est utilisée pour supprimer leur effet.

Saisonnier. Les composants numérateur, dénominateur et de différenciation saisonniers tiennent le même rôle que leurs équivalents non saisonniers. Cependant, pour les ordres saisonniers, les valeurs en cours de la série sont affectées par les valeurs de série précédentes séparées par une ou plusieurs périodes saisonnières. Par exemple, pour des données mensuelles (période saisonnière de 12), un ordre saisonnier de 1 indique que la valeur de série en cours est affectée par les 12 périodes de la valeur de série précédant celle en cours. Un ordre saisonnier de 1, pour des données mensuelles, est alors le même que lorsqu'on spécifie un ordre non saisonnier de 12.

Délai. La définition d'un délai retarde l'influence du champ d'entrée du nombre d'intervalles spécifié. Par exemple, si le délai a pour valeur 5, la valeur du champ d'entrée au moment *t* n'affectera les prévisions qu'une fois les cinq périodes écoulées (*t* + 5).

Transformation. La spécification d'une fonction de transfert pour un ensemble de variables indépendantes comprend une transformation facultative à exécuter sur ces variables.

- **Aucun.** Aucune transformation n'est effectuée.
- **Racine carrée.** Une transformation par la racine carrée est effectuée.
- **Log naturel.** Une transformation par le logarithme naturel est effectuée.

Noeud Séries temporelles - Options de sortie de la génération

Nombre maximal de décalages dans la sortie ACF et PACF. L'autocorrélation et l'autocorrélation partielle sont des mesures de l'association entre des valeurs de séries actuelles et passées ; elles indiquent les valeurs de séries passées les plus utiles à la prévision de valeurs futures. Vous pouvez définir le nombre maximum de décalages affichés dans les tableaux et diagrammes d'autocorrélations et d'autocorrélations partielles.

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur

dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. L'importance des variables peut prendre davantage de temps à être calculée pour certains modèles, en particulier si vous travaillez sur de plus grands jeux de données, et qu'elle est par conséquent désactivée par défaut pour certains modèles.

Noeud Séries temporelles - Options de modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Limite de confiance (%). Les intervalles de confiance sont calculés pour les prévisions et les autocorrélations résiduelles du modèle. Vous pouvez spécifier n'importe quelle valeur positive inférieure à 100. Par défaut, un intervalle de confiance de 95 % est utilisé.

Poursuivre l'estimation à l'aide d'un ou de plusieurs modèles existants. Si vous avez déjà généré un modèle de série temporelle, sélectionnez cette option afin de réutiliser l'ensemble des critères spécifié pour ce modèle et de générer un nouveau noeud de modèle dans la palette Modèles, plutôt que de créer totalement un nouveau modèle. De la sorte, vous pouvez gagner du temps en générant une nouvelle prévision basée sur les mêmes paramètres de modèle qu'auparavant, mais faisant appel à des données plus récentes. Ainsi, par exemple, si le modèle d'origine pour une série temporelle spécifique était la tendance linéaire de Holt, le même type de modèle sera utilisé pour la nouvelle estimation et les prévisions pour ces données. Le système ne cherche pas une nouvelle fois à identifier le type de modèle optimal pour les nouvelles données.

Construire un modèle d'évaluation uniquement. Cochez cette case pour réduire la quantité de données stockées dans le modèle. L'utilisation de cette option permet d'améliorer les performances lors de la construction de modèles avec de grands nombres de séries temporelles (dizaines de milliers). Vous pouvez toujours évaluer les données de la manière habituelle.

Etendre les enregistrements dans le futur. Active la section **Valeurs futures à utiliser dans la prévision**, où vous pouvez définir le nombre d'intervalles de temps sur lesquels effectuer des prévisions au-delà de la période d'estimation. L'intervalle de temps dans ce cas est celui de l'analyse, que vous spécifiez dans l'onglet Spécifications des données. Il n'existe pas de limite maximale pour ce paramètre. Les options suivantes vous permettent de calculer automatiquement les valeurs futures des entrées ou de spécifier manuellement des valeurs de prévision dans un ou plusieurs prédicteurs.

Valeurs futures à utiliser dans la prévision

- **Calculer les valeurs futures des entrées.** Si vous sélectionnez cette option, les valeurs de prévision des prédicteurs, de prévisions de bruit, d'estimation de la variance et de moments futurs sont calculées automatiquement. Lorsque des prévisions sont demandées, des modèles autorégressifs sont construits automatiquement pour chaque série d'entrée ne constituant pas également une cible. Ces modèles sont ensuite utilisés pour générer des valeurs pour ces séries d'entrée sur la période de prévision.
- **Sélectionnez les champs dont vous souhaitez ajouter les valeurs aux données.** Pour chaque enregistrement à prévoir (à l'exclusion des éléments restants), si vous utilisez des champs prédicteurs (dont le rôle est défini à `Input`), vous pouvez indiquer les valeurs estimées pour la période de prévision pour chaque prédicteur. Vous pouvez indiquer les valeurs manuellement ou les choisir dans une liste.
  - **Champ.** Cliquez sur le bouton de sélection de champ et choisissez les champs à utiliser en tant que prédicteurs. Notez que les champs sélectionnés ici ne sont pas nécessairement utilisés dans la modélisation. Pour qu'un champ soit réellement utilisé en tant que prédicteur, vous devez le sélectionner dans un noeud de modélisation en aval. Cette boîte de dialogue est cependant pratique pour définir les valeurs futures, pour qu'elles puissent être partagées par plusieurs noeuds de modélisation en aval, sans les définir individuellement dans chaque noeud. Par ailleurs, la liste des champs disponibles peut être soumise à des contraintes dépendantes des sélections effectuées dans l'onglet Options de génération.

Remarque : Si des valeurs futures sont indiquées pour un champ qui n'est plus disponible dans le flux (car il a été supprimé ou parce que des sélections mises à jour ont été faites dans l'onglet Options de génération), le champ apparaît en rouge.

– **Valeurs.** Pour chaque champ, vous pouvez faire un choix dans une liste de fonctions ou cliquer sur **Spécifier** pour entrer des valeurs manuellement ou faire un choix dans la liste des valeurs prédéfinies. Si les champs prédicteurs correspondent à des éléments que vous contrôlez ou qui peuvent être déterminés par avance pour d'autres raisons, saisissez ces valeurs manuellement. Par exemple, si vous prévoyez les bénéfices du mois prochain d'un hôtel sur la base du nombre de réservations, vous pouvez indiquer le nombre de réservations réel pour cette période. A l'inverse, si un champ prédicteur est en rapport avec un élément hors de votre contrôle, tel que le cours d'une valeur mobilière, vous pouvez utiliser une fonction telle que la valeur la plus récente ou la moyenne des points récents.

  Les fonctions disponibles dépendent du niveau de mesure du champ.

Tableau 28. Fonctions disponibles pour les niveaux de mesure

Niveau de mesure	Fonctions
Champ continu ou nominal	Vide Moyenne des points récents Valeur la plus récente Spécifier
Champ booléen	Vide Valeur la plus récente Vrai Faux Spécifier

  Moyenne des points récents. Calcule la valeur future à partir de la moyenne des trois derniers points de données.

  Valeur la plus récente. Définit la valeur future en fonction du point de données le plus récent.

  Vrai/Faux. Définit la valeur future d'un champ indicateur comme Vrai ou Faux, selon le cas.

  Spécifier. Ouvre une boîte de dialogue qui permet de définir manuellement les valeurs futures ou de les choisir dans une liste prédéfinie.

Rendre disponible pour l'évaluation

Vous pouvez définir ici les valeurs par défaut des options d'évaluation qui s'affichent dans la boîte de dialogue du nugget de modèle.

- **Calculer les limites de confiance supérieure et inférieure.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer de nouveaux champs (dotés des préfixes par défaut $TSLCI- et $TSUCI-) respectivement pour les valeurs inférieure et supérieure des intervalles de confiance, et ce, pour chaque champ cible.
- **Calculer les résidus de bruit.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer un champ (doté du préfixe par défaut $TSResidual-) pour les résidus de modèle pour chaque champ cible, et de calculer le total de ces valeurs.

Paramètres de modèle

Nombre maximal de modèles à afficher dans la sortie. Indiquez le nombre maximal de modèles que vous voulez inclure dans la sortie. Notez que si le nombre de modèles générés dépasse ce seuil, les modèles ne sont pas affichés dans la sortie mais restent disponibles pour l'évaluation. La valeur par

défaut est 10. L'affichage d'un trop grand nombre de modèles peut avoir comme conséquence des performances médiocres ou l'instabilité du système.

nugget du modèle Séries temporelles

Sortie du nugget du modèle de série temporelle

Une fois qu'un modèle Séries temporelles a été créé, les informations ci-après sont disponibles dans le Visualiseur de sortie. Notez que l'affichage des modèles Séries temporelles est limité à 10 dans le Visualiseur de sortie.

Récapitulatif des informations temporelles

Ce récapitulatif affiche les informations suivantes :

- Le champ Temps
- L'incrément
- Les points de début et de fin
- Le nombre de points uniques

Le récapitulatif s'applique à toutes les cibles.

Tableau Informations sur le modèle

Répété pour chaque cible, le tableau Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Ce tableau inclut toujours les paramètres de modèle détaillés suivants :

- Le nom du champ cible sélectionné dans l'onglet Champs du noeud de type ou du noeud de série temporelle.
- La méthode de génération de modèle (par exemple, Lissage exponentiel ou ARIMA).
- Le nombre de prédicteurs entrés dans le modèle.
- Le nombre d'enregistrements utilisés pour ajuster le modèle. Les exemples des différents types de modèle peuvent inclure : RMSE, MAE, AIC, BIC et R carré.

En outre, les statistiques Ljunq-Box Q peuvent également être affichées si vos données remplissent les conditions requises. Ces statistiques ne sont **pas** disponibles dans les conditions suivantes :

- Si le nombre de points de données non manquants est inférieur ou égal au nombre de termes de totalisation désiré (fixé à 18).
- Si le nombre de paramètres est supérieur ou égal au nombre de termes de totalisation désiré.
- Si le nombre de termes de totalisation calculés est inférieur à la valeur k la plus petite acceptable (fixée à 7).
- Si le tableau est répété pour chaque cible.

Importance des prédicteurs

Répété pour chaque cible, le graphique Importance des prédicteurs indique l'importance des 10 premières entrées (prédicteurs) dans le modèle sous forme de diagramme à barres.

S'il existe plus de 10 champs dans le diagramme, vous pouvez modifier la sélection des prédicteurs qui sont inclus dans le graphique en utilisant le curseur sous ce dernier. Les marques d'indicateur sur le curseur sont une largeur fixe et chaque marque sur le curseur représente 10 champs. Vous pouvez déplacer les marques d'indicateurs sur le curseur pour afficher les 10 champs suivants ou précédents, classés selon l'importance des prédicteurs.

Vous pouvez cliquer deux fois sur le diagramme pour ouvrir une boîte de dialogue séparée dans laquelle vous pouvez modifier les paramètres du diagramme. Par exemple, vous pouvez modifier des éléments comme la taille du diagramme et la taille et la couleur des polices utilisées. Lorsque vous fermez cette

boîte de dialogue d'édition séparée, les modifications s'appliquent au diagramme qui s'affiche dans l'onglet Sortie.

Corrélogramme

Un corrélogramme est affiché pour chaque cible et montre la fonction d'auto-corrélation ou la fonction d'auto-corrélation partielle des résidus (différences entre les valeurs théoriques et les valeurs réelles) par rapport aux décalages horaires. L'intervalle de confiance est indiqué comme une mise en évidence sur le graphique.

Estimations des paramètres

Répété pour chaque cible, le tableau Estimations des paramètres indique (si applicable) les détails suivants :

- Le nom de la cible
- La transformation appliquée
- Les décalages utilisés pour ce paramètre dans le modèle (ARIMA)
- La valeur du coefficient
- L'erreur standard de l'estimation de paramètre
- La valeur de l'estimation de paramètre divisée par l'erreur standard
- Le niveau de signification pour l'estimation du paramètre

Paramètres du nugget du modèle Séries temporelles

L'onglet Paramètres fournit des options supplémentaires pour le nugget de modèle Séries temporelles.

Prévision

Etendre les enregistrements dans le futur. Cette option définit le nombre d'intervalles de temps sur lesquels effectuer des prévisions au-delà de la période d'estimation. L'intervalle de temps dans ce cas est celui de l'analyse, tel que spécifié dans l'onglet Spécifications des données du noeud Séries temporelles. Lorsque des prévisions sont demandées, des modèles autorégressifs sont construits automatiquement pour chaque série d'entrée ne constituant pas également une cible. Ces modèles sont ensuite utilisés pour générer des valeurs pour ces séries d'entrée sur la période de prévision.

Calculer les valeurs futures des entrées. Si vous sélectionnez cette option, les valeurs de prévision des prédicteurs, des prévisions de bruit, de l'estimation de la variance et des valeurs des moments ultérieurs sont calculées.

Valeurs futures à utiliser dans la prévision

- **Calculer les valeurs futures des entrées.** Si vous sélectionnez cette option, les valeurs de prévision des prédicteurs, de prévisions de bruit, d'estimation de la variance et de moments futurs sont calculées automatiquement. Lorsque des prévisions sont demandées, des modèles autorégressifs sont construits automatiquement pour chaque série d'entrée ne constituant pas également une cible. Ces modèles sont ensuite utilisés pour générer des valeurs pour ces séries d'entrée sur la période de prévision.
- **Sélectionnez les champs dont vous souhaitez ajouter les valeurs aux données.** Pour chaque enregistrement à prévoir (à l'exclusion des éléments restants), si vous utilisez des champs prédicteurs (dont le rôle est défini à `Input`), vous pouvez indiquer les valeurs estimées pour la période de prévision pour chaque prédicteur. Vous pouvez indiquer les valeurs manuellement ou les choisir dans une liste.
  - **Champ.** Cliquez sur le bouton de sélection de champ et choisissez les champs à utiliser en tant que prédicteurs. Notez que les champs sélectionnés ici ne sont pas nécessairement utilisés dans la modélisation. Pour qu'un champ soit réellement utilisé en tant que prédicteur, vous devez le sélectionner dans un noeud de modélisation en aval. Cette boîte de dialogue est cependant pratique pour définir les valeurs futures, pour qu'elles puissent être partagées par plusieurs noeuds de

modélisation en aval, sans les définir individuellement dans chaque noeud. Par ailleurs, la liste des champs disponibles peut être soumise à des contraintes dépendantes des sélections effectuées dans l'onglet Options de génération.

Remarque : Si des valeurs futures sont indiquées pour un champ qui n'est plus disponible dans le flux (car il a été supprimé ou parce que des sélections mises à jour ont été faites dans l'onglet Options de génération), le champ apparaît en rouge.

– **Valeurs.** Pour chaque champ, vous pouvez faire un choix dans une liste de fonctions ou cliquer sur **Spécifier** pour entrer des valeurs manuellement ou faire un choix dans la liste des valeurs prédéfinies. Si les champs prédicteurs correspondent à des éléments que vous contrôlez ou qui peuvent être déterminés par avance pour d'autres raisons, saisissez ces valeurs manuellement. Par exemple, si vous prévoyez les bénéfices du mois prochain d'un hôtel sur la base du nombre de réservations, vous pouvez indiquer le nombre de réservations réel pour cette période. A l'inverse, si un champ prédicteur est en rapport avec un élément hors de votre contrôle, tel que le cours d'une valeur mobilière, vous pouvez utiliser une fonction telle que la valeur la plus récente ou la moyenne des points récents.

Les fonctions disponibles dépendent du niveau de mesure du champ.

Tableau 29. Fonctions disponibles pour les niveaux de mesure

Niveau de mesure	Fonctions
Champ continu ou nominal	Vide Moyenne des points récents Valeur la plus récente Spécifier
Champ booléen	Vide Valeur la plus récente Vrai Faux Spécifier

Moyenne des points récents. Calcule la valeur future à partir de la moyenne des trois derniers points de données.

Valeur la plus récente. Définit la valeur future en fonction du point de données le plus récent.

Vrai/Faux. Définit la valeur future d'un champ indicateur comme Vrai ou Faux, selon le cas.

Spécifier. Ouvre une boîte de dialogue qui permet de définir manuellement les valeurs futures ou de les choisir dans une liste prédéfinie.

Rendre disponible pour l'évaluation

Créer de nouveaux champs pour chaque modèle à évaluer. Permet de spécifier les nouveaux champs à créer pour chaque modèle à évaluer.

- **Résidus de bruits.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer un nouveau champ (doté du préfixe par défaut $TSResidual-) pour les résidus de modèle pour chaque champ cible, et de calculer le total de ces valeurs.
- **Limites de confiance supérieure et inférieure.** Si cette option est sélectionnée, elle permet de créer de nouveaux champs (dotés des préfixes par défaut $TSLCI- et $TSUCI-) respectivement pour les valeurs inférieure et supérieure de l'intervalle de confiance, et ce, pour chaque champ cible, et de calculer les totaux de ces valeurs.

Cibles incluses pour le calcul du score. Sélectionnez les cibles disponibles à inclure dans le score du modèle.

Chapitre 14. Modèles de noeud Réponse en auto-apprentissage

noeud MRAA

Le noeud **Modèle de réponse en auto-apprentissage** (MRAA) vous permet de créer un modèle que vous pouvez continuellement mettre à jour ou ré-estimer tout au long de la croissance d'un ensemble de données, sans qu'il soit nécessaire de recréer le modèle chaque fois sur la base de l'ensemble de données complet. Il est par exemple utile lorsque vous avez plusieurs produits et que vous voulez identifier le produit qu'un client est le plus susceptible d'acheter si vous le lui proposez. Ce modèle vous permet de prédire quelles offres sont les plus appropriées pour les clients et la probabilité d'acceptation des offres.

Le modèle peut être initialement créé à l'aide d'un petit ensemble de données avec des offres faites au hasard et les réponses à ces offres. Au fur et à mesure que l'ensemble de données augmente, le modèle peut être mis à jour. Il est donc de plus en plus à même de prédire les offres les mieux adaptées aux clients et la probabilité d'acceptation sur la base des autres champs d'entrée tels que l'âge, le sexe, la profession et le revenu. Les offres disponibles peuvent être modifiées en les ajoutant ou en les supprimant dans la boîte de dialogue du noeud au lieu de devoir modifier le champ cible de l'ensemble de données.

Lorsque vous utilisez IBM SPSS Collaboration and Deployment Services, vous pouvez définir des mises à jour automatiques du modèle, à intervalles réguliers. Ce processus, qui ne nécessite aucune supervision ou action humaine, offre une solution souple et économique pour les entreprises et applications où une intervention personnalisée par Data Miner n'est pas possible ou nécessaire.

Exemple. Une institution financière souhaite obtenir des résultats plus rentables en présentant à chaque client l'offre qui est le plus susceptible d'être acceptée. Vous pouvez utiliser un modèle d'auto-apprentissage pour identifier les caractéristiques des clients les plus susceptibles de répondre favorablement, sur la base des anciennes promotions, et pour mettre à jour le modèle en temps réel sur la base des dernières réponses des clients.

Noeud MRAA - Options de champs

Avant d'exécuter un noeud MRAA, vous devez indiquer les champs cible et les champs de réponse cible dans l'onglet Champs du noeud.

Champ cible. Sélectionnez le champ cible dans la liste, il peut s'agir, par exemple, d'un champ nominal (ensemble) contenant les différents produits que vous voulez proposer aux clients.

Remarque : Le champ cible doit avoir un stockage chaîne et non un stockage numérique.

Champ de réponse cible. Sélectionnez le champ de réponse cible dans la liste. Par exemple, Accepté ou Rejeté.

Remarque : Ce champ doit être indicateur. La valeur vraie (True) de l'indicateur indique l'acceptation de l'offre et la valeur fausse (False) indique son refus.

Les autres champs de cette boîte de dialogue sont les champs habituels de IBM SPSS Modeler. Pour plus d'informations, voir «Options de champs des noeuds modélisation», à la page 29.

Remarque : Si les données source incluent des intervalles qui doivent être utilisés en tant que champs d'entrée continus (intervalle numérique), vous devez vérifier que les métadonnées incluent les détails minimum et maximum pour chaque intervalle.

Noeud MRAA - Options du modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Poursuivre l'apprentissage du modèle existant. Par défaut, un modèle complètement nouveau est créé chaque fois qu'un noeud de modélisation est exécuté. Si vous sélectionnez cette option, l'apprentissage se poursuit sur le dernier modèle généré par le noeud. Cela permet de mettre à jour ou d'actualiser un modèle existant sans avoir à accéder aux données d'origine et peut permettre des performances nettement plus rapides car *seuls* les enregistrements nouveaux ou mis à jour sont acheminés dans le flux. Les détails relatifs au modèle précédent sont stockés avec le noeud de modélisation, ce qui permet d'utiliser cette option même si le nugget de modèle précédent n'est plus disponible dans le flux ou dans la palette de modèles.

Valeurs du champ cible Par défaut, ce champ a la valeur **Utiliser tout**, ce qui signifie que le modèle créé contient chaque offre associée à la valeur du champ cible sélectionné. Si vous souhaitez générer un modèle uniquement pour certaines offres de champ cible, cliquez sur **Spécifier** et utilisez les boutons **Ajouter**, **Modifier** et **Supprimer** pour entrer ou modifier le nom des offres pour lesquelles vous souhaitez créer des modèles. Par exemple, si vous choisissez une cible qui répertorie tous les produits que vous fournissez, vous pouvez utiliser ce champ pour limiter les produits proposés à ceux que vous avez entrés ici.

Evaluation du modèle. Les champs de ce panneau sont indépendants du modèle car ils n'influent pas sur le scoring. Ils vous permettent par contre de créer une représentation visuelle de la qualité de prévision des résultats par le modèle.

Remarque : Pour afficher les résultats de l'évaluation dans le nugget de modèle, vous devez également sélectionner la case **Afficher l'évaluation du modèle**.

- **Inclure l'évaluation du modèle.** Cochez cette case pour créer des graphiques qui affichent l'exactitude prédite du modèle de chaque offre sélectionnée.
- **Définir une valeur de départ aléatoire.** Lors de l'estimation de l'exactitude d'un modèle basé sur un pourcentage aléatoire, cette option vous permet de dupliquer les mêmes résultats dans une autre session. Indiquez la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires pour vous assurer que les mêmes enregistrements sont affectés à chaque exécution du noeud. Entrez la valeur de départ souhaitée. Si cette option n'est pas sélectionnée, un échantillon différent est généré à chaque exécution du noeud.
- **Taille simulée de l'échantillon.** Indiquez le nombre d'enregistrements à utiliser dans l'échantillon lors de l'évaluation du modèle. Par défaut, la valeur est 100.
- **Nombre d'itérations.** Cela vous permet d'arrêter la création de l'évaluation du modèle une fois que le nombre d'itérations indiqué a été atteint. Précisez le nombre maximal d'itérations ; la valeur par défaut est 20.

  Remarque : Gardez à l'esprit que les échantillons volumineux et les nombres élevés d'itérations augmentent le temps nécessaire à la création du modèle.

Afficher l'évaluation du modèle. Sélectionnez cette option pour afficher une représentation graphique des résultats dans le nugget de modèle.

Noeud MRAA - Options de paramètres

Les options de paramètres de noeud vous permettent d'affiner le processus de création de modèle.

Nombre maximal de prévisions par enregistrement. Cette option permet de limiter le nombre de prévisions effectuées pour chaque enregistrement d'un de l'ensemble de données. La valeur par défaut est 3.

Par exemple, vous pouvez disposer de six offres (épargne, prêt hypothécaire, prêt automobile, retraite, carte de crédit et assurance) mais ne souhaiter connaître que les deux meilleures recommandations

possibles, auquel cas il convient de définir la valeur 2 pour ce champ. Une fois le modèle créé et relié à une table, deux colonnes de prévisions (plus la confiance associée dans la probabilité d'acceptation de l'offre) seront alors visibles pour chaque enregistrement. Les prévisions peuvent comprendre l'une des six offres possibles.

Niveau de randomisation. Pour éviter les données biaisées, notamment dans le cas d'un de l'ensemble de données peu volumineux ou incomplet, et traiter toutes les offres potentielles de la même manière, vous pouvez ajouter un niveau de randomisation aux offres proposées, ainsi que la probabilité de leur affichage sous forme de recommandations. La randomisation est exprimée en pourcentage sous la forme d'une valeur décimale comprise entre 0,0 (sans randomisation) et 1,0 (randomisation complète). La valeur par défaut est 0,0.

Définir une valeur de départ aléatoire. Lorsque vous ajoutez un niveau de randomisation à la sélection d'une offre, cette option vous permet de dupliquer les mêmes résultats dans une autre session. Indiquez la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires pour vous assurer que les mêmes enregistrements sont affectés à chaque exécution du noeud. Entrez la valeur de départ souhaitée. Si cette option n'est pas sélectionnée, un échantillon différent est généré à chaque exécution du noeud.

Remarque : Lorsque vous utilisez l'option **Définir une valeur de départ aléatoire** avec des enregistrements lus à partir d'une base de données, il peut être nécessaire d'exécuter un noeud Trier avant l'échantillonnage afin de garantir le même résultat à chaque exécution du noeud. Cela s'explique par le fait que la valeur de départ aléatoire dépend de l'ordre des enregistrements, et qu'il n'est pas garanti que cet ordre reste inchangé dans une base de données.

Ordre de tri. Sélectionnez l'ordre d'affichage des offres dans le modèle créé :

- **Décroissant**. Le modèle affiche les offres avec le score le plus élevé en premier. Il s'agit des offres ayant la plus forte probabilité d'être acceptées.
- **Croissant**. Le modèle affiche les offres avec le score le plus faible en premier. Il s'agit des offres ayant la plus forte probabilité d'être rejetées. Cette option peut se révéler utile lorsque vous décidez des clients à exclure d'une campagne de marketing pour une offre spécifique.

Préférences pour les champs cible. Pendant la création d'un modèle, vous pouvez être amené à favoriser ou à ignorer certains aspects des données. Si, par exemple, vous créez un modèle de sélection de la meilleure offre financière à proposer à un client, il peut être judicieux de veiller à toujours inclure une offre particulière quel que soit son score par client.

Pour inclure une offre dans ce panneau et modifier ses préférences, cliquez sur le bouton **Ajouter**, saisissez le nom de l'offre (par exemple, Epargne ou Prêt hypothécaire), puis cliquez sur le bouton **OK**.

- **Valeur.** Il s'agit du nom de l'offre que vous venez d'ajouter.
- **Préférence.** Il s'agit du niveau de préférence à appliquer à l'offre. La préférence est exprimée en pourcentage sous la forme d'une valeur décimale comprise entre 0,0 (sans préférence) et 1,0 (préférence maximale). La valeur par défaut est 0,0.
- **Inclure systématiquement.** Cochez cette case pour inclure systématiquement une offre spécifique dans les prévisions.

  Remarque : Si l'option **Préférence** a pour valeur 0,0, le paramètre **Inclure systématiquement** n'est pas pris en compte.

Prendre en compte la fiabilité du modèle. Un modèle riche en données, bien structuré et affiné par plusieurs régénérations est censé produire des résultats plus précis qu'un tout nouveau modèle contenant peu de données. Cochez cette case pour bénéficier de la plus grande fiabilité du modèle plus abouti.

Nuggets de modèle MRAA

Remarque : Les résultats sont uniquement affichés dans cet onglet si vous sélectionnez **Inclure l'évaluation du modèle** et **Afficher l'évaluation du modèle** dans l'onglet Options de modèle.

Lorsque vous exécutez un flux qui contient un modèle MRAA, le noeud estime l'exactitude des prédictions de chaque valeur de champ cible (offre) et l'importance de chaque prédicteur utilisé.

Remarque : Si vous avez sélectionné **Poursuivre l'apprentissage du modèle existant** dans l'onglet Modèle du noeud de modélisation, les informations affichées dans cet onglet Modèle du nugget de modèle sont mises à jour chaque fois que vous régénérez le modèle.

Lors de la création de modèles avec IBM SPSS Modeler 12.0 ou une version ultérieure, l'onglet Modèle du nugget de modèle est divisé en deux colonnes :

Colonne de gauche.

- **Afficher.** Lorsque vous avez plusieurs offres, sélectionnez celle dont vous voulez afficher les résultats.
- **Performances du modèle.** Cette option permet d'afficher l'exactitude de modèle estimée de chaque offre. L'ensemble de test est généré par la simulation.

Colonne de droite.

- **Afficher.** Choisissez l'affichage des détails de **Association avec réponse** ou **Importance des variables**.
- **Association avec réponse.** Affiche l'association (corrélation) de chaque prédicteur avec la variable cible.
- **Importance des prédicteurs.** Indique l'importance relative de chaque prédicteur pour l'estimation du modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Ce graphique peut être interprété de la même façon que pour les autres modèles qui affichent l'importance des prédicteurs, même si dans le cas de MRAA, le graphique est généré par simulation de l'algorithme MRAA. Il suffit de supprimer tout à tour chaque prédicteur du modèle et d'observer l'impact sur l'exactitude du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Paramètres du modèle MRAA

L'onglet Paramètres d'un nugget de modèle MRAA affiche les options de modification du modèle créé. Par exemple, vous pouvez utiliser le noeud MRAA pour créer plusieurs modèles différents en utilisant les mêmes données et paramètres, puis utiliser cet onglet dans chaque modèle pour modifier légèrement les paramètres et voir en quoi cela influe sur les résultats.

Remarque : Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Nombre maximal de prévisions par enregistrement. Cette option permet de limiter le nombre de prévisions effectuées pour chaque enregistrement d'un de l'ensemble de données. La valeur par défaut est 3.

Par exemple, vous pouvez disposer de six offres (épargne, prêt hypothécaire, prêt automobile, retraite, carte de crédit et assurance) mais ne souhaiter connaître que les deux meilleures recommandations possibles, auquel cas il convient de définir la valeur 2 pour ce champ. Une fois le modèle créé et relié à une table, deux colonnes de prévisions (plus la confiance associée dans la probabilité d'acceptation de l'offre) seront alors visibles pour chaque enregistrement. Les prévisions peuvent comprendre l'une des six offres possibles.

Niveau de randomisation. Pour éviter les données biaisées, notamment dans le cas d'un de l'ensemble de données peu volumineux ou incomplet, et traiter toutes les offres potentielles de la même manière, vous pouvez ajouter un niveau de randomisation aux offres proposées, ainsi que la probabilité de leur affichage sous forme de recommandations. La randomisation est exprimée en pourcentage sous la forme d'une valeur décimale comprise entre 0,0 (sans randomisation) et 1,0 (randomisation complète). La valeur par défaut est 0,0.

Définir une valeur de départ aléatoire. Lorsque vous ajoutez un niveau de randomisation à la sélection d'une offre, cette option vous permet de dupliquer les mêmes résultats dans une autre session. Indiquez la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires pour vous assurer que les mêmes enregistrements sont affectés à chaque exécution du noeud. Entrez la valeur de départ souhaitée. Si cette option n'est pas sélectionnée, un échantillon différent est généré à chaque exécution du noeud.

Remarque : Lorsque vous utilisez l'option **Définir une valeur de départ aléatoire** avec des enregistrements lus à partir d'une base de données, il peut être nécessaire d'exécuter un noeud Trier avant l'échantillonnage afin de garantir le même résultat à chaque exécution du noeud. Cela s'explique

par le fait que la valeur de départ aléatoire dépend de l'ordre des enregistrements, et qu'il n'est pas garanti que cet ordre reste inchangé dans une base de données.

Ordre de tri. Sélectionnez l'ordre d'affichage des offres dans le modèle créé :

- **Décroissant**. Le modèle affiche les offres avec le score le plus élevé en premier. Il s'agit des offres ayant la plus forte probabilité d'être acceptées.
- **Croissant**. Le modèle affiche les offres avec le score le plus faible en premier. Il s'agit des offres ayant la plus forte probabilité d'être rejetées. Cette option peut se révéler utile lorsque vous décidez des clients à exclure d'une campagne de marketing pour une offre spécifique.

Préférences pour les champs cible. Pendant la création d'un modèle, vous pouvez être amené à favoriser ou à ignorer certains aspects des données. Si, par exemple, vous créez un modèle de sélection de la meilleure offre financière à proposer à un client, il peut être judicieux de veiller à toujours inclure une offre particulière quel que soit son score par client.

Pour inclure une offre dans ce panneau et modifier ses préférences, cliquez sur le bouton **Ajouter**, saisissez le nom de l'offre (par exemple, Epargne ou Prêt hypothécaire), puis cliquez sur le bouton **OK**.

- **Valeur.** Il s'agit du nom de l'offre que vous venez d'ajouter.
- **Préférence.** Il s'agit du niveau de préférence à appliquer à l'offre. La préférence est exprimée en pourcentage sous la forme d'une valeur décimale comprise entre 0,0 (sans préférence) et 1,0 (préférence maximale). La valeur par défaut est 0,0.
- **Inclure systématiquement.** Cochez cette case pour inclure systématiquement une offre spécifique dans les prévisions.

  Remarque : Si l'option **Préférence** a pour valeur 0,0, le paramètre **Inclure systématiquement** n'est pas pris en compte.

Prendre en compte la fiabilité du modèle. Un modèle riche en données, bien structuré et affiné par plusieurs régénérations est censé produire des résultats plus précis qu'un tout nouveau modèle contenant peu de données. Cochez cette case pour bénéficier de la plus grande fiabilité du modèle plus abouti.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Chapitre 15. Modèles Support Vector Machine

A propos de SVM

Support Vector Machine (SVM) est une technique robuste de classification et de régression qui optimise l'exactitude prédictive d'un modèle sans surajustement des données d'apprentissage. SVM est particulièrement adapté à l'analyse de données avec de très grands nombres (par exemple, des milliers) de champs prédicteurs.

SVM comporte des applications dans de nombreuses disciplines, dont la gestion de la relation client (CRM), reconnaissance faciale et d'autres images, bio-informatique, extraction du concept d'exploration de texte, détection de l'intrusion, prédiction de la structure des protéines et reconnaissance vocale.

Fonctionnement de SVM

SVM fonctionne par mappage des données à un espace d'attributs haute dimension pour que les points de données puissent être classés, même lorsque les données ne sont pas séparables sur un plan linéaire. Un séparateur entre les catégories est identifié. Ensuite, les données sont transformées de sorte que le séparateur puisse être défini comme un hyperplan. Ensuite, les caractéristiques des nouvelles données peuvent être utilisées pour prédire le groupe auquel un nouvel enregistrement doit appartenir.

Par exemple, prenez la figure suivante, dans laquelle les points de données rentrent dans deux catégories différentes.

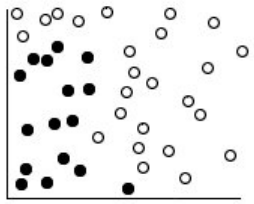


Figure 59. Jeu de données d'origine

Les deux catégories peuvent être séparées par une courbe, comme illustré dans la figure suivante.

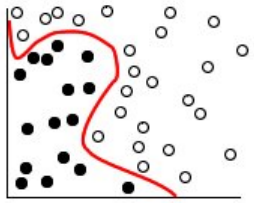


Figure 60. Données avec séparateur ajouté

Une fois la transformation effectuée, la limite entre les deux catégories peut être définie par un hyperplan, comme illustré dans la figure suivante.

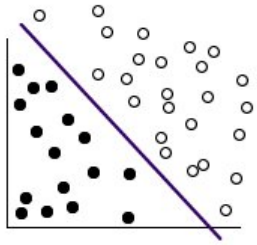


Figure 61. Données transformées

La fonction mathématique utilisée pour la transformation est appelée fonction **noyau**. SVM dans IBM SPSS Modeler prend en charge les types de noyaux suivants :

- Linéaire
- Polynomial
- Fonction radiale de base (RBF)
- Sigmoïde

Une fonction noyau linéaire est recommandée lorsque la séparation linéaire des données est simple. Dans les autres cas, l'une des autres fonctions doit être utilisée. Vous devrez tester les différentes fonctions pour obtenir le meilleur modèle dans chaque cas, comme ils utilisent des algorithmes et des paramètres différents.

Affinement d'un modèle SVM

Outre la ligne de séparation entre les catégories, un modèle SVM de classification recherche également les lignes marginales qui définissent l'espace entre deux catégories.

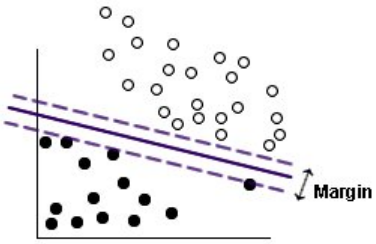


Figure 62. Données avec modèle préliminaire

Les points de données qui figurent sur les marges sont appelés **vecteurs de prise en charge**.

Plus la marge est large entre les deux catégories, plus le modèle sera à même de prédire la catégorie pour les nouveaux enregistrements. Dans l'exemple précédent, la marge n'est pas large, et le modèle est dit **surajusté**. Un classement légèrement incorrect peut être accepté afin d'élargir la marge. La figure suivante en montre un exemple.

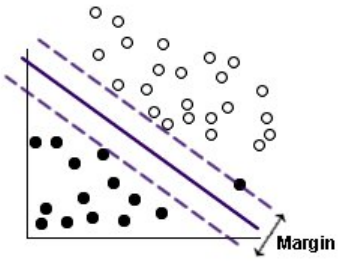


Figure 63. Données avec modèle amélioré

Dans certains cas, la séparation linéaire est plus difficile. La figure suivante en montre un exemple.

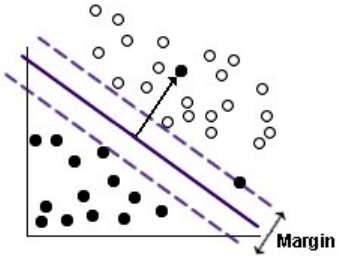


Figure 64. Un problème pour la séparation linéaire

Dans un tel cas, l'objectif est de trouver l'équilibre optimal entre une marge large et un petit nombre de points de données mal classés. La fonction noyau possède un **paramètre de régularisation** (appelé C) qui contrôle le compromis entre ces deux valeurs. Vous devrez probablement tester différentes valeurs et autres paramètres du noyau pour trouver le meilleur modèle.

Noeud SVM

Le noeud SVM permet d'utiliser un modèle support vector machine pour classer les données. SVM est particulièrement adapté à de grands jeux de données, c'est à dire, ceux avec un grand nombre de champs prédicteurs. Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut sur le noeud pour générer relativement rapidement un modèle de base. Vous pouvez aussi utiliser les paramètres Expert pour tester les différents types de modèles SVM.

Lorsque le modèle a été créé, vous pouvez :

- parcourir le nugget du modèle pour afficher l'importance relative des champs d'entrée dans la création du modèle ;
- ajouter un noeud Table au nugget de modèle pour afficher la sortie du modèle.

Exemple. Un chercheur en médecine a obtenu un ensemble de données contenant les caractéristiques d'un certain nombre d'échantillons de cellules humaines supposées favoriser le développement du cancer. L'analyse des données originales indiquait que de nombreuses caractéristiques différaient considérablement entre les échantillons bénins et malins. Le chercheur en médecine souhaite développer un modèle SVM qui peut utiliser les valeurs de caractéristiques de cellules semblables dans des échantillons d'autres patients pour savoir au plus tôt si leurs échantillons peuvent être bénins ou malins.

Noeud SVM - Options modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Noeud SVM - Options expert

Si vous êtes familier des modèles support vector machines, utilisez les options expert pour affiner le processus d'apprentissage. Pour accéder aux options expert, paramétrez le mode sur **Expert** dans l'onglet Expert.

Ajouter toutes les probabilités (valide uniquement pour les cibles catégorielles). Si cette option est sélectionnée (cochée), cela indique que les probabilités pour chaque valeur possible d'un champ cible Nominal ou Indicateur sont affichées pour chaque enregistrement traité par le noeud. Sinon, la probabilité de la valeur prédite uniquement est affichée pour les champs cible Nominal ou Indicateur. Le

paramétrage de cette case à cocher détermine l'état par défaut de la case à cocher correspondante sur l'affichage du nugget de modèle.

Critère d'arrêt. Détermine le moment de l'arrêt de l'algorithme d'optimisation. Les valeurs vont de 1.0E-1 à 1.0E-6. La valeur par défaut est 1.0E-3. La réduction de la valeur entraîne un modèle plus précis. Toutefois, l'apprentissage de ce dernier est plus long.

Paramètre de régularisation (C). Contrôle le compromis entre l'optimisation de la marge et la réduction du terme de l'erreur d'apprentissage. La valeur doit généralement se situer entre 1 et 10 inclus ; la valeur par défaut est 10. L'augmentation de la valeur améliore l'exactitude du classement (ou réduit l'erreur de régression) pour les données d'apprentissage. Cependant, ceci peut également conduire à un surajustement.

Précision de la régression (epsilon). Option uniquement utilisée si le niveau de mesure du champ cible est *Continu*. Permet l'acceptation d'erreurs à condition qu'elles soient inférieures à la valeur spécifiée ici. L'augmentation de la valeur risque d'entraîner une modélisation plus rapide, mais aux dépens de l'exactitude.

Type noyau. Détermine le type de fonction noyau utilisé pour la transformation. Des types noyaux différents permettent le calcul du séparateur de différentes manières. Par conséquence, il est recommandé de tester les diverses options. La valeur par défaut est **RBF** (Fonction radiale de base).

RBF gamma. Option activée uniquement si le type noyau est défini sur **RBF**. La valeur doit généralement se situer entre 3/*k* et 6/*k*, où *k* est le nombre de champs d'entrée. Par exemple, avec 12 champs d'entrée, les valeurs entre 0,25 et 0,5 valent la peine d'être essayées. L'augmentation de la valeur améliore l'exactitude du classement (ou réduit l'erreur de régression) pour les données d'apprentissage. Cependant, ceci peut également conduire à un surajustement.

Gamma. Option activée uniquement si le type noyau est défini sur **Polynomial** ou **Sigmoïdal**. L'augmentation de la valeur améliore l'exactitude du classement (ou réduit l'erreur de régression) pour les données d'apprentissage. Cependant, ceci peut également conduire à un surajustement.

Biais. Option activée uniquement si le type noyau est défini sur **Polynomial** ou **Sigmoïdal**. Définit la valeur `coef0` dans la fonction noyau. La valeur par défaut 0 est appropriée dans la plupart des cas.

Degré. Option activée uniquement si le type noyau est défini sur **Polynomial**. Contrôle la complexité (dimension) de l'espace de mappage. Généralement, vous n'utilisez pas une valeur supérieure à 10.

Nugget de modèle SVM

Le modèle SVM crée un certain nombre de nouveaux champs. Le plus important de ceux-ci est le champ **$S-fieldname**, qui indique la valeur de champ cible prédite par le modèle.

Le nombre et le nom des nouveaux champs créés par le modèle dépendent du niveau de mesure du champ cible (ce champ est indiqué dans les tableaux suivants par *nom_champ*).

Pour consulter ces champs et les valeurs correspondantes, ajoutez un noeud Table au nugget du modèle SVM et exécutez le noeud Table.

Tableau 30. Le niveau de mesure du champ cible est « Nominal » ou « Indicateur »

Nouveau nom de champ	Description
$S-*nom_champ*	Valeur prédite du champ cible.
$SP-*nom_champ*	Probabilité de la valeur prédite.
$SP-*valeur*	Probabilité de chaque valeur possible de type nominal ou indicateur (uniquement affichée si **Ajouter toutes les probabilités** est cochée dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle).

Tableau 30. Le niveau de mesure du champ cible est « Nominal » ou « Indicateur » (suite)	
Nouveau nom de champ	**Description**
$SRP-*valeur*	(Champs cible indicateur uniquement) Scores de propension brute (SRP) et ajustée (SAP), indiquant la probabilité d'un résultat « true (vrai) » pour le champ cible. Ces scores sont affichés uniquement si les cases correspondantes sont cochées dans l'onglet Analyser du noeud de modélisation SVM avant que le modèle ne soit généré. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Options d'analyse des noeuds modélisation», à la page 33.
$SAP-*valeur*	

Tableau 31. Le niveau de mesure du champ cible est « Continu »	
Nouveau nom de champ	**Description**
$S-*nom_champ*	Valeur prédite du champ cible.

importance des prédicteurs

Un graphique illustrant l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle peut également être affiché dans l'onglet Modèle. En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Ce graphique n'est disponible que si **Calculer l'importance des prédicteurs** a été sélectionné dans l'onglet Analyse avant la génération du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Remarque : Le calcul de l'importance des prédicteurs risque de prendre plus longtemps pour SVM que pour d'autres types de modèles. En outre, cette importance n'est pas sélectionnée par défaut dans l'onglet Analyser. La sélection de cette option peut ralentir les performances, en particulier pour des jeux de données volumineux.

Paramètres du modèle SVM

L'onglet Paramètres vous permet de demander l'affichage de champs supplémentaires lorsque vous consultez les résultats (par exemple, en exécutant un noeud table relié au nugget). Vous pouvez voir les effets de chacune de ces options en les sélectionnant et en cliquant sur le bouton Aperçu. Faites défiler vers la droite la fenêtre de sortie Aperçu pour afficher les champs supplémentaires.

Ajouter toutes les probabilités (valide uniquement pour les cibles catégorielles). Si cette option est cochée, les probabilités pour chaque valeur possible d'un champ cible Nominal ou Indicateur sont affichées pour chaque enregistrement traité par le noeud. Sinon, seule la valeur prédite et la probabilité correspondante sont affichées pour les champs cible de type nominal ou indicateur.

Le paramètre par défaut de cette case à cocher est déterminé par la case correspondante sur le noeud de modélisation.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de données** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Noeud LSVM

Le noeud LSVM permet d'utiliser un modèle support vector machine pour classer les données. LSVM est particulièrement adapté à de grands jeux de données, c'est-à-dire ceux contenant un grand nombre de champs prédicteurs. Vous pouvez utiliser les paramètres par défaut sur le noeud pour générer assez rapidement un modèle de base. Vous pouvez aussi utiliser les paramètres de génération pour tester les différents paramètres.

Le noeud LSVM est similaire au noeud SVM, mais il est linéaire et plus efficace pour gérer un grand nombre d'enregistrements.

Lorsque le modèle a été créé, vous pouvez :

- parcourir le nugget du modèle pour afficher l'importance relative des champs d'entrée dans la création du modèle ;
- ajouter un noeud Table au nugget de modèle pour afficher la sortie du modèle.

Exemple. Un chercheur en médecine a obtenu un de l'ensemble de données contenant les caractéristiques d'un certain nombre d'échantillons de cellules humaines supposées favoriser le développement du cancer. L'analyse des données originales indiquait que de nombreuses caractéristiques différaient considérablement entre les échantillons bénins et malins. Le chercheur souhaite développer un modèle LSVM capable d'utiliser les valeurs de caractéristiques de cellules similaires dans des échantillons d'autres patients pour savoir au plus tôt si leurs échantillons sont bénins ou malins.

Options du modèle de noeud LSVM

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Calculer l'importance des prédicteurs. Pour des modèles qui produisent une mesure appropriée d'importance, vous pouvez afficher un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'estimation du modèle. En général, vous souhaitez concentrer vos efforts de modélisation sur les prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importantes. Notez que l'importance des prédicteurs peut prendre davantage de temps à être calculée pour certains modèles, en particulier si vous travaillez sur de plus grands jeux de données, et qu'elle est par conséquent désactivée par défaut pour certains modèles. L'importance des prédicteurs n'est pas disponible pour des modèles de liste de décision. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Options de création LSVM

Paramètres de modèle

Inclure la constante. L'inclusion de la constante (le terme constant dans le modèle) peut améliorer la précision globale de la solution. Si vous partez du principe que les données passent par l'origine, vous pouvez exclure la constante.

Ordre de tri de la cible catégorielle. Indique l'ordre de tri de la cible catégorielle. Ce paramètre est ignoré pour les cibles continues.

Précision de la régression (epsilon). Option uniquement utilisée si le niveau de mesure du champ cible est *Continu*. Permet l'acceptation d'erreurs à condition qu'elles soient inférieures à la valeur spécifiée ici. L'augmentation de la valeur risque d'entraîner une modélisation plus rapide, mais aux dépens de l'exactitude.

Exclure les enregistrements avec valeurs manquantes. Lorsqu'elle est définie sur **True**, un enregistrement est exclu si une seule valeur est manquante.

Paramètres de pénalité

Fonction de pénalité. Indique le type de fonction de pénalité utilisée pour réduire la probabilité de surajustement. Les options possibles sont **L1** et **L2**.

Les options **L1** et **L2** réduisent la probabilité d'un surajustement en ajoutant une pénalité aux coefficients. La différence entre ces deux options est la suivante : si le nombre de fonctionnalités est important, **L1** utilise la sélection de fonctionnalités en affectant la valeur 0 à certains coefficients lors de la génération de modèle. L'option **L2** ne peut pas être utilisée avec un grand nombre de fonctionnalités car elle ne dispose pas de cette capacité.

Paramètre de pénalité (lambda). Spécifie le paramètre de pénalité (régularisation). Ce paramètre est activé si la **fonction de pénalité** est définie.

Nugget de modèle LSVM (sortie interactive)

Une fois l'exécution d'un modèle LSVM terminée, la sortie suivante est disponible.

Informations sur le modèle

La vue Informations sur le modèle fournit des informations clés sur le modèle. Le tableau identifie certains paramètres de modèle de niveau supérieur, notamment :

- Le nom de la cible spécifié dans l'onglet Champs
- La méthode de génération de modèle indiquée dans les paramètres Sélection de modèle
- Le nombre d'entrées de prédicteurs
- Le nombre de prédicteurs dans le modèle final
- Le type de régularisation (L1 ou L2)
- Le paramètre de pénalité (lambda). Il s'agit du paramètre de régularisation.
- La précision de régression (epsilon). Les erreurs sont acceptées si elles sont inférieures à cette valeur. Une valeur plus élevée risque d'entraîner une modélisation plus rapide, mais aux dépens de l'exactitude. Cette option est uniquement utilisée si le niveau de mesure du champ cible est *Continu*. .
- Le pourcentage de l'exactitude du classement. Ceci est uniquement applicable à la Classification.
- L'erreur de la moyenne des carrés. Ceci est uniquement applicable à la Régression.

Récapitulatif des enregistrements

La vue Récapitulatif des enregistrements fournit des informations sur le nombre et le pourcentage d'enregistrements (observations) incluses et exclues du modèle.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

Valeurs prédites en fonction des valeurs observées

Ceci affiche un nuage de points mis en intervalles des valeurs prédites sur l'axe vertical par les valeurs observées sur l'axe horizontal. Idéalement, les points devraient se trouver sur une ligne de 45 degrés ; cette vue peut vous indiquer si des enregistrements sont particulièrement mal prédits par le modèle.

Remarque : Le calcul de l'importance des prédicteurs risque de prendre plus longtemps pour LSVM et SVM que pour d'autres types de modèles. La sélection de cette option peut ralentir les performances, en particulier pour des jeux de données volumineux.

Matrice de confusion

La matrice de confusion, parfois appelée table récapitulative, affiche le nombre d'observations correctement et incorrectement affectées à chacune des classes sur la base de l'analyse LSVM.

Paramètres du modèle LSVM

Dans l'onglet Paramètres d'un nugget de modèle LSVM, vous indiquez les options de confiance et de génération SQL au cours du scoring du modèle. Cet onglet n'est disponible qu'une fois le nugget de modèle ajouté à un flux.

Calculer les scores de propension brute Pour les modèles disposant de cibles indicateur uniquement, vous pouvez demander des scores de propension brute qui indiquent la probabilité du résultat vrai (true) spécifié pour le champ cible. Ceux-ci s'ajoutent aux valeurs standard de prédiction et de confiance. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles.

Générer SQL pour ce modèle Lorsque vous utilisez des données provenant d'une base de données, le code SQL peut être renvoyé à la base de données pour exécution, ce qui assure des performances supérieures pour de nombreuses opérations.

Sélectionnez une des options suivantes pour spécifier comment la génération de SQL est effectuée.

- **Par défaut : score utilisant l'adaptateur Server Scoring (s'il est installé) autrement dans le processus.** Si vous êtes connecté à une base de données qui contient un adaptateur de scoring, génère le SQL à l'aide de l'adaptateur de scoring et des fonctions définies par l'utilisateur (UDF), et calcule le score de votre modèle dans la base de données. Lorsqu'aucun adaptateur de scoring n'est disponible, cette option extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.
- **Score en dehors de la base de donnée** Si cette option est sélectionnée, elle extrait à nouveau les données de la base de données et détermine les scores dans SPSS Modeler.

Chapitre 16. Modèles d'agrégation suivant le saut minimum

Noeud KNN

L'analyse du voisin le plus proche est une méthode de classification des observations en fonction de leur similarité avec les autres observations. En apprentissage automatique, elle a été développée comme une façon de reconnaître les configurations de données sans avoir à recourir à une correspondance exacte avec d'autres configurations ou observations stockées. Les observations semblables sont proches l'une de l'autre et les observations dissemblables sont éloignées l'une de l'autre. Par conséquent, la distance entre deux observations est une mesure de leur dissimilarité.

Les observations proches les unes des autres sont appelées « voisins ». Lorsqu'une nouvelle observation est présentée (traitée), sa distance de chacune des observations du modèle est calculée. Les classifications des observations les plus similaires « les plus proches voisins » sont mesurées et la nouvelle observation est placée dans la catégorie qui contient le plus grand nombre de voisins les plus proches.

Vous pouvez spécifier le nombre de voisins les plus proches à examiner, cette valeur est appelée *k*. Les illustrations montrent comment une nouvelle observation serait classée à l'aide de deux valeurs différentes de *k*. Lorsque *k* = 5, la nouvelle observation est placée dans la catégorie *1* car une majorité de voisins les plus proches appartiennent à la catégorie *1*. Cependant, lorsque *k* = 9, la nouvelle observation est placée dans la catégorie *0* car une majorité de voisins les plus proches appartiennent à la catégorie *0*.

L'analyse du voisin le plus proche peut également être utilisée pour calculer des valeurs pour une cible continue. Dans cette situation, la valeur cible de la médiane ou de la moyenne des voisins les plus proches est utilisée pour obtenir la valeur prédite de la nouvelle observation.

Noeud KNN - Options des objectifs

Dans l'onglet Objectifs vous pouvez choisir de créer un modèle qui prédit la valeur d'un champ cible dans vos données d'entrée en fonction des valeurs de ses voisins les plus proches ou de simplement rechercher les voisins les plus proches pour une observation intéressante particulière.

Quel type d'analyse souhaitez-vous effectuer ?

Prédire un champ cible. Choisissez cette option si vous voulez prédire la valeur d'un champ cible en fonction des valeurs de ses voisins les plus proches.

Identifier uniquement les voisins les plus proches. Choisissez cette option si vous souhaitez simplement connaître les voisins les plus proches d'un champ d'entrée particulier.

Si vous choisissez de n'identifier que les voisins les plus proches, les options restantes de cet onglet en rapport avec l'exactitude et la vitesse sont désactivées car elles ne sont pertinentes que pour des cibles de prévision.

Quel est votre objectif ?

Lors de la prévision d'un champ cible, ce groupe d'options vous permet de décider si la vitesse, l'exactitude, ou un mélange des deux, sont les facteurs les plus importants. Vous pouvez également choisir de personnaliser vous-même les paramètres.

Si vous sélectionnez l'option Equilibrer, Vitesse ou Exactitude, l'algorithme présélectionne la combinaison de paramètres la plus appropriée pour cette option. Les utilisateurs avancés peuvent remplacer ces sélections ; cela est possible via les divers panneaux de l'onglet Paramètres.

Equilibrer la vitesse et la précision. Sélectionne le nombre le plus approprié de voisins dans un intervalle réduit.

Vitesse. Recherche un nombre fixe de voisins.

Exactitude. Sélectionne le nombre le plus approprié de voisins au sein d'un intervalle important et utilise l'importance des prédicteurs lors du calcul des distances.

Analyse personnalisée. Choisissez cette option pour affiner l'algorithme sur l'onglet Paramètres.

Remarque : La taille du modèle KNN obtenu, à la différence de la plupart des autres modèles, augmente de manière linéaire en fonction de la quantité de données d'apprentissage. Si vous voyez une erreur due à une insuffisance de mémoire, lors d'une tentative de création d'un modèle KNN, essayez d'augmenter la mémoire système maximum utilisée par IBM SPSS Modeler. Pour ce faire, sélectionnez :

Outils > **Options** > **Options système**

et saisissez la taille dans le champ **Mémoire maximale**. Les changements effectués dans la boîte de dialogue Options système ne prennent effet qu'une fois IBM SPSS Modeler redémarré.

Paramètres de noeud KNN

Vous pouvez spécifier, dans l'onglet Paramètres, les options spécifiques à l'analyse d'agrégation suivant le saut minimum. La barre latérale à gauche de l'écran répertorie les panneaux que vous utilisez pour spécifier les options.

Modèle

Le panneau Modèle fournit des options qui commandent la façon dont le modèle doit être créé. Par exemple, l'utilisation ou non de la partition ou de la découpe de modèles, la transformation ou non de champs d'entrée numériques afin qu'ils tombent tous dans le même intervalle et la façon de gérer les observations intéressantes. Vous pouvez aussi choisir un nom personnalisé pour le modèle.

Remarque : Les options **Utiliser des données partitionnées** et **Utiliser des libellés d'observation** ne peuvent pas utiliser le même champ.

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Utiliser des données partitionnées. Si une zone de partition est définie, seules les données d'apprentissage sont utilisées pour la création du modèle.

Créer des modèles de scission. Crée un modèle séparé pour chaque valeur possible des champs d'entrée spécifiés en tant que champs de découpage. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Pour sélectionner des champs manuellement... Par défaut, le noeud utilise les paramètres de partition et de champ de scission (le cas échéant) du noeud type, mais vous pouvez remplacer ces paramètres à ce stade. Pour activer les champs **Partition** et **Découpes**, sélectionnez l'onglet **Champs** puis sélectionnez **Utiliser les paramètres personnalisés**, puis revenez ici.

- **Partition.** Ce champ permet d'indiquer un champ utilisé pour partitionner les données en échantillons distincts pour les étapes d'apprentissage, de test et de validation de la création d'un modèle. L'utilisation d'un échantillon pour la génération du modèle et d'un échantillon distinct pour le tester vous permet d'avoir une bonne indication de la manière dont le modèle peut se généraliser à des jeux de données plus importants, similaires aux données actuelles. Si plusieurs champs de partition sont définis via des noeuds types ou Partitionner, vous devez en sélectionner un seul dans l'onglet Champs de chaque noeud de modélisation ayant recours au partitionnement. (Dans le cas d'une seule partition, cette partition est automatiquement utilisée lorsque la fonction de partition est activée.) Notez également que, pour appliquer la partition sélectionnée à l'analyse, vous devez activer l'option de partitionnement dans l'onglet Options de modèle du noeud. (Désélectionnez cette option pour pouvoir désactiver la partition sans modifier les paramètres du champ.)
- **Scissions** Pour des modèles découpés, sélectionnez le ou les champs de découpage. Cela revient à définir le rôle du champ sur la valeur *Division* dans un noeud type Vous pouvez désigner uniquement les champs de type **Indicateur**, **Nominal** ou **Ordinal** comme champs de découpage. Les champs sélectionnés comme champs de division ne peuvent pas être utilisés comme champs de cible, d'entrée,

de partition, de fréquence ou de pondération. Pour plus d'informations, voir «Création de modèles de scission», à la page 27.

Normaliser les entrées de plage. Cochez cette case pour normaliser les valeurs des champs d'entrée continus. Les fonctions normalisées ont le même intervalle de valeur, ce qui peut améliorer la performance de l'algorithme d'estimation. La normalisation ajustée, [2*(x–min)/(max–min)]–1, est utilisée. Les valeurs normalisées ajustées sont comprises entre -1 et 1.

Utiliser des libellés d'observation. Cochez cette case pour activer la liste déroulante, à partir de laquelle vous pouvez choisir un champ dont les valeurs seront utilisées comme libellés d'identification des observations intéressantes dans le graphique de l'espace des prédicteurs, le graphique des homologues, et la carte de cadran dans le Visualiseur de modèles. Vous pouvez choisir un des champs ayant un niveau de mesure *Nominal*, *Ordinal* ou *Indicateur* à utiliser en tant que le champ de libellé. Si vous ne sélectionnez aucun champ, les enregistrements sont affichés dans les graphiques du Visualiseur de modèles en fonction des plus proches voisins identifiés par numéro de ligne dans les données source. Si vous devez manipuler les données après la construction du modèle, utilisez des libellés d'observation afin d'éviter d'avoir à vous reporter aux données source à chaque fois afin d'identifier les observations affichées.

Identifier l'enregistrement focal. Cochez cette case pour activer la liste déroulante qui vous permet de marquer un champ d'entrée intéressant (uniquement pour les champs indicateurs). Si vous spécifiez un champ à ce stade, les points représentant ce champ sont sélectionnés à l'origine dans le Visualiseur de modèles lorsque le modèle est construit. La sélection d'un enregistrement central à ce stade est facultative ; tout point peut temporairement devenir un enregistrement central lorsqu'il est sélectionné manuellement dans le Visualiseur de modèles.

Voisins

Le panneau Voisins dispose d'un ensemble d'options qui commande la façon dont le nombre de voisins les plus proches est calculé.

Nombre de voisins les plus proches (k). Spécifiez le nombre de voisins les plus proches pour une observation particulière. Remarque : l'utilisation d'un nombre élevé de voisins ne garantit pas forcément un modèle plus précis.

Si l'objectif consiste à prévoir une cible, deux choix s'offrent à vous :

- **Spécifier le K fixe.** Utilisez cette option si vous souhaitez spécifier un nombre fixe de voisins les plus proches à rechercher.
- **Sélectionner automatiquement k.** Vous pouvez aussi utiliser les champs **Minimum** et **Maximum** afin de spécifier un intervalle de valeurs et d'autoriser la procédure à sélectionner le nombre "le plus approprié" de voisins dans cet intervalle. La méthode de détermination du nombre de voisins les plus proches varie selon que la sélection de fonction a été demandée ou non sur le panneau Sélection de fonction :

  Si oui, la sélection de fonction sera alors exécutée pour chaque valeur de *k* dans l'intervalle requis, et le *k* ainsi que le jeu de fonctions l'accompagnant, avec le taux d'erreur le plus faible (ou l'erreur de la somme des carrés la plus faible si la cible est continue), seront sélectionnés.

  Si la sélection de fonction n'est pas activée, la validation croisée de niveau *V* sera utilisée pour sélectionner le nombre de voisins "optimal". Consultez le panneau Validation croisée pour contrôler l'affectation des validations croisées.

Calcul de la distance. Il s'agit de la métrique employée pour spécifier la distance métrique utilisée dans la mesure de la similarité des observations.

- **Métrique euclidienne.** La distance entre deux observations, x et y, est la racine carrée de la somme, sur toutes les dimensions, des carrés des différences entre les valeurs de ces observations.
- **Mesure de la distance de Manhattan.** La distance entre deux observations est la somme, sur toutes les dimensions, des différences absolues entre les valeurs de ces observations. Appelée également distance City Block.

Si l'objectif consiste à prévoir une cible, vous pouvez également pondérer les fonctions par leur importance normalisée lors du calcul des distances. L'importance des fonctions pour un prédicteur est calculée par le rapport du taux d'erreur ou de la somme d'erreurs des carrés du modèle sans le prédicteur, sur le taux d'erreur ou la somme d'erreurs des carrés du modèle complet. L'importance normalisée est calculée par nouvelle pondération des valeurs d'importance des caractéristiques de sorte que leur somme soit égale à 1.

Pondérer les fonctions par importance lors du calcul des distances. (Affiché uniquement si l'objectif consiste à prévoir une cible.) Cochez cette case pour que l'importance des prédicteurs soit utilisée lors du calcul des distances entre voisins. L'importance du prédicteur sera ensuite affichée dans le nugget de modèle, et utilisée dans les prévisions (et affectera ainsi le scoring). Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

Prévisions du champ cible de type plage. (Affichées uniquement si l'objectif consiste à prévoir une cible.) Si une cible continue (intervalle numérique) est spécifiée, celle-ci définit si la valeur prédite est calculée en fonction de la moyenne ou de la valeur médiane des voisins les plus proches.

Sélection de fonction

Ce panneau est activé uniquement si l'objectif consiste à prévoir une cible. Il vous permet de demander et spécifier des options pour la sélection de fonction. Par défaut, toutes les caractéristiques sont prises en compte pour la sélection de caractéristiques, mais vous pouvez également sélectionner un sous-ensemble de caractéristiques à introduire de force dans le modèle.

Effectuer la sélection de fonctions. Cochez cette case pour activer les options de la sélection de fonction.

- **Entrée forcée.** Cliquez sur le sélecteur de champ en regard de cette zone et choisissez une ou plusieurs fonctions à inclure de force dans le modèle.

Critère d'arrêt. A chaque étape, la caractéristique dont l'addition au modèle entraîne l'erreur la plus faible (calculée comme le taux d'erreur pour une cible qualitative et l'erreur de la somme des carrés pour une cible continue) est prise en compte afin d'être incluse dans l'ensemble de modèle. La sélection ascendante se poursuit jusqu'à la rencontre de la condition spécifiée.

- **Arrêter lorsque le nombre de fonctions spécifié a été sélectionné.** L'algorithme ajoute un nombre fixe de caractéristiques en plus de celles introduites de force dans le modèle. Spécifiez un nombre entier positif. La diminution des valeurs du nombre à sélectionner produit un modèle plus réduit, au risque d'un manque de caractéristiques importantes. L'augmentation des valeurs du nombre à sélectionner capturera toutes les caractéristiques importantes, au risque d'ajouter des caractéristiques qui en réalité alimentent l'erreur du modèle.
- **Arrêter lorsque la modification du rapport d'erreur absolue est inférieure ou égale au minimum.** L'algorithme prend fin lorsque le changement dans le rapport d'erreur absolue indique que le modèle ne peut pas être davantage amélioré par l'ajout de nouvelles caractéristiques. Indiquez un nombre positif. La diminution de la valeur de l'incrément minimal aura tendance à inclure davantage de fonctions, au risque d'inclure des fonctions qui n'ajoutent pas beaucoup de valeur au modèle. L'augmentation de la valeur du changement minimal aura tendance à exclure davantage de caractéristiques, au risque de perdre des caractéristiques importantes pour le modèle. La valeur "optimale" du changement minimal dépendra de vos données et de l'application. Reportez-vous au Journal d'erreur de sélection des caractéristiques pour pouvoir déterminer quelles sont les caractéristiques les plus importantes. Pour plus d'informations, voir la rubrique «Journal d'erreur de sélection de prédicteurs », à la page 359.

Validation croisée

Ce panneau est activé uniquement si l'objectif consiste à prévoir une cible. Les options de ce panneau contrôlent l'utilisation ou non de la validation croisée lors du calcul des voisins les plus proches.

La validation croisée divise l'échantillon en plusieurs sous échantillons, ou **niveaux**. Les modèles du voisin le plus proche sont générés en excluant à tour de rôle les données de chaque sous-échantillon. Le premier modèle est basé sur toutes les observations à l'exception de celles du premier sous-échantillon, le deuxième modèle est basé sur toutes les observations à l'exception de celles du deuxième sous-

échantillon, etc. L'erreur est estimée pour chaque modèle en appliquant le modèle au sous-échantillon exclu lors de la génération du modèle. Le "meilleur" nombre des voisins les plus proches est celui qui produit l'erreur la plus faible sur les sous-échantillons.

Niveaux de validation croisée. Le Niveau *V* de validation croisée est utilisé pour déterminer le "meilleur" nombre de voisins. Il n'est pas disponible en association avec la sélection de caractéristiques pour des raisons de performance.

- **Affecter aléatoirement des observations aux niveaux.** Spécifier le nombre de niveaux à utiliser pour la validation croisée. Cette procédure affecte aléatoirement des observations aux sous-échantillons, numérotés de 1 à *V*, le nombre de sous-échantillons.
- **Définir une valeur de départ aléatoire.** Lors de l'estimation de l'exactitude d'un modèle basé sur un pourcentage aléatoire, cette option vous permet de dupliquer les mêmes résultats dans une autre session. Indiquez la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires pour vous assurer que les mêmes enregistrements sont affectés à chaque exécution du noeud. Entrez la valeur de départ souhaitée. Si cette option n'est pas sélectionnée, un échantillon différent est généré à chaque exécution du noeud.
- **Utiliser un champ pour affecter des observations.** Indiquez un champ numérique qui affecte chaque observation du de l'ensemble de données actif à un niveau. Le champ doit être numérique et recevoir des valeurs comprises entre 1 et *V*. Une erreur sera renvoyée si des valeurs sont manquantes sur cette plage ou sur des champs divisés si des modèles découpés sont utilisés.

Analyse

Le panneau Analyser est activé uniquement si l'objectif consiste à prévoir une cible. Vous pouvez l'utiliser pour spécifier si le modèle doit inclure des variables supplémentaires pour contenir :

- des probabilités pour chaque valeur de champ cible possible
- des distances entre une observation et ses voisins les plus proches
- des scores de propension brute et ajustée (uniquement pour des cibles indicateur).

Ajouter toutes les probabilités. Si cette option est cochée, les probabilités pour chaque valeur possible d'un champ cible Nominal ou Indicateur sont affichées pour chaque enregistrement traité par le noeud. Sinon, seule la valeur prédite et la probabilité correspondante sont affichées pour les champs cible de type nominal ou indicateur.

Enregistrer les distances entre les observations et les k plus proches voisins. Pour chaque enregistrement focal, une variable distincte est créée pour chacun des *k* voisins les plus proches de l'enregistrement focal (à partir de l'échantillon d'apprentissage) et les *k* distances les plus proches correspondantes.

Scores de propension

Des scores de propension peuvent être établis dans le noeud de modélisation et dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle. Cette fonctionnalité n'est disponible que lorsque la cible sélectionnée est un champ indicateur. Pour plus d'informations, voir «Scores de propension», à la page 34.

Calculer les scores de propension brute. Les scores de propension brute sont calculés à partir du modèle uniquement en fonction des données d'apprentissage. Si le modèle prédit la valeur *true (vrai)* (que cette valeur va être la réponse), alors la propension est identique à P, où P est la probabilité de la prédiction. Si le modèle prédit la valeur false (faux), alors la propension est calculée sous la forme (1 - P).

- Si vous choisissez cette option lors de la construction du modèle, des scores de propension sont activés par défaut dans le nugget du modèle. Cependant, vous pouvez toujours choisir d'activer des scores de propension brute dans le nugget du modèle que vous les sélectionniez ou non dans le noeud de modélisation.
- Lors du scoring du modèle, des scores de propension brute seront ajoutés dans un champ avec les lettres *RP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RRP-churn*.

Calculer les scores de propension ajustée. Les propensions brutes sont uniquement basées sur des estimations données par le modèle, qui peut être surajusté, ce qui entraîne des estimations trop optimistes de la propension. Les propensions ajustées tentent de compenser en vérifiant comment le modèle se comporte sur des partitions de test ou de validation et en ajustant les propensions pour donner une meilleure estimation en conséquence.

- Ce paramètre nécessite qu'un champ de partition valide soit présent dans le flux.
- A la différence des scores de confiance brute, les scores de propension ajustée doivent être calculés lors de la construction du modèle ; sinon, ils ne seront pas disponibles lors du scoring du nugget du modèle.
- Lors du scoring du modèle, des scores de propension ajustée seront ajoutés dans un champ avec les lettres *AP* ajoutées au préfixe standard. Par exemple, si les prédictions se trouvent dans un champ nommé *$R-churn*, le nom du champ de score de propension est *$RAP-churn*. Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles de régression logistique.
- Lors du calcul des scores de propension ajustée, la partition de test ou de validation utilisée pour le calcul ne doit pas avoir été équilibrée. Pour éviter cela, assurez-vous que l'option **Equilibrer uniquement les données d'apprentissage** est sélectionnée dans tous les noeuds Equilibrer en amont. De plus, si un échantillon complexe a été pris en amont, cela invalide les scores de propension ajustée.
- Les scores de propension ajustée ne sont pas disponibles pour des modèles d'arbres "améliorés" et d'ensemble de règles. Pour plus d'informations, voir «Modèles C5.0 améliorés», à la page 124.

Nugget de modèle KNN

Le modèle KNN crée plusieurs nouveaux champs, comme illustré dans la table suivante. Pour consulter ces champs et les valeurs correspondantes, ajoutez un noeud Table au nugget du modèle KNN et exécutez le noeud Table ou cliquez sur le bouton Aperçu du nugget.

Tableau 32. Champs de modèle KNN

Nouveau nom de champ	Description
$KNN-*nom_champ*	Valeur prédite du champ cible.
$KNNP-*nom_champ*	Probabilité de la valeur prédite.
$KNNP-*valeur*	Probabilité de chaque valeur possible d'un champ nominal ou indicateur. Inclus uniquement si **Ajouter toutes les probabilités** est coché dans l'onglet Paramètres du nugget de modèle.
$KNN-neighbor-*n*	Le nom du *n*ième voisin le plus proche de l'enregistrement central. Inclus uniquement si **Afficher le plus proche** de l'onglet Paramètres du nugget de modèle est configuré sur une valeur différente de zéro.
$KNN-distance-*n*	La distance relative de l'enregistrement central au *n*ième voisin le plus proche de l'enregistrement central. Inclus uniquement si **Afficher le plus proche** de l'onglet Paramètres du nugget de modèle est configuré sur une valeur différente de zéro.

Vue du modèle d'agrégation suivant le saut minimum

Vue du modèle

La vue de modèle dispose d'une fenêtre à deux panneaux :

- Le premier affiche une présentation du modèle, appelée vue principale.
- Le second affiche un des deux types de vues :

  Une vue de modèle auxiliaire affiche davantage d'informations sur le modèle, mais n'est pas focalisée sur le modèle lui-même.

Un vue liée est une vue montrant les détails d'une caractéristique du modèle lorsque l'utilisateur fait défiler une partie de la vue principale.

Par défaut, le premier panel affiche l'espace du prédicteur et le second le graphique d'importance des prédicteurs. Si le graphique d'importance des prédicteurs n'est pas disponible ; c'est-à-dire, lorsque l'option **Pondérer les fonctions par importance** n'a pas été sélectionnée sur le panneau Voisins de l'onglet Paramètres, la première vue disponible dans la liste déroulante Vue est affichée.

Lorsqu'une vue n'a pas d'informations disponibles, elle est omise de la liste déroulante Vue.

Espace du prédicteur

Le graphique d'espace du prédicteur est un graphique interactif de l'espace du prédicteur (ou un sous-espace, s'il existe plus de 3 prédicteurs). Chaque axe représente un prédicteur du modèle, et l'emplacement des points dans le graphique montre la valeur de ces prédicteurs pour des observations dans les partitions de formation et traitée.

Clés. En plus des valeurs des prédicteurs, les points du diagramme contiennent d'autres informations.

- La forme indique la partition à laquelle appartient un point, Formation ou Traité.
- La couleur/ombrage d'un point indique la valeur de la cible pour cette observation, avec les valeurs de couleur distinctes correspondant aux modalités d'une cible qualitative, et les ombres indiquant l'intervalle des valeurs d'une cible continue. La valeur indiquée pour la partition de formation est la valeur observée. Pour la partition traitée, il s'agit de la valeur prévue. Si aucune cible n'est spécifiée, la clé ne s'affiche pas.
- Les contours plus épais indiquent que l'observation est focale. Les enregistrements centraux sont affichées avec un lien vers les *k* voisins les plus proches.

Commandes et interactivité. Un certain nombre de commandes dans le graphique vous permettent d'explorer l'espace du prédicteur.

- Vous pouvez choisir quel sous-ensemble de prédicteurs vous souhaitez afficher dans le graphique et modifier les prédicteurs à représenter dans les dimensions.
- Les "enregistrement focaux" sont tout simplement des points sélectionnés dans le graphique de l'espace du prédicteur. Si vous avez spécifié une variable d'enregistrement central, les points représentant les enregistrements centraux seront sélectionnées dès le début. Cependant, tous les points peuvent devenir temporairement un enregistrement central si vous les sélectionnez. Les commandes "habituelles" pour la sélection des points sont appliquées. Cliquer sur un point permet de sélectionner ce point et de desélectionner tous les autres. Cliquer sur un point avec la touche Ctrl enfoncée ajoute ce point à l'ensemble des points sélectionnés. Les vues liées, tels que le graphique des homologues, sont automatiquement mis à jour en fonction des observations sélectionnées dans l'espace du prédicteur.
- Vous pouvez modifier le nombre de voisins les plus proches (*k*) à afficher pour les enregistrements centraux.
- Positionner le curseur sur un point du graphique affiche une note d'aide avec la valeur du libellé d'observation, ou le nombre d'observations si les libellés d'observation ne sont pas définis, et les valeurs des cibles observées et prévues.
- Un bouton "Réinitialiser" vous permet de rétablir l'Espace du prédicteur à son état d'origine.

Modification des axes du graphique de l'espace du prédicteur

Vous pouvez contrôler les fonctions à afficher sur les axes du graphique de l'espace du prédicteur.

Pour modifier les paramètres des axes :

1. Cliquez sur le bouton Mode d'édition (icône du pinceau) dans le panneau de gauche pour sélectionner le mode d'édition de l'espace du prédicteur.
2. Modifiez la vue (sur ce que vous voulez) dans le panneau de droite. Le panneau **Afficher les zones** apparaît entre les deux panneaux principaux.

3. Cochez la case **Afficher les zones**.
4. Cliquez sur un point de données dans l'espace du prédicteur.
5. Pour remplacer un axe par un prédicteur du même type de données :
   - Faites glisser le nouveau prédicteur sur le libellé de zone (celui avec le petit bouton X) de la fonction que vous souhaitez remplacer.
6. Pour remplacer un axe par un prédicteur d'un type de données différent :
   - Dans le libellé de zone du prédicteur à remplacer, cliquez sur le bouton X. L'espace du prédicteur passe en vue bidimensionnelle.
   - Faites glisser le nouveau prédicteur sur le libellé de zone **Ajouter une dimension**.
7. Cliquez sur le bouton du mode d'interaction (icône de pointe de flèche) dans le panneau de gauche pour quitter le mode d'édition.

Importance des prédicteurs

En général, vous préférerez concentrer vos efforts de modélisation sur les champs prédicteurs les plus importants et abandonner ou ignorer les moins importants. Le graphique d'importance des prédicteurs peut vous y aider en indiquant l'importance relative de chaque prédicteur en estimant le modèle. Etant donné que les valeurs sont relatives, la somme des valeurs pour l'ensemble des prédicteurs affichée est 1,0. L'importance des prédicteurs n'a aucun rapport avec l'exactitude du modèle. Elle est juste rattachée à l'importance de chaque prédicteur pour la réalisation d'une prévision, peu importe si cette dernière est précise ou non.

Distances du voisin le plus proche

Ce tableau affiche les *k* voisins les plus proches et les distances pour les enregistrement centraux uniquement. Il est disponible si un identificateur d'enregistrement central est spécifié sur le noeud de modélisation, et n'affiche que les enregistrement centraux identifiés par cette variable.

Chaque ligne de :

- La colonne **Enregistrement central** contient la valeur de la variable d'étiquetage des observations pour l'enregistrement central. Si les libellés d'observations ne sont pas définies, cette colonne contient le nombre d'observations de l'enregistrement central.
- La *i*ème colonne sous le groupe **Voisins les plus proches** contient la valeur de la variable étiquetant le *i*ème voisin le plus proche de l'enregistrement central ; s'il n'y a pas de libellés définis, cette colonne contient le numéro du *i*ème voisin le plus proche de l'enregistrement central.
- La *i*ème colonne sous le groupe **Distances les plus proches** contient la distance du *i* ème voisin le plus proche de l'enregistrement central

Pairs

Ce graphique affiche les observations focales et leurs *k* voisins les plus proches sur chaque prédicteur et sur la cible. Il est disponible si une observation focale est sélectionnée dans l'espace du prédicteur.

Le graphique des homologues est lié à l'espace du prédicteur de deux façons.

- Les observations sélectionnées (focales) dans l'espace du prédicteur sont affichées dans le graphique des homologues, ainsi que leurs *k* voisins les plus proches.
- La valeur de *k* sélectionnée dans l'espace du prédicteur est utilisée dans le graphique des homologues.

Sélectionner les prédicteurs. Vous permet de sélectionner les prédicteurs à afficher dans le graphique des homologues.

Carte des quadrants

Ce graphique affiche les observations focales et leur *k* voisins les plus proches sur un nuage de points (ou graphique de points, selon le niveau de mesure de la cible) avec la cible sur l'axe *y* et un prédicteur

d'échelle sur l'axe *x*, affichés sous forme de panel par prédicteur. Il est disponible si une cible existe et si une observation focale est sélectionnée dans l'espace du prédicteur.

- Les lignes de référence sont tracées pour des variables continues, aux moyennes variables dans la partition de formation.

Sélectionner les prédicteurs. Vous permet de sélectionner les prédicteurs à afficher dans la carte de cadran.

Journal d'erreur de sélection de prédicteurs

Les points du graphique affichent l'erreur (le rapport du taux d'erreur ou l'erreur de la somme des carrés, selon le niveau de mesure de la cible) sur l'axe *y* pour le modèle avec le prédicteur sur l'axe *x* (plus toutes les caractéristiques à gauche sur l'axe *x*). Ce graphique est disponible si une cible existe et si la sélection des caractéristiques est activée.

Table de classification

Cette table affiche par partition la classification croisée des valeurs prévues de la cible observées contre celles prévues. Il est disponible s'il y a une cible et si elle est catégorielle (indicateur, nominal ou ordinal).

- La ligne **(Manquante)** dans la partition traitée contient des observations traitées contenant des valeurs manquantes sur la cible. Ces observations contribuent à l'échantillon restant : Les valeurs de pourcentage global mais pas les valeurs de pourcentage correct.

Récapitulatif d'erreur

Ce tableau est disponible si une variable cible existe. Il affiche l'erreur associée au modèle, la somme des carrés pour une cible continue et le taux d'erreur (100% - pourcentage général correct) pour une cible qualitative.

Paramètres du modèle KNN

L'onglet Paramètres vous permet de demander l'affichage de champs supplémentaires lorsque vous consultez les résultats (par exemple, en exécutant un noeud table relié au nugget). Vous pouvez voir les effets de chacune de ces options en les sélectionnant et en cliquant sur le bouton Aperçu. Faites défiler vers la droite la fenêtre de sortie Aperçu pour afficher les champs supplémentaires.

Ajouter toutes les probabilités (valide uniquement pour les cibles catégorielles). Si cette option est cochée, les probabilités pour chaque valeur possible d'un champ cible Nominal ou Indicateur sont affichées pour chaque enregistrement traité par le noeud. Sinon, seule la valeur prédite et la probabilité correspondante sont affichées pour les champs cible de type nominal ou indicateur.

Le paramètre par défaut de cette case à cocher est déterminé par la case correspondante sur le noeud de modélisation.

Calculer les scores de propension brute. Pour les modèles disposant d'une variable cible indicateur (retournant une prédiction oui ou non), vous pouvez demander des scores de propension qui indiquent la probabilité du résultat vrai spécifié pour le champ cible. Ces scores viennent s'ajouter aux autres valeurs de prédiction et de confiance qui peuvent être générées pendant le scoring.

Calculer les scores de propension ajustée. Les scores de propension brute sont uniquement basés sur les données d'apprentissage et peuvent être exagérément optimiste en raison de la tendance de nombreux modèles à sur-ajuster ces données. Les propensités ajustées tentent de compenser cet écart en évaluant les performances par rapport à un test ou à une partition de validation. Cette option nécessite la définition d'un champ de partition dans le flux et les scores de propension ajustée doivent être activés dans le noeud de modélisation avant la génération du modèle.

Afficher le plus proche. Si vous configurez cette valeur sur *n*, où *n* représente un entier positif différent de zéro, les *n* voisins les plus proches de l'enregistrement central sont inclus dans le modèle, ainsi que leur distance relative à l'enregistrement central.

Chapitre 17. Noeuds Python

SPSS Modeler fournit des noeuds pour utiliser des algorithmes natifs Python. L'onglet **Python** sur la Palette de noeuds contient les noeuds suivants qui vous permettent d'exécuter des algorithmes Python. Ces noeuds sont pris en charge sous Windows 64, Linux64 et Mac.

Le noeud SMOTE (Minority Over-sampling Technique) fournit un algorithme de suréchantillonnage qui traite les jeux de données déséquilibrés. Il fournit également une méthode avancée d'équilibrage des données. Le noeud du processus SMOTE de SPSS Modeler est mis en oeuvre en Python et nécessite la bibliothèque Python `imbalanced-learn`.

XGBoost Linear© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle linéaire comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. Le noeud XGBoost Linear de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python.

XGBoost Tree est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle d'arbre comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost Tree fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost Tree de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est mis en oeuvre dans Python.

t-SNE (t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding) est un outil permettant de visualiser des données en grande dimension. Il convertit les analogies de points de données en probabilités. Ce noeud t-SNE de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`©.

Un modèle Mixture© de Gauss est un modèle probabiliste qui suppose que tous les points de données sont générés à partir d'un mélange d'un nombre fini de distributions de Gauss avec des paramètres inconnus. On peut penser que les modèles de mélange comme généralisant le clustering k moyenne pour incorporer des informations sur la structure de covariance des données ainsi que les centres des distributions de Gauss latentes. Le noeud Gaussian Mixture de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque Gaussian Mixture. Ce noeud est mis en oeuvre dans Python.

L'estimation de densité par noyau (Kernel Density Estimation ou KDE)© utilise les algorithmes Arbre sphérique ou Arbre KD pour des requêtes efficaces et combine des concepts provenant de l'apprentissage non supervisé, de la création de fonctions et de la modélisation de données. Les approches basées sur des voisins comme KDE sont quelques-unes des techniques d'estimation de la densité les plus populaires et les plus utiles. Les noeuds KDE Modeling et KDE Simulation de SPSS Modeler exposent les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque KDE. Les noeuds sont mis en oeuvre dans Python.

Le noeud Random Forest utilise une implémentation avancée d'un algorithme de bagging employant un modèle d'arbre comme modèle de base. Ce noeud de modélisation Forest de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`©.

L'algorithme HDBSCAN (Hierarchical Density-Based Spatial Clustering)© utilise l'apprentissage non supervisé pour rechercher des clusters, ou des régions denses, d'un ensemble de données. Le noeud HDBSCAN de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque HDBSCAN. Il est implémenté dans Python, et vous pouvez l'utiliser pour classer votre ensemble de données en groupes distincts lorsque vous ne savez pas quels étaient ces groupes au départ.

Le noeud SVM à classe unique utilise un algorithme d'apprentissage non supervisé dédié principalement à la détection des nouveautés. Il détecte la limite douce d'un ensemble d'échantillons donné, pour ensuite classifier les nouveaux points comme appartenant à cet ensemble ou pas. Ce noeud de modélisation SVM à classe unique de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`.

Noeud SMOTE

Le noeud Synthetic Minority Over-sampling Technique (SMOTE) fournit un algorithme de suréchantillonnage permettant de traiter les jeux de données déséquilibrés. Il offre une méthode avancée d'équilibrage des données. Le noeud du processus SMOTE est mis en oeuvre en Python et nécessite la bibliothèque Python `imbalanced-learn`. Pour plus d'informations sur la bibliothèque imbalanced-learn, voir https://imbalanced-learn.org/stable/[1].

L'onglet Python sur la Palette de noeuds contient le noeud SMOTE et d'autres noeuds Python.

[1]Lemaître, Nogueira, Aridas. "Imbalanced-learn: A Python Toolbox to Tackle the Curse of Imbalanced Datasets in Machine Learning." *Journal of Machine Learning Research*, vol. 18, no. 17, 2017, pp. 1-5. (http://jmlr.org/papers/v18/16-365.html)

Paramètres du noeud SMOTE

Définissez les paramètres suivants sous l'onglet **Paramètres** du noeud SMOTE.

Paramètre cible

Champ cible. Sélectionnez le champ cible. Tous les types de mesure discret, nominal, ordinal ou indicateur sont pris en charge. Si l'option **Utiliser des données partitionnées** est sélectionnée dans la section Partition, seules les données d'apprentissage seront suréchantillonnées.

Rapport de suréchantillonnage

Sélectionnez **Automatique** pour sélectionner automatiquement un ratio de suréchantillonnage ou sélectionnez **Définir le rapport (minorité sur majorité)** pour définir un ratio personnalisé. Le ratio correspond au nombre d'échantillons dans la classe minoritaire sur le nombre d'échantillons dans la classe majoritaire. La valeur doit être supérieure à **0** et inférieure ou égale à **1**.

Valeur de départ aléatoire

Définir une valeur de départ aléatoire. Sélectionnez cette option et cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Méthodes

Type d'algorithme. Sélectionnez le type d'algorithme SMOTE que vous souhaitez utiliser.

Règles d'échantillonnage

K_Neighbours. Spécifiez le nombre de voisins les plus proches à utiliser pour la construction d'échantillons synthétiques

M_Neighbours. Spécifiez le nombre de voisins les plus proches à utiliser pour déterminer si un échantillon minoritaire est en danger. Ce paramètre n'est utilisé que si le type d'algorithme SMOTE **Borderline1** ou **Borderline2** est sélectionné.

Partition

Utiliser les données partitionnées. Sélectionnez cette option si vous souhaitez que seules les données d'apprentissage soient suréchantillonnées.

Le noeud SMOTE requiert la bibliothèque Python `imbalanced-learn`. Le tableau suivant présente la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud SMOTE SPSS Modeler et l'algorithme Python.

Tableau 33. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Nom du paramètre de l'API Python
Rapport de suréchantillonnage (contrôle d'entrée des nombres)	`sample_ratio_value`	`ratio`
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`random_state`
K_Neighbours	`k_neighbours`	`k`
M_Neighbours	`m_neighbours`	`m`
Type d'algorithme	`algorithm_kind`	`kind`

Noeud XGBoost Linear

XGBoost Linear© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle linéaire comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. Le noeud XGBoost Linear de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de boosting, découvrez les tutoriels XGBoost disponibles à l'adresse suivante : http://xgboost.readthedocs.io/en/latest/tutorials/index.html. [1]

Remarque : la fonction de validation croisée XGBoost n'est pas prise en charge dans SPSS Modeler. Vous pouvez utiliser le noeud Partition SPSS Modeler pour cette fonctionnalité. Notez également que dans SPSS Modeler, XGBoost effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

[1] "XGBoost Tutorials." *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

Champs du noeud XGBoost Linear

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) pour un noeud type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement une cible et des prédicteurs, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux champs des rôles Cible et Prédicteurs à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible de la prévision.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Options de génération du noeud XGBoost Linear

L'onglet Options de génération permet de spécifier des options de génération relatives au noeud XGBoost Linear, notamment des **options basiques** définissant les paramètres de boost linéaire et la génération de modèle, ainsi que des **options de tâches d'apprentissage** d'objectifs. Pour des informations supplémentaires sur ces options, voir les ressources en ligne suivantes :

- XGBoost Parameter Reference[1]
- XGBoost Python API[2]
- Page d'accueil de XGBoost[3]

De base

Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt) Sélectionnez cette option pour activer l'Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt), qui détecte automatiquement la combinaison optimale de paramètres, permettant au modèle d'atteindre le taux d'erreur attendu ou un taux plus faible sur les échantillons. Pour plus d'informations sur Rbfopt, voir http://rbfopt.readthedocs.io/en/latest/rbfopt_settings.html.

Alpha. Terme de régularisation de niveau 1 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Lambda. Terme de régularisation de niveau 2 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Biais lambda. Terme de régularisation de niveau 2 sur le biais. (Il n'existe aucun terme de régularisation de niveau 1 sur le biais car ce n'est pas important.)

Nombre d'itérations de boosting. Nombre d'itérations de boosting.

Tâche d'apprentissage

Les critères objectifs. Choisissez parmi les types d'objectif de tâche d'apprentissage suivants : **reg:linear**, **reg:logistic**, **reg:gamma**, **reg:tweedie**, **count:poisson**, **rank:pairwise**, **binary:logistic** ou **multi**.

Valeur de départ aléatoire. Vous pouvez cliquer sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud XGBoost Linear SPSS Modeler et ceux de la bibliothèque Python XGBoost.

Tableau 34. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre XGBoost
Cible	`TargetField`	
Prédicteurs	`InputFields`	
Lambda	`lambda`	`lambda`
Alpha	`alpha`	`alpha`

Tableau 34. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python (suite)

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre XGBoost
Biais lambda	`lambdaBias`	`lambda_bias`
Nombre d'itérations de boosting	`numBoostRound`	`num_boost_round`
Objectif	`objectiveType`	`objective`
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`seed`

[1] "XGBoost Parameters" *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

[2] "Plotting API" *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

[3] "Scalable and Flexible Gradient Boosting." Web. © 2015-2016 DMLC.

Options de modèle du noeud XGBoost Linear

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Noeud XGBoost Tree

XGBoost Tree est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient qui utilise un modèle d'arbre comme modèle de base. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost Tree fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost Tree de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est mis en oeuvre dans Python.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de boosting, découvrez les tutoriels XGBoost disponibles à l'adresse suivante : http://xgboost.readthedocs.io/en/latest/tutorials/index.html. [1]

Remarque : la fonction de validation croisée XGBoost n'est pas prise en charge dans SPSS Modeler. Vous pouvez utiliser le noeud Partition SPSS Modeler pour cette fonctionnalité. Notez également que dans SPSS Modeler, XGBoost effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

[1] "XGBoost Tutorials." *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

Champs du noeud XGBoost Tree

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) pour un noeud type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement une cible et des prédicteurs, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux champs des rôles Cible et Prédicteurs à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible de la prévision.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Options de génération du noeud XGBoost Tree

L'onglet Options de génération permet de spécifier des options de génération relatives au noeud XGBoost Tree, notamment des **options basiques** en matière de génération de modèle et de croissance d'arbre, des **options de tâches d'apprentissage** associées aux objectifs et des **options avancées** portant sur le contrôle du surajustement et le traitement des jeux de données déséquilibrés. Pour des informations supplémentaires sur ces options, voir les ressources en ligne suivantes :

- XGBoost Parameter Reference[1]
- XGBoost Python API[2]
- Page d'accueil de XGBoost[3]

De base

Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt) Sélectionnez cette option pour activer l'Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt), qui détecte automatiquement la combinaison optimale de paramètres, permettant au modèle d'atteindre le taux d'erreur attendu ou un taux plus faible sur les échantillons. Pour plus d'informations sur Rbfopt, voir http://rbfopt.readthedocs.io/en/latest/rbfopt_settings.html.

Méthode d'arbre. Sélectionnez l'algorithme de construction d'arbre XGBoost à utiliser.

Nombre d'itérations de boosting. Indiquez le nombre d'itérations de boosting.

Nombre de niveaux max. Indiquez le nombre maximal de niveaux des arbres. L'augmentation de cette valeur complexifie le modèle et le rend éligible au surajustement.

Pondération d'enfant min. Indiquez la somme minimale des pondérations d'instance (de Hess) nécessaire dans un enfant. Si l'étape de partition d'arbre a pour conséquence un noeud terminal correspondant à la somme des pondérations d'instance moins la valeur de **Pondération d'enfant min**, le processus de génération arrête le partitionnement. Dans le mode de régression linéaire, ceci correspond simplement au nombre minimal d'instances requises dans chaque noeud. Plus la pondération est grande et plus l'algorithme est conservateur.

Etape delta max. Indiquez l'étape delta maximale pour permettre l'estimation de la pondération de chaque arbre. Si ce paramètre est défini sur **0**, il n'existe pas de contrainte. Si ce paramètre est défini sur une valeur positive, il peut contribuer à rendre l'étape de mise à jour plus conservatrice. En général, ce paramètre n'est pas nécessaire mais il peut être utile pour la régression logistique en cas d'extrême déséquilibre d'une classe.

Tâche d'apprentissage

Les critères objectifs. Choisissez parmi les types d'objectif de tâche d'apprentissage suivants : **reg:linear**, **reg:logistic**, **reg:gamma**, **reg:tweedie**, **count:poisson**, **rank:pairwise**, **binary:logistic** ou **multi**.

Arrêt précoce. Sélectionnez cette option si vous souhaitez utiliser la fonction arrêt précoce. Pour le **nombre d'arrêts**, les erreurs de validation doivent diminuer au moins à chaque nombre d'arrêts précoces pour poursuivre l'apprentissage. Le **ratio des données d'évaluation** correspond à celui des données d'entrée utilisé pour les erreurs de validation.

Valeur de départ aléatoire. Vous pouvez cliquer sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Options avancées

Sous-échantillon. Le sous-échantillon est le rapport de l'instance d'apprentissage. Par exemple, si vous affectez à ce paramètre la valeur **0.5**, XGBoost collecte la moitié des instances de données de manière aléatoire afin de faire croître les arbres, ce qui permet d'éviter le surajustement.

Eta. Réduction de la taille d'étape utilisée lors de l'étape de mise à jour afin d'éviter le surajustement. Après chaque étape de boosting, les pondérations des nouvelles fonctionnalités peuvent être obtenues

directement. Eta réduit également les pondérations des fonctions afin de rendre le processus de boosting plus conservateur.

Gamma. Réduction des pertes minimale requise pour créer une autre partition sur un noeud terminal de l'arbre. Plus le paramètre gamma est grand et plus l'algorithme est conservateur.

Colsample par arbre. Rapport du sous-échantillon de colonnes lors de la construction de chaque arbre.

Colsample par niveau. Rapport du sous-échantillon de colonnes pour chaque scission par niveau.

Lambda. Terme de régularisation de niveau 2 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Alpha. Terme de régularisation de niveau 1 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Mettre à l'échelle des pondérations. Permet de contrôler l'équilibre des pondérations positives et négatives. Ce paramètre est utile dans le cas de classes déséquilibrées.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud XGBoost Tree SPSS Modeler et ceux de la bibliothèque Python XGBoost.

Tableau 35. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre XGBoost**
Cible	`TargetField`	
Prédicteurs	`InputFields`	
Méthode d'arbre	`treeMethod`	`tree_method`
Nombre d'itérations de boosting	`numBoostRound`	`num_boost_round`
Nombre de niveaux max.	`maxDepth`	`max_depth`
Pondération d'enfant min.	`minChildWeight`	`min_child_weight`
Etape delta max.	`maxDeltaStep`	`max_delta_step`
Objectif	`objectiveType`	`objective`
Arrêt précoce	`earlyStopping`	`early_stopping_rounds`
nombre d'arrêts	`stoppingRounds`	
Ratio des données d'évaluation	`evaluationDataRatio`	
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`seed`
Sous-échantillon	`sampleSize`	`subsample`
Eta	`êta`	`êta`
Gamma	`gamma`	`gamma`
Colsample par l'arbre	`colsSampleRatio`	`colsample_bytree`
Colsample par niveau	`colsSampleLevel`	`colsample_bylevel`
Lambda	`lambda`	`lambda`
Alpha	`alpha`	`alpha`
Mettre à l'échelle des pondérations	`scalePosWeight`	`scale_pos_weight`

[1] "XGBoost Parameters" *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

[2] "Plotting API" *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

[3] "Scalable and Flexible Gradient Boosting." Web. © 2015-2016 DMLC.

Options de modèle du noeud XGBoost Tree

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Noeud t-SNE

t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding (t-SNE)© est un outil permettant de visualiser des données en grande dimension. Il convertit les analogies de points de données en probabilités. Les analogies de l'espace initial sont représentées par des probabilités jointes de Gauss et les analogies de l'espace intégré sont représentées par des lois t de Student. Cela rend t-SNE particulièrement sensible à la structure locale et présente d'autres avantages par rapport aux techniques existantes : [1]

- Indique la structure à plusieurs échelles sur une seule mappe
- Révèle les données stockées dans plusieurs collecteurs ou clusters différents
- Réduit l'agglomération de points au centre

Le noeud t-SNE de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`©. Pour plus d'informations sur t-SNE et la bibliothèque scikit-learn, voir :

- https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.manifold.TSNE.html#sklearn.manifold.TSNE
- https://scikit-learn.org/stable/modules/manifold.html#t-sne

L'onglet Python sur la Palette de noeuds contient ce noeud et d'autres noeuds Python. Le noeud t-SNE est également disponible dans l'onglet Graphiques.

[1] Références :

van der Maaten, L.J.P.; Hinton, G. "Visualizing High-Dimensional Data using t-SNE." Journal of Machine Learning Research. 9:2579-2605, 2008.

van der Maaten, L.J.P. "t-Distributed Stochastic Neighbor Embedding."

van der Maaten, L.J.P. "Accelerating t-SNE using Tree-Based Algorithms." Journal of Machine Learning Research. 15(Oct):3221-3245, 2014.

Options expert du noeud t-SNE

Sélectionnez le mode **Simple** ou **Expert** en fonction des options que vous souhaitez définir pour le noeud t-SNE.

Type de visualisation. Sélectionnez **2D** ou **3D** pour indiquer s'il faut tracer le graphique en deux ou trois dimensions.

Méthode : Sélectionnez **Barnes Hut** ou **Exact**. Par défaut, l'algorithme de calcul de gradient utilise la simulation de Barnes-Hut, laquelle s'exécute bien plus rapidement que la méthode Exact. La simulation de Barnes-Hut permet d'appliquer la technique t-SNE à des jeux de données réels volumineux. L'algorithme Exact permettra d'éviter plus efficacement les erreurs liées aux voisins les plus proches.

Init. Sélectionnez **Aléatoire** ou **ACP** pour l'initialisation de l'incorporation.

Champ cible. Sélectionnez l'affichage sous forme de table des couleurs pour la zone cible sur le graphique de sortie. Le graphique utilisera une seule couleur si aucune zone cible n'est indiquée à cet endroit.

Optimisation

Perplexité. La perplexité est liée au nombre de voisins les plus proches qui sont utilisés dans d'autres algorithmes d'apprentissage divers. Les jeux de données plus volumineux nécessitent généralement une

plus grande perplexité. Sélectionnez de préférence une valeur comprise entre **5** et **50**. La valeur par défaut est **30**, et l'intervalle est **2 - 9999999**.

Exagération précoce. Ce paramètre détermine à quel point les clusters naturels de l'espace d'origine seront proches dans l'espace intégré, ainsi que l'espace qui les séparera. La valeur par défaut est **12**, et l'intervalle est **2 - 9999999**.

Taux d'apprentissage. Si le taux d'apprentissage est trop élevé, les données peuvent ressembler à une "balle" : tous les points sont à peu près équidistants de leurs voisins les plus proches. Si le taux d'apprentissage est trop faible, il se peut que tous les points soient compressés dans un nuage dense avec peu de valeurs éloignées. Si la fonction de coût se retrouve bloquée dans un mauvais minimum local, il est recommandé d'essayer d'augmenter le taux d'apprentissage. La valeur par défaut est **200**, et l'intervalle est **0 - 9999999**.

Itérations max Nombre maximal d'itérations pour l'optimisation. La valeur par défaut est **1000**, et l'intervalle est **250 - 9999999**.

Taille angulaire. Taille angulaire d'un noeud distant mesurée à partir d'un point. Entrez une valeur entre **0** et **1**. La valeur par défaut est **0,5**.

Valeur de départ aléatoire

Définir une valeur de départ aléatoire. Sélectionnez cette option et cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Condition d'arrêt de l'optimisation

Itérations max sans avancement. Le nombre maximum d'itérations sans avancement à effectuer avant d'arrêter l'optimisation, utilisé après 250 itérations initiales avec exagération précoce. Sachez que l'avancement n'est vérifié que toutes les 50 itérations. Cette valeur est donc arrondie au prochain multiple de 50. La valeur par défaut est **300**, et l'intervalle est **0 - 9999999**.

Norme de gradient min. Si la norme de gradient est inférieure à ce seuil minimum, l'optimisation s'arrêtera. La valeur par défaut est **1.0E-7**.

Mesure. La métrique à utiliser pour calculer la distance entre des instances dans un tableau de fonctions. Si la métrique est une chaîne, le paramètre de métrique doit correspondre à l'une des options autorisées par `scipy.spatial.distance.pdist`, ou une métrique répertoriée dans `pairwise.PAIRWISE_DISTANCE_FUNCTIONS`. Sélectionnez l'un des types de métrique disponibles. La valeur par défaut est **euclidean**.

Lorsque le nombre d'enregistrements est supérieur à. Spécifiez la méthode de représentation des jeux de données volumineux. Vous pouvez spécifier la taille maximale des jeux de données ou utiliser les 2 000 points par défaut. Lorsque vous sélectionnez les options **Intervalle** ou **Echantillon**, les performances des jeux de données volumineux sont optimisées. Vous pouvez également choisir de représenter tous les points de données en sélectionnant **Utiliser toutes les données**, mais sachez que vous risquez de réduire considérablement les performances du logiciel.

- **Casier.** Sélectionnez cette option pour permettre la création de casiers lorsque le jeu de données contient plus d'enregistrements que le nombre spécifié. La création d'intervalles applique une fine grille au graphique avant que soit effectué le traçage réel et compte le nombre de connexions apparaissant dans chacune des cellules de la grille. Dans le graphique final, une connexion est représentée dans chaque cellule, au niveau du centroïde de l'intervalle (moyenne de tous les emplacements de connexion de l'intervalle).
- **Echantillon.** Sélectionnez cette option pour échantillonner de façon aléatoire les données dans le nombre d'enregistrements spécifié.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres de l'onglet Expert de la boîte de dialogue du noeud t-SNE SPSS Modeler et ceux de la bibliothèque Python t-SNE.

Tableau 36. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python		
Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre Python t-SNE**
Mode	mode_type	
Type de visualisation	n_components	n_components
Méthode	method	method
Initialisation de l'incorporation	init	init
Cible	target_field	target_field
Perplexité	perplexity	perplexity
Exagération précoce	early_exaggeration	early_exaggeration
Taux d'apprentissage	learning_rate	learning_rate
Itérations max	n_iter	n_iter
Taille angulaire	angle	angle
Définir une valeur de départ aléatoire	enable_random_seed	
Valeur de départ aléatoire	random_seed	random_state
Itérations max sans avancement	n_iter_without_progress	n_iter_without_progress
Norme de gradient min	min_grad_norm	min_grad_norm
Exécuter t-SNE avec plusieurs perplexités	isGridSearch	

Options de sortie du noeud t-SNE

Indiquez des options pour la sortie du noeud t-SNE dans l'onglet **Sortie**.

Nom de la sortie - Indique le nom de la sortie générée lorsque le noeud est en cours d'exécution. Si vous sélectionnez **Automatique**, le nom de la sortie est défini automatiquement.

Sortie à l'écran. Sélectionnez cette option pour générer et afficher la sortie dans une nouvelle fenêtre. La sortie est également ajoutée au gestionnaire des sorties.

Sortie dans un fichier. Sélectionnez cette option pour enregistrer la sortie dans un fichier. Cette sélection active les zones **Fichier** et **Type de fichier**. Le noeud t-SNE doit pouvoir accéder à ce fichier de sortie si vous voulez créer des tracés à l'aide d'autres champs à des fins de comparaison, ou si vous voulez utiliser sa sortie en tant que prédicteurs dans des modèles de classification ou de régression. Le modèle t-SNE crée un fichier de résultats avec des champs de coordonnées x, y (et z) qui est facilement accessible à l'aide d'un noeud source Fichier fixe.

Nuggets de modèle t-SNE

Les nuggets de modèle t-SNE contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle t-SNE. Les onglets suivants sont disponibles.

Graphique

L'onglet **Graphique** affiche la sortie de graphique du noeud t-SNE. Un graphique à nuage de points pyplot affiche le résultat à basses dimensions. Si vous n'avez pas sélectionné l'option **Exécuter t-SNE avec plusieurs perplexités** dans l'onglet Expert du noeud t-SNE, un seul graphique est inclus au lieu des six graphiques correspondant aux différentes perplexités.

Sortie texte

L'onglet **Sortie texte** affiche les résultats de l'algorithme t-SNE. Si vous avez sélectionné le type de visualisation **2D** dans l'onglet Expert du noeud t-SNE, le résultat affiché à cet endroit représente la valeur de point en deux dimensions. Si vous avez sélectionné **3D**, le résultat représente la valeur de point en trois dimensions.

noeud Gaussian Mixture

Un modèle Mixture© de Gauss est un modèle probabiliste qui suppose que tous les points de données sont générés à partir d'un mélange d'un nombre fini de distributions de Gauss avec des paramètres inconnus. On peut penser que les modèles de mélange comme généralisant le clustering k moyenne pour incorporer des informations sur la structure de covariance des données ainsi que les centres des distributions de Gauss latentes. [1]

Le noeud Gaussian Mixture de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque Gaussian Mixture. Ce noeud est mis en oeuvre dans Python.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de modélisation et les paramètres, consultez la documentation de Gaussian Mixture disponible sur les sites http://scikit-learn.org/stable/modules/mixture.html et https://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.mixture.GaussianMixture.html. [2]

[1] "Guide d'utilisation." *Gaussian mixture models*. Web. © 2007 - 2017. scikit-learn developers.

[2] Scikit-learn: Machine Learning in Python, Pedregosa *et al.*, JMLR 12, pp. 2825-2830, 2011.

Champs du noeud Gaussian Mixture

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres d'entrée d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des entrées, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste à la liste des prédicteurs à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec un niveau de mesure.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme prédicteurs.

Noeud Gaussian Mixture - Options de génération

Utilisez l'onglet Options de génération pour spécifier les options de génération pour le noeud Gaussian Mixture, y compris les **options de base** et les **options avancées**. Pour plus de détails sur ces options non couvertes dans cette section, consultez les ressources en ligne suivantes :

- Gaussian mixture parameter reference[1]
- Gaussian mixture node user guide[2]

De base

Type de covariance : Sélectionnez l'une des matrices de covariance suivantes :

- **Complète.** Chaque composant possède sa propre matrice de covariance générale.
- **Ex aequo.** Tous les composants partagent la même matrice de covariance générale.
- **Diag.** Chaque composant possède sa propre matrice de covariance diagonale.
- **Sphérique.** Chaque composant a sa propre variance unique.

Nombre de composants. Indiquez le nombre de composants de mélange à utiliser lors de la génération du modèle.

Libellé du cluster. Indiquez si le libellé de cluster est un nombre ou une chaîne. Si vous sélectionnez **Chaîne**, indiquez un préfixe pour le libellé de cluster (par exemple, le préfixe par défaut est `cluster` ; le libellé de cluster obtenu est alors **cluster-1**, **cluster-2**, etc.).

Valeur de départ aléatoire. Sélectionnez cette option et cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Options avancées

Tolérance. Indiquez le seuil de convergence. La valeur par défaut est **0.001**.

Nombre d'itérations. Indiquez le nombre maximal d'itérations à effectuer. La valeur par défaut est **100**.

Paramètres init. Sélectionnez le paramètre d'initialisation **Kmeans** (les responsabilités sont initialisées à l'aide de k-means) ou **Aléatoire** (les responsabilités sont initialisées de manière aléatoire).

Démarrage à chaud. Si vous sélectionnez **True**, la solution du dernier ajustement est utilisée comme initialisation du prochain ajustement. Cela peut accélérer la convergence lorsque l'ajustement est appelé plusieurs fois sur des problèmes similaires.

Le tableau suivant présente les relations entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud SPSS Modeler Gaussian Mixture et les paramètres de la bibliothèque Python Gaussian Mixture.

Tableau 37. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre Gaussian Mixture**
Utiliser des rôles prédéfinis/ Utiliser des affectations de champs personnalisées	`role_use`	
Entrées	`prédicteurs`	
Utiliser des données partitionnées	`use_partition`	
Type de covariance	`covariance_type`	`covariance_type`
Nombre de composants	`number_component`	`n_components`
Libellé du cluster	`component_lable`	
Préfixe de libellé	`label_prefix`	
Définir une valeur de départ aléatoire	`enable_random_seed`	
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`random_state`
Tolérance	`tol`	`tol`
Nombre d'itérations	`max_iter`	`max_iter`
Paramètres init	`init_params`	`init_params`
Démarrage à chaud	`warm_start`	`warm_start`

[1] Scikit-learn: Machine Learning in Python, Pedregosa *et al.*, JMLR 12, pp. 2825-2830, 2011.

[2] "Guide d'utilisation." *Gaussian mixture models*. Web. © 2007 - 2017. scikit-learn developers.

Noeud Gaussian Mixture - Options de modèle

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Noeuds KDE

L'estimation par la méthode du noyau (Kernel Density Estimation)© utilise des algorithmes d'arbre sphérique ou d'arbre KD assurant l'efficacité des requêtes et concilie l'apprentissage non supervisé, la conception de fonctionnalités et la modélisation de données. Les approches basées sur les éléments voisins comme l'estimation par la méthode du noyau font partie des techniques d'estimation de la densité les plus populaires et les plus utiles. L'estimation par la méthode du noyau peut être effectuée dans plusieurs dimensions, bien qu'en pratique, une dimensionnalité élevée peut entraîner une dégradation des performances. Dans SPSS Modeler, les noeuds KDE Modeling et KDE Simulation exposent les principales fonctions et les paramètres couramment utilisés de la bibliothèque KDE. Les noeuds sont mis en oeuvre dans Python. [1]

Pour utiliser un noeud KDE, vous devez configurer un noeud Type en amont. Le noeud KDE lira les valeurs d'entrée d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Le noeud **KDE Modeling** est disponible dans l'onglet Modélisation et l'onglet Python de SPSS Modeler. Le noeud KDE Modeling génère un nugget de modèle et les valeurs enregistrées du nugget sont des valeurs de densité du noyau provenant des données d'entrée.

Le noeud **KDE Simulation** est disponible dans l'onglet Sortie et l'onglet Python. Le noeud KDE Simulation génère un noeud source KDE Gen capable de créer des enregistrements ayant la même distribution que les données d'entrée. Le noeud KDE Gen comprend un onglet Paramètres dans lequel vous pouvez spécifier le nombre d'enregistrements que le noeud va créer (par défaut 1) et générer une valeur de départ aléatoire.

Pour plus d'informations sur l'estimation par la méthode du noyau, y compris des exemples, voir la documentation correspondantedisponible à l'adresse http://scikit-learn.org/stable/modules/density.html#kernel-density-estimation. [1]

[1] "User Guide." *Kernel Density Estimation*. Web. © 2007-2018, scikit-learn developers.

Champs des noeuds KDE Modeling et KDE Simulation

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres d'entrée d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des entrées, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste à la liste Entrées à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Entrées. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées du groupement. KDE ne peut traiter que des champs continus.

Options de génération des noeuds KDE

Utilisez l'onglet Options de génération afin de spécifier les options de génération pour les noeuds KDE, y compris les **options de base** pour les paramètres de densité du noyau et les libellés de cluster, ainsi que les **options avancées** telles que la tolérance, la taille des feuilles et l'utilisation d'une méthode de parcours en largeur. Pour des informations supplémentaires sur ces options, reportez-vous aux ressources en ligne suivantes :

- Kernel Density Estimation - Description des paramètres de l'API Python[1]

- Kernel Density Estimation - Guide d'utilisation[2]

De base

Bande passante. Indiquez la bande passante du noyau.

Noyau. Sélectionnez le noyau à utiliser. Les noyaux disponibles pour le noeud KDE Modeling sont les suivants : **Gaussian**, **Tophat**, **Epanechnikov**, **Eponential**, **Linear** ou **Cosine**. Les noyaux disponibles pour le noeud KDE Simulation sont **Gaussian** ou **Tophat**. Pour plus d'informations sur les noyaux disponibles, voirKernel Density Estimation - Guide d'utilisation.[2]

Algorithme. Sélectionnez **Auto**, **Ball Tree** ou **KD Tree** comme algorithme d'arborescence à utiliser. Pour plus d'informations, voir Ball Tree[3] et KD Tree.[4]

Mesure. Sélectionnez une mesure de distance. Les mesures disponibles sont **Euclidean**, **Braycurtis**, **Chebyshev**, **Canberra**, **Cityblock**, **Dice**, **Hamming**, **Infinity**, **Jaccard**, **L1**, **L2**, **Matching**, **Manhattan**, **P**, **Rogerstanimoto**, **Russellrao**, **Sokalmichener**, **Sokalsneath**, **Kulsinski** ou **Minkowski**. Si vous sélectionnez **Minkowski**, définissez la **Valeur P** comme souhaité.

Les mesures disponibles dans cette liste déroulante dépendront de l'algorithme sélectionné. Notez également que la normalisation de la densité de sortie est correcte uniquement pour la mesure de distance euclidienne.

Avancées

Tolérance absolue. Indiquez la tolérance absolue souhaitée pour le résultat. Une plus grande tolérance se traduira généralement par un temps d'exécution plus rapide. La valeur par défaut est **0.0**.

Tolérance relative. Indiquez la tolérance relative souhaitée pour le résultat. Une plus grande tolérance se traduira généralement par un temps d'exécution plus rapide. La valeur par défaut est **1E-8**.

Taille de feuille. Indiquez la taille de feuille de l'arborescence sous-jacente. La valeur par défaut est **40**. Modifier la taille des feuilles peut avoir un impact significatif sur les performances et la mémoire requise. Pour plus d'informations sur les algorithmes Arbre sphérique et Arbre KD, voir Ball Tree[3] et KD Tree.[4]

Largeur en premier. Sélectionnez **True** pour utiliser en premier une méthode de parcours en largeur ou **False** pour utiliser en premier une méthode de parcours en profondeur.

Le tableau suivant présente la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud KDE SPSS Modeler et les paramètres de la bibliothèque KDE Python.

Tableau 38. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre KDE
Données en entrée	`inputs`	
Bande passante	`bandwidth`	`bandwidth`
Noyau	`kernel`	`kernel`
Algorithme	`algorithm`	`algorithm`
Unité de mesure	`metric`	`metric`
Valeur P	`pValue`	`pValue`
Tolérance absolue	`atol`	`atol`
Tolérance relative	`rtol`	`Rtol`
Taille de feuille	`leafSize`	`leafSize`
Largeur en premier	`breadthFirst`	`breadthFirst`

[1] "API Reference." *sklearn.neighbors.KernelDensity*. Web. © 2007-2018, scikit-learn developers.

[2] "User Guide." *Kernel Density Estimation*. Web. © 2007-2018, scikit-learn developers.

[3] "Ball Tree." *Five balltree construction algorithms*. © 1989, Omohundro, S.M., International Computer Science Institute Technical Report.

[4] "K-D Tree." *Multidimensional binary search trees used for associative searching*. © 1975, Bentley, J.L., Communications of the ACM.

Options de modèle des noeuds KDE Modeling et KDE Simulation

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Noeud Random Forest

Random Forest© est une implémentation avancée d'un algorithme de bagging qui utilise un modèle d'arbre comme modèle de base. Dans les forêts aléatoires, chaque arbre dans l'ensemble est construit à partir d'un échantillon tiré avec un remplacement (par exemple, un échantillon d'amorce) provenant de l'ensemble d'apprentissage. Lors du fractionnement d'un noeud pendant la construction de l'arbre, le fractionnement sélectionné n'est plus le meilleur fractionnement parmi toutes les fonctions. Au lieu de cela, le fractionnement sélectionné est le meilleur fractionnement choisi dans un sous-ensemble aléatoire des fonctions. En raison de ce caractère aléatoire, le biais de la forêt augmente en général légèrement (par rapport au biais d'un seul arbre non aléatoire) mais, en raison de l'application d'une moyenne, sa variance diminue également. Elle compense en général plus que largement l'augmentation du biais, ce qui permet par conséquent d'obtenir un modèle globalement meilleur. [1]

Le noeud Random Forest de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Python. L'onglet Python sur la Palette de noeuds contient ce noeud et d'autres noeuds Python.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de forêt aléatoire, voir https://scikit-learn.org/stable/modules/ensemble.html#forest.

[1]L. Breiman, "Random Forests," Machine Learning, 45(1), 5-32, 2001.

Champs du noeud Random Forest

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) pour un noeud type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement une cible et des prédicteurs, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux champs des rôles Cible et Prédicteurs à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible de la prévision.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Options de génération du noeud Random Forest

L'onglet Options de génération permet de spécifier des options de génération relatives au noeud Random Forest, notamment des **options basiques** et des **options avancées**. Pour plus d'informations sur ces options, voir https://scikit-learn.org/stable/modules/ensemble.html#forest

De base

Nombre d'arbres à construire. Sélectionnez le nombre d'arbres dans la forêt.

Spécifier le nombre de niveaux max. Si cette option n'est pas sélectionnée, les noeuds sont développés jusqu'à ce que toutes les feuilles soient pures ou jusqu'à ce que toutes les feuilles contiennent moins que des échantillons `min_samples_split`.

Nombre de niveaux max. Profondeur maximale de l'arbre.

Taille minimale du noeud feuille. Nombre minimum d'échantillons nécessaires devant se trouver au niveau d'un noeud feuille.

Nombre de fonctions à utiliser pour le fractionnement. Nombre de fonctions à prendre en compte pour déterminer le meilleur fractionnement :

- Si la valeur est `auto`, `max_features=sqrt(n_features)` est utilisé pour le classificateur et `max_features=n_features` pour la régression.
- Si la valeur est `sqrt`, `max_features=sqrt(n_features)` est utilisé.
- Si la valeur est `log2`, `max_features=log2(n_features)` est utilisé.

Options avancées

Indique si des échantillons de bootstrap sont utilisés lors de la génération d'arbres. Si cette option est sélectionnée, des échantillons de bootstrap sont utilisés lors de la création des arbres.

Utiliser les échantillons out-of-bag pour estimer la précision de la généralisation. Si cette option est sélectionnée, les échantillons out-of-bag sont utilisés pour estimer la précision de la généralisation.

Utiliser des arbres extrêmement aléatoires. Si cette option est sélectionnée, des arbres extrêmement aléatoires sont utilisés à la place de forêts aléatoires. Dans les arbres extrêmement aléatoires, le caractère aléatoire va un peu plus loin en ce qui concerne la façon dont les fractionnements sont calculés. Comme dans les forêts aléatoires, un sous-ensemble aléatoire de fonctions candidates est utilisé, mais au lieu de rechercher les seuils les plus distinctifs, les seuils sont tirés au hasard pour chaque fonction candidate. Le meilleur de ces seuils générés de façon aléatoire est alors sélectionné comme règle de fractionnement. Cela permet habituellement de réduire un peu plus la variance du modèle, avec en contrepartie une augmentation légèrement plus élevée du biais. [1]

Dupliquer les résultats. Si cette option est sélectionnée, le procédé de génération de modèle est répliqué pour obtenir les mêmes résultats de scoring.

Valeur de départ aléatoire. Vous pouvez cliquer sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt) Sélectionnez cette option pour activer l'Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt), qui détecte automatiquement la combinaison optimale de paramètres, permettant au modèle d'atteindre le taux d'erreur attendu ou un taux plus faible sur les échantillons. Pour plus d'informations sur Rbfopt, voir http://rbfopt.readthedocs.io/en/latest/rbfopt_settings.html.

Cible. La valeur de fonction objective (taux d'erreur du modèle sur les échantillons) que vous voulez atteindre (c'est-à-dire la valeur de l'optimum inconnu). Choisissez une valeur acceptable telle que `0,01`.

Itérations max Nombre maximal d'itérations à utiliser pour essayer le modèle. La valeur par défaut est `1000`.

Evaluations max Nombre maximum d'évaluations de fonction en mode précis utilisées pour essayer le modèle. La valeur par défaut est `300`.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud Random Forest de SPSS Modeler et ceux de la bibliothèque Random Forest de Python.

Tableau 39. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python		
Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre Random Forest**
Cible	`target`	
Prédicteurs	`inputs`	
Nombre d'arbres à construire	`n_estimators`	`n_estimators`
Spécifier le nombre de niveaux max	`specify_max_depth`	`specify_max_depth`
Nombre de niveaux max.	`max_depth`	`max_depth`
Taille minimale du noeud feuille	`min_samples_leaf`	`min_samples_leaf`
Nombre de fonctions à utiliser pour le fractionnement.	`max_features`	`max_features`
Indique si des échantillons de bootstrap sont utilisés lors de la génération d'arbre	`bootstrap`	`bootstrap`
Utiliser les échantillons out-of-bag pour estimer la précision de la généralisation	`oob_score`	`oob_score`
Utiliser des arbres extrêmement aléatoires.	`extreme`	
Dupliquer les résultats	`use_random_seed`	
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`random_seed`
Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt)	`enable_hpo`	
Cible (pour HPO)	`target_objval`	
Itérations max (pour HPO)	`max_iterations`	
Evaluations max (pour HPO)	`max_evaluations`	

[1]L. Breiman, "Random Forests," Machine Learning, 45(1), 5-32, 2001.

Options de modèle du noeud Random Forest

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Nuggets de modèle Random Forest

Les nuggets de modèles Random Forest contiennent toutes les informations rassemblées par le modèle Random Forest. Les sections suivantes sont disponibles.

Informations sur le modèle

Cette vue fournit des informations clés sur le modèle, à savoir les zones de saisie, les valeurs d'encodage one-hot et les paramètres de modèle.

Importance des prédicteurs

Cette vue affiche un graphique qui indique l'importance relative de chaque prédicteur dans l'évaluation du modèle. Pour plus d'informations, voir «Importance des prédicteurs», à la page 41.

noeud HDBSCAN

L'algorithme HDBSCAN (Hierarchical Density-Based Spatial Clustering)© utilise l'apprentissage non supervisé pour rechercher des clusters, ou des régions denses, d'un ensemble de données. Le noeud HDBSCAN de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés de la bibliothèque HDBSCAN. Il est implémenté dans Python, et vous pouvez l'utiliser pour classer votre ensemble de données en groupes distincts lorsque vous ne savez pas quels étaient ces groupes au départ. Contrairement à la plupart des méthodes d'apprentissage disponibles dans SPSS Modeler, les modèles HDBSCAN n'utilisent *pas* de champ cible. Ce type d'apprentissage qui n'utilise aucun champ cible est appelé *apprentissage non supervisé*. Le noeud HDBSCAN n'essaie pas de générer des prévisions, mais tente de découvrir des tendances au sein des champs d'entrée. Les enregistrements sont rassemblés dans le même groupe ou le même cluster. L'algorithme HDBSCAN affiche les clusters sous forme de zones de haute densité séparées par des zones de faible densité. Dans cette vue plutôt générique, les clusters trouvés par le noeud HDBSCAN peuvent donc prendre différentes formes, contrairement à ceux trouvés par le noeud K moyenne, qui envisage les clusters sous une forme convexe. Les valeurs extrêmes qui semblent isolées dans les régions de faible densité sont également marquées. HDBSCAN prend également en charge le scoring de nouveaux échantillons.[1]

Pour utiliser le noeud HDBSCAN, vous devez définir un noeud type en amont. Le noeud HDBSCAN lira les valeurs en entrée du noeud type (ou de l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Pour plus d'informations sur les algorithmes de cluster HDBSCAN, voir la documentation HDBSCAN disponible à l'adresse http://hdbscan.readthedocs.io/en/latest/. [1]

[1] "User Guide / Tutorial." *The hdbscan Clustering Library*. Web. © 2016, Leland McInnes, John Healy, Steve Astels.

Champs du noeud HDBSCAN

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Important : Pour former un modèle HDBSCAN, vous devez utiliser un ou plusieurs champs dont le rôle est configuré sur **Entrée**. Les champs dont le rôle est configuré sur **Sortie**, **Les deux** ou **Aucun** sont ignorés.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres d'entrée d'un noeud Type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement des entrées, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments à partir de cette liste à la liste Entrées située à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec un niveau de mesure.

Entrées. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées du groupement.

Options de génération du noeud HDBSCAN

L'onglet Options de génération permet de spécifier des options de génération relatives au noeud HDBSCAN, notamment des **options de base** pour les paramètres et les libellés de cluster, et des **options avancées** pour les paramètres avancés et les options de sortie de graphique. Pour des informations supplémentaires sur ces options, voir les ressources en ligne suivantes :

- HDBSCAN Python API Parameter Reference[1]
- HDBSCAN Home Page[2]

De base

Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt) Sélectionnez cette option pour activer l'Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt), qui détecte automatiquement la combinaison optimale de paramètres, permettant au modèle d'atteindre le taux d'erreur attendu ou un taux plus faible sur les échantillons. Pour plus d'informations sur Rbfopt, voir http://rbfopt.readthedocs.io/en/latest/rbfopt_settings.html.

Min Cluster Size. Indiquez la taille minimale des clusters. Les scissions de lien simples qui contiennent moins de points que la valeur indiquée ici seront considérées comme des points "extérieurs" au cluster plutôt que le fractionnement d'un cluster en deux nouveaux clusters.

Nombre minimal d'échantillons. Indiquez le nombre minimal d'échantillons dans le voisinage pour qu'un point puisse être considéré comme un point central. Si cette option est définie sur **0**, la valeur par défaut est la valeur minimale de la taille du cluster.

Algorithme. Sélectionnez l'algorithme à utiliser. HDBSCAN présente des variantes selon les différentes caractéristiques des données. Par défaut, **BEST** est utilisé, de sorte que le meilleur algorithme est automatiquement sélectionné selon la nature des données. Pour plus d'informations sur ces types d'algorithme, consultez la documentation de HDBSCAN.[1] Notez que l'algorithme que vous choisissez aura un impact sur les performances. Par exemple, pour une grande quantité de données, nous recommandons d'essayer Boruvka KDTree ou Boruvka BallTree.

Mesure de distance. Sélectionnez la mesure à utiliser lors du calcul de la distance entre des instances d'un tableau d'instances.

Libellé du cluster. Indiquez si le libellé de cluster est un nombre ou une chaîne. Si vous sélectionnez **Chaîne**, indiquez un préfixe pour le libellé de cluster (par exemple, le préfixe par défaut est `cluster` ; le libellé de cluster obtenu est alors **cluster-1**, **cluster-2**, etc.).

Options avancées

Approximate Minimum Spanning Tree. Sélectionnez **True** si vous voulez accepter un arbre maximal minimum approximatif. Pour certains algorithmes, cette configuration permet d'améliorer les performances. Toutefois, la qualité du groupement risque d'être légèrement inférieure. Si vous préférez obtenir des résultats plus précis (cette fois au détriment de la vitesse), sélectionnez **False**. Dans la majorité des cas, il est conseillé de sélectionner **True**.

Method to Select Cluster. Sélectionnez la méthode à utiliser pour sélectionner des clusters dans l'arbre condensé. L'approche typique pour HDBSCAN consiste à utiliser l'algorithme Excess of Mass (**EOM**) pour rechercher les clusters les plus persistants. Vous pouvez également sélectionner les clusters au niveau des feuilles de l'arbre, de sorte à obtenir des clusters à granularité fine les plus homogènes possible.

Accept Single Cluster. Définissez ce paramètre sur **True** pour autoriser les résultats de cluster unique uniquement s'il s'agit d'un résultat valide pour votre ensemble de données.

Valeur P. Si vous utilisez la métrique de Minkowski pour la distance (sous les options de génération **de base**), vous pouvez modifier cette valeur p si vous le souhaitez.

Taille de feuille. Si vous utilisez un algorithme d'arborescence spatiale (Boruvka KDTree ou Boruvka BallTree), ce paramètre correspond au nombre de points dans un noeud feuille de l'arbre. Il n'altère pas le groupement obtenu, mais il peut affecter l'exécution de l'algorithme.

Validity Index. Sélectionnez cette option pour inclure le graphique d'indice de validité dans la sortie du nugget de modèle.

Condensed Tree. Sélectionnez cette option pour inclure le graphique d'arbre condensé dans la sortie du nugget de modèle.

Single Linkage Tree. Sélectionnez cette option pour inclure le graphique d'arbre de liaison unique dans la sortie du nugget de modèle.

Min Span Tree. Sélectionnez cette option pour inclure le graphique d'arbre maximal minimum dans la sortie du nugget de modèle.

Le tableau suivant présente les relations entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud HDBSCAN SPSS Modeler et les paramètres de la bibliothèque HDBSCAN Python.

Tableau 40. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre HDBSCAN**
Entrées	`inputs`	`inputs`
Optimisation des hyper-paramètres	`useHPO`	
Min Cluster Size	`min_cluster_size`	`min_cluster_size`
Nombre minimal d'échantillons	`min_samples`	`min_samples`
Algorithme	`algorithm`	`algorithm`
Mesure de distance	`metric`	`metric`
Libellé du cluster	`useStringLabel`	
Préfixe de libellé	`stringLabelPrefix`	
Approximate Minimum Spanning Tree	`approx_min_span_tree`	`approx_min_span_tree`
Method to Select Cluster	`cluster_selection_method`	`cluster_selection_method`
Accept Single Cluster	`allow_single_cluster`	`allow_single_cluster`
Valeur P	`p_value`	`p_value`
Taille de feuille	`leaf_size`	`leaf_size`
Validity Index	`outputValidity`	
Condensed Tree	`outputCondensed`	
Single Linkage Tree	`outputSingleLinkage`	
Min Span Tree	`outputMinSpan`	

[1] "API Reference." *The hdbscan Clustering Library*. Web. © 2016, Leland McInnes, John Healy, Steve Astels.

[2] "User Guide / Tutorial." *The hdbscan Clustering Library*. Web. © 2016, Leland McInnes, John Healy, Steve Astels.

Options de modèle du noeud HDBSCAN

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

noeud SVM à classe unique

Le noeud SVM à classe unique utilise un algorithme d'apprentissage non supervisé dédié principalement à la détection des nouveautés. Il détecte la limite douce d'un ensemble d'échantillons donné, pour ensuite classifier les nouveaux points comme appartenant à cet ensemble ou pas. Ce noeud de modélisation SVM à classe unique est mis en oeuvre dans Python et nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`. Pour plus d'informations sur la bibliothèque scikit-learn, voir http://contrib.scikit-learn.org/imbalanced-learn/about.html[1].

L'onglet Python sur la palette de noeuds contient le noeud SVM à classe unique et d'autres noeuds Python.

Remarque : Le noeud SVM à classe unique est utilisé pour les valeurs extrêmes supervisées et la détection des nouveautés. Le plus souvent, nous recommandons l'utilisation d'un ensemble de données "normal" connu pour la génération du modèle afin que l'algorithme puisse définir une limite correcte pour les échantillons donnés. Les paramètres du modèle, tels que nu, gamma et noyau, ont des répercussions importantes sur le résultat. Vous voudrez peut-être faire différents essais afin de trouver les paramètres optimaux adaptés à votre situation.

[1]Smola, Schölkopf. "A Tutorial on Support Vector Regression." *Statistics and Computing Archive*, vol. 14, no. 3, August 2004, pp. 199-222. (http://citeseerx.ist.psu.edu/viewdoc/summary?doi=10.1.1.114.4288)

Champs du noeud SVM à classe unique

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Sélectionnez cette option pour sélectionner tous les champs avec comme rôle prédéfini Entrée.

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour sélectionner manuellement des champs, sélectionnez cette option, puis choisissez les champs d'entrée et les champs de scission :

Entrées. Sélectionnez les champs d'entrée à utiliser dans l'analyse. Tous les types de stockage et de mesure sont pris en charge, à l'exception de Sans type ou Inconnu. Si un champ est associé à un type de stockage Chaîne, ses valeurs sont binarisées d'une manière "seule contre tous" via un algorithme de codage one-hot.

Scission. Sélectionnez le(s) champ(s) à utiliser comme champs de scission. Tous les types de mesure discret, nominal, ordinal ou indicateur sont pris en charge.

Utiliser des données partitionnées. Si un champ de partition est défini, cette option garantit que seules les données provenant de la partition d'apprentissage sont utilisées pour la génération du modèle.

Noeud SVM à classe unique - Expert

Sous l'onglet Expert du noeud SVM à classe unique, vous pouvez sélectionner le mode **Simple** ou le mode **Expert**. Si vous sélectionnez **Simple**, tous les paramètres sont définis avec les valeurs par défaut présentées ci-dessous. Si vous sélectionnez **Expert**, vous pouvez spécifier des valeurs personnalisées en regard de ces paramètres. Pour plus d'informations sur ces options, voir http://scikit-learn.org/stable/modules/generated/sklearn.svm.OneClassSVM.html#sklearn.svm.OneClassSVM.

Critère d'arrêt. Indiquez la tolérance du critère d'arrêt. La valeur par défaut est **1.0E-3** (0.001).

Précision de la régression (nu). Liée à la fraction des erreurs de formation et des vecteurs de support. La valeur par défaut est **0.1**.

Type noyau. Type noyau à utiliser dans l'algorithme. Les options sont notamment **RBF**, **Polynomiale**, **Sigmoïde**, **Linéaire** ou **Précalculé**. La valeur par défaut est **RBF**.

Specify Gamma. Sélectionnez cette option pour indiquer le gamma. Sinon, le gamma automatique sera appliqué.

Gamma. Le paramètre Gamma est disponible seulement pour les types noyau RBF, Polynomiale et Sigmoïde.

Coef0. Le paramètre Coef0 est disponible seulement pour les types noyau Polynomiale et Sigmoïde.

Degré : Le paramètre Degré est disponible seulement pour les type noyau Polynomiale.

Utiliser l'heuristique de réduction. Sélectionnez cette option pour utiliser l'heuristique de réduction. Cette option est désélectionnée par défaut.

Indiquer la taille du cache du noyau (en Mo). Sélectionnez cette option pour indiquer la taille du cache de noyau. Cette option est désélectionnée par défaut. Lorsqu'elle est sélectionnée, la valeur par défaut est **200** Mo.

Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt) Sélectionnez cette option pour activer l'Optimisation des hyper-paramètres (basée sur Rbfopt), qui détecte automatiquement la combinaison

optimale de paramètres, permettant au modèle d'atteindre le taux d'erreur attendu ou un taux plus faible sur les échantillons. Pour plus d'informations sur Rbfopt, voir http://rbfopt.readthedocs.io/en/latest/rbfopt_settings.html.

Cible. La valeur de fonction objective (taux d'erreur du modèle sur les échantillons) que vous voulez atteindre (par exemple, la valeur de l'optimum inconnu). Choisissez une valeur acceptable telle que **0.01**.

Itérations max Nombre maximum d'itérations d'essai du modèle. La valeur par défaut est **1000**.

Evaluations max Nombre maximum d'évaluations de fonction pour essayer le modèle, la précision étant préférée à la rapidité. La valeur par défaut est **300**.

Le noeud SVM à classe unique nécessite la bibliothèque Python `scikit-learn`. Le tableau suivant présente la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud SMOTE SPSS Modeler et l'algorithme Python.

Tableau 41. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres de la bibliothèque Python

Nom du paramètre	Nom du script (nom de la propriété)	Nom du paramètre de l'API Python
Critère d'arrêt	`stopping_criteria`	`tol`
Précision de la régression	`precision`	`nu`
Type noyau	`kernel`	`kernel`
Gamma	`gamma`	`gamma`
Coef0	`coef0`	`coef0`
Degré	`degree`	`degree`
Utiliser l'heuristique de réduction	`shrinking`	`shrinking`
Indiquer la taille du cache du noyau (zone de saisie de la taille)	`cache_size`	`cache_size`
Valeur de départ aléatoire	`random_seed`	`random_state`

Options du noeud SVM à classe unique

Sous l'onglet Options du noeud SVM à classe unique, vous pouvez définir les options suivantes :

Type de graphique à coordonnées parallèles. SPSS Modeler crée des graphiques à coordonnées parallèles pour représenter le modèle généré. Parfois, les valeurs de certaines colonnes/fonctionnalités des données apparaissent beaucoup plus grandes que d'autres à l'écran, ce qui nuit à la lisibilité d'autres parties du graphique. En pareil cas, vous pouvez sélectionner l'option **Axes verticaux indépendants** pour conférer à tous les axes verticaux une échelle de l'axe autonome, ou bien sélectionner **Axes verticaux généraux** pour forcer tous les axes verticaux à partager la même échelle de l'axe.

Nombre maximal de lignes sur le graphique. Indiquez le nombre maximal de lignes de données (lignes) à afficher sur la sortie du graphique. Par défaut, la valeur est 100. Pour des raisons de performance, 20 champs au maximum sont affichés.

Représenter tous les champs d'entrée sur le graphique. Sélectionnez cette option pour afficher tous les champs d'entrée sur la sortie du graphique. Par défaut, chaque champ de données est représenté sous la forme d'un axe vertical. Pour des raisons de performance, 30 champs au maximum sont affichés.

Champs personnalisés à représenter sur le graphique. Plutôt que d'afficher tous les champs d'entrée sur la sortie du graphique, vous pouvez sélectionner cette option et choisir un sous-ensemble de champs à afficher. Les performances peuvent ainsi être améliorées. Pour des raisons de performance, 20 champs au maximum sont affichés.

Chapitre 18. Noeuds Spark

SPSS Modeler fournit des noeuds permettant d'utiliser des algorithmes natifs Spark. L'onglet **Spark** sur la Palette de noeuds contient les noeuds suivants qui vous permettent d'exécuter des algorithmes Spark. Ces noeuds sont pris en charge sous Windows 64, Mac 64 et Linux 64. Notez que ces noeuds ne prennent pas en charge la spécification d'une colonne d'entier/double comme Indicateur/Nominal dans le cadre de la génération d'un modèle. Pour cela, vous devez convertir la valeur de colonne en 0/1 ou 0,1,2,3,4...

La régression isotonique fait partie de la famille des algorithmes de régression. Le noeud isotonique sur AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark. Pour plus d'informations sur les algorithmes de régression isotoniques, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/mllib-isotonic-regression.html.

XGBoost© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost-AS de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est implémenté en Spark.

K moyenne est l'un des algorithmes de cluster les plus couramment utilisés. Il regroupe des points de données au sein d'un certain nombre de clusters prédéfinis. Le noeud K moyenne AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark. Pour plus d'informations sur les algorithmes K moyenne, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/ml-clustering.html. Notez que le noeud K moyenne AS effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

Le perceptron multicouche est un discriminant basé sur le réseau de neurones artificiels à propagation avant et se compose de plusieurs couches. Chaque couche est entièrement connectée à la suivante sur le réseau. Le noeud MultiLayerPerceptron-AS dans SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark. Pour plus d'informations sur le discriminant perceptron multicouche (MLPC), voir https://spark.apache.org/docs/latest/ml-classification-regression.html#multilayer-perceptron-classifier.

Noeud Isotonique sur AS

La régression isotonique fait partie de la famille des algorithmes de régression. Le noeud Isotonique sur AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de régression isotoniques, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/mllib-isotonic-regression.html. [1]

[1] "Regression - RDD-based API." *Apache Spark*. MLlib: Main Guide. Web. 3 Oct 2017.

Champs du noeud Isotonique sur AS

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Champs. Répertorie tous les champs de la source de données. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux champs Cible, Entrée et Pondération à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle. Pour sélectionner tous

les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec un niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ à utiliser comme cible.

Entrée. Sélectionnez un ou plusieurs champs d'entrée.

Pondération. Sélectionnez un champ de pondération exponentielle. Si aucune valeur n'est définie, la valeur de pondération par défaut **1** est utilisée.

Options de génération du noeud Isotonique sur AS

L'onglet Options de génération permet de définir des options de génération pour le noeud Isotonique sur AS, notamment l'index de fonction et le type isotonique. Pour plus d'informations, voir http://spark.apache.org/docs/latest/api/java/org/apache/spark/ml/regression/IsotonicRegression.html.[1]

Index des champs d'entrée. Indiquez l'index des champs d'entrée. La valeur par défaut est **0**.

Type isotonique. Ce paramètre détermine si la séquence de sortie doit être isotonique/en augmentation ou antitonique/en baisse. La valeur par défaut est **Isotonique**.

[1] "Class IsotonicRegression." *Apache Spark*. JavaDoc. Web. 3 Oct 2017.

Nuggets de modèle Isotonique sur AS

Les nuggets de modèle Isotonique sur AS contiennent toutes les informations collectées par le modèle de régression isotonique. Les sections suivantes sont disponibles.

Récapitulatif des modèles

Cette vue fournit des informations clés sur le modèle, notamment les champs de saisie, la zone cible et les options de génération de modèle.

Graphique du modèle

Cette vue affiche un graphique à nuage de points.

noeud XGBoost-AS

XGBoost© est une implémentation avancée d'un algorithme de boosting de gradient. Les algorithmes de boosting forment les classificateurs faibles de manière itérative et les ajoutent ensuite à un classificateur fort final. De par sa souplesse, XGBoost fournit un grand nombre de paramètres qui peuvent beaucoup perturber les utilisateurs, c'est pourquoi le noeud XGBoost-AS de SPSS Modeler expose les principales fonctionnalités et les paramètres les plus couramment utilisés. Ce noeud est implémenté en Spark.

Pour plus d'informations sur les algorithmes de boosting, découvrez les tutoriels XGBoost disponibles à l'adresse suivante : http://xgboost.readthedocs.io/en/latest/tutorials/index.html. [1]

Remarque : la fonction de validation croisée XGBoost n'est pas prise en charge dans SPSS Modeler. Vous pouvez utiliser le noeud Partition SPSS Modeler pour cette fonctionnalité. Notez également que dans SPSS Modeler, XGBoost effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

Remarque : Sous Mac, la version 10.12.3 ou ultérieure est requise pour créer des modèles XGBoost-AS.

[1] "XGBoost Tutorials." *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

Champs du noeud XGBoost-AS

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option utilise les paramètres de rôle (cibles, prédicteurs, etc.) pour un noeud type en amont (ou l'onglet Types d'un noeud source en amont).

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement une cible et des prédicteurs, sélectionnez cette option.

Champs. Utilisez les boutons fléchés pour affecter manuellement des éléments de cette liste aux champs des rôles Cible et Prédicteurs à droite de l'écran. Les icônes indiquent les niveaux de mesure valides pour chaque champ de rôle. Pour sélectionner tous les champs dans la liste, cliquez sur le bouton **Tous** ou cliquez sur un bouton de niveau de mesure individuelle pour sélectionner tous les champs avec ce niveau de mesure.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible de la prévision.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs comme entrées pour la prévision.

Options de génération du noeud XGBoost-AS

L'onglet Options de génération permet de spécifier des options de génération relatives au noeud XGBoost-AS, notamment des **options générales** pour la génération de modèle et la gestion des données déséquilibrées, des **options de tâches d'apprentissage** associées aux objectifs et aux métriques d'évaluation, et des **paramètres de pondération** pour certains boosters. Pour des informations supplémentaires sur ces options, voir les ressources en ligne suivantes :

- Page d'accueil de XGBoost[1]
- XGBoost Parameter Reference[2]
- XGBoost Spark API[3]

Général

Nombre d'agents. Nombre d'agents utilisés pour former le modèle XGBoost.

Nombre d'unités d'exécution. Nombre d'unités d'exécution utilisées par agent.

Utiliser la mémoire externe. Indique si la mémoire externe être utilisée comme cache.

Type de booster. Booster à utiliser (**gbtree**, **gblinear** ou **dart**).

Nombre d'itérations de boosting. Nombre des itérations de boosting.

Mettre à l'échelle des pondérations. Ce paramètre contrôle l'équilibre des pondérations positives et négatives et est utile pour les classes déséquilibrées.

Valeur de départ aléatoire. Cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Tâche d'apprentissage

Les critères objectifs. Choisissez parmi les types d'objectif de tâche d'apprentissage suivants : **reg:linear**, **reg:logistic**, **reg:gamma**, **reg:tweedie**,**rank:pairwise**, **binary:logistic** ou **multi**.

Métriques d'évaluation. Métriques d'évaluation des données de validation. Une métrique par défaut est affectée en fonction de l'objectif (**rmse** pour la régression, **error** pour la classification ou **mean average precision** pour le classement). Les options disponibles sont **rmse**, **mae**, **logloss**, **error**, **merror**, **mlogloss**, **uac**, **ndcg**, **map** ou **gamma-deviance** (la valeur par défaut est **rmse**).

Paramètres de booster

Lambda. Terme de régularisation de niveau 2 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Alpha. Terme de régularisation de niveau 1 sur les pondérations. L'augmentation de cette valeur rend le modèle plus conservateur.

Biais lambda. Terme de régularisation de niveau 2 sur le biais. (Il n'existe aucun terme de régularisation de niveau 1 sur le biais car ce n'est pas important.)

Méthode d'arbre. Sélectionnez l'algorithme de construction d'arbre XGBoost à utiliser.

Nombre de niveaux max. Indiquez le nombre maximal de niveaux des arbres. L'augmentation de cette valeur complexifie le modèle et le rend éligible au surajustement.

Pondération d'enfant min. Indiquez la somme minimale des pondérations d'instance (de Hess) nécessaire dans un enfant. Si l'étape de partition d'arbre a pour conséquence un noeud terminal correspondant à la somme des pondérations d'instance moins la valeur de **Pondération d'enfant min**, le processus de génération arrête le partitionnement. Dans le mode de régression linéaire, ceci correspond simplement au nombre minimal d'instances requises dans chaque noeud. Plus la pondération est grande et plus l'algorithme est conservateur.

Etape delta max. Indiquez l'étape delta maximale pour permettre l'estimation de la pondération de chaque arbre. Si ce paramètre est défini sur **0**, il n'existe pas de contrainte. Si ce paramètre est défini sur une valeur positive, il peut contribuer à rendre l'étape de mise à jour plus conservatrice. En général, ce paramètre n'est pas nécessaire mais il peut être utile pour la régression logistique en cas d'extrême déséquilibre d'une classe.

Sous-échantillon. Le sous-échantillon est le rapport de l'instance d'apprentissage. Par exemple, si vous affectez à ce paramètre la valeur **0.5**, XGBoost collecte la moitié des instances de données de manière aléatoire afin de faire croître les arbres, ce qui permet d'éviter le surajustement.

Eta. Réduction de la taille d'étape utilisée lors de l'étape de mise à jour afin d'éviter le surajustement. Après chaque étape de boosting, les pondérations des nouvelles fonctionnalités peuvent être obtenues directement. Eta réduit également les pondérations des fonctions afin de rendre le processus de boosting plus conservateur.

Gamma. Réduction des pertes minimale requise pour créer une autre partition sur un noeud terminal de l'arbre. Plus le paramètre gamma est grand et plus l'algorithme est conservateur.

Colsample par arbre. Rapport du sous-échantillon de colonnes lors de la construction de chaque arbre.

Colsample par niveau. Rapport du sous-échantillon de colonnes pour chaque scission par niveau.

Algorithme de normalisation. Algorithme de normalisation à utiliser lorsque le type de booster dart est sélectionné sous les Options générales. Les options disponibles sont **tree** ou **forest** (la valeur par défaut est **tree**).

Algorithme d'échantillonnage. Algorithme d'échantillonnage à utiliser lorsque le type de booster dart est sélectionné sous les Options générales. L'algorithme **uniform** sélectionne de façon uniforme les arbres supprimés. L'algorithme **weighted** sélectionne les arbres supprimés proportionnellement au poids. La valeur par défaut est **uniform**.

Taux d'abandon. Taux d'abandon à utiliser lorsque le type de booster dart est sélectionné sous les Options générales.

Probabilité d'abandon. Probabilité d'abandon à utiliser lorsque le type de booster dart est sélectionné sous les Options générales. Si un abandon est ignoré, les nouveaux arbres sont ajoutés de la même façon que **gbtree**.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres de la boîte de dialogue du noeud XGBoost-AS de SPSS Modeler et ceux de la boîte de dialogue XGBoost Spark.

Tableau 42. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres Spark

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre XGBoost Spark
Cible	`target_fields`	
Prédicteurs	`input_fields`	
Lambda	`lambda`	`lambda`
Nombre d'agents	`nWorkers`	`nWorkers`
Nombre d'unités d'exécution	`numThreadPerTask`	`numThreadPerTask`

Tableau 42. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres Spark (suite)

Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre XGBoost Spark**
Utiliser la mémoire externe	`useExternalMemory`	`useExternalMemory`
Type de booster	`boosterType`	`boosterType`
Nombre d'itérations de boosting	`numBoostRound`	round
Mettre à l'échelle des pondérations	`scalePosWeight`	`scalePosWeight`
Objectif	`objectiveType`	objective
Métriques d'évaluation	`evalMetric`	`evalMetric`
Lambda	`lambda`	`lambda`
Alpha	`alpha`	`alpha`
Biais lambda	`lambdaBias`	`lambdaBias`
Méthode d'arbre	`treeMethod`	`treeMethod`
Nombre de niveaux max	`maxDepth`	`maxDepth`
Pondération d'enfant min.	`minChildWeight`	`minChildWeight`
Etape delta max.	`maxDeltaStep`	`maxDeltaStep`
Sous-échantillon	`sampleSize`	`sampleSize`
Eta	`êta`	`êta`
Gamma	`gamma`	`gamma`
Colsample par l'arbre	`colsSampleRation`	`colSampleByTree`
Colsample par niveau	`colsSampleLevel`	`colsSampleLevel`
Algorithme de normalisation	`normalizeType`	`normalizeType`
Algorithme d'échantillonnage	`sampleType`	`sampleType`
Taux d'abandon Dropout Rate	`rateDrop`	`rateDrop`
Probabilité d'abandon.	`skipDrop`	`skipDrop`

[1] "Scalable and Flexible Gradient Boosting." Web. © 2015-2016 DMLC.

[2] "XGBoost Parameters" *Scalable and Flexible Gradient Boosting*. Web. © 2015-2016 DMLC.

[3] "ml.dmlc.xgboost4j.scala.spark Params." *DMLC for Scalable and Reliable Machine Learning*. Web. 3 Oct 2017.

Options de modèle du noeud XGBoost-AS

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Noeud K moyenne AS

K moyenne est l'un des algorithmes de cluster les plus couramment utilisés. Il regroupe des points de données au sein d'un certain nombre de clusters prédéfinis.[1] Le noeud K moyenne AS de SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark.

Pour plus d'informations sur les algorithmes K moyenne, voir https://spark.apache.org/docs/2.2.0/ml-clustering.html.

Notez que le noeud K moyenne AS effectue automatiquement le codage "one-hot" des variables catégorielles.

[1] "Clustering." *Apache Spark*. MLlib: Main Guide. Web. 3 Oct 2017.

Champs du noeud K moyenne AS

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ à partir d'un noeud type en amont. Elle est sélectionnée par défaut.

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Si vous souhaitez affecter manuellement des champs d'entrée, sélectionnez cette option, puis sélectionnez une ou plusieurs champs d'entrée. Cela revient à définir le rôle du champ dans la section **Entrée** d'un noeud Type

Options de génération du noeud K moyenne AS

L'onglet Options de génération permet de définir des options de génération pour le noeud K moyenne AS, notamment des options standard pour la génération de modèle, des options d'initialisation pour les centres de cluster et des options avancées pour l'itération de calcul et les valeurs de départ aléatoires. Pour plus d'informations, voir JavaDoc for K-Means on SparkML.[1]

Options standard

Nom de modèle. Nom du champ généré après avoir obtenu un scoring correspondant à un cluster spécifique. Sélectionnez **Automatique** (valeur par défaut) ou **Personnalisé** et tapez un nom.

Nombre de clusters. Indiquez le nombre de clusters à générer. La valeur par défaut est **5** et la valeur minimale est **2**.

Options d'initialisation

Mode d'initialisation. Indiquez la méthode à utiliser pour initialiser les centres de cluster. **K Moyenne||** est la valeur par défaut. Pour plus d'informations sur ces deux méthodes, voir Scalable K-Means++. [2]

Etapes d'initialisation. Si le mode d'initialisation **K Moyenne||** est sélectionné, indiquez le nombre d'étapes d'initialisation. **2** est la valeur par défaut.

Options avancées

Paramètres avancés. Sélectionnez cette option si vous souhaitez définir des options avancées de la manière suivante :

Itération max. Indiquez le nombre maximal d'itérations à effectuer lors de recherches dans des centres de cluster. **20** est la valeur par défaut.

Tolérance. Indiquez la tolérance de convergence pour les algorithmes itératifs. **1.0E-4** est la valeur par défaut.

Définir une valeur de départ aléatoire. Sélectionnez cette option et cliquez sur **Générer** pour générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Options d'affichage

Afficher graphique. Sélectionnez cette option si vous voulez qu'un graphique soit inclus dans la sortie.

Le tableau suivant présente la relation entre les paramètres du noeud K moyenne AS de SPSS Modeler et les paramètres K-Means Spark.

Tableau 43. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres Spark		
Paramètre SPSS Modeler	**Nom du script (nom de la propriété)**	**Paramètre K-Means SparkML**
Champs d'entrée	`features`	
Nombre de clusters	`clustersNum`	k
Mode d'initialisation	`initMode`	`initMode`
Etapes d'initialisation	`initSteps`	`initSteps`
Itération max.	`maxIter`	`maxIter`
Tolérance	`toleration`	`tol`
Valeur de départ aléatoire	`randomSeed`	`seed`

[1] "Class KMeans." *Apache Spark*. JavaDoc. Web. 3 Oct 2017.

[2] Bahmani, Moseley, et al. "Scalable K-Means++." Feb 28, 2012. http://theory.stanford.edu/%7Esergei/papers/vldb12-kmpar.pdf.

Noeud MultiLayerPerceptron-AS

Le perceptron multicouche est un discriminant basé sur le réseau de neurones artificiels à propagation avant et se compose de plusieurs couches. Chaque couche est entièrement connectée à la suivante sur le réseau. Pour plus d'informations sur le discriminant perceptron multicouche (MLPC), voir https://spark.apache.org/docs/latest/ml-classification-regression.html#multilayer-perceptron-classifier. [1]

Le noeud MultiLayerPerceptron-AS dans SPSS Modeler est mis en oeuvre dans Spark. Pour utiliser ce noeud, vous devez configurer un noeud type en amont. Le noeud MultiLayerPerceptron-AS lira les valeurs en entrée du noeud type (ou de l'onglet Types d'un noeud source en amont).

[1] "Discriminant perceptron multicouche." *Apache Spark*. MLlib: Main Guide. Web. 5 oct 2018.

Champs du noeud MultiLayerPerceptron-AS

L'onglet Champs spécifie quels champs utiliser dans l'analyse.

Utiliser des rôles prédéfinis. Cette option indique au noeud d'utiliser les informations du champ à partir d'un noeud type en amont. Il s'agit de la valeur par défaut.

Utiliser des affectations de champs personnalisés. Pour affecter manuellement une cible et des prédicteurs, sélectionnez cette option.

Cible. Sélectionnez un champ comme cible de la prévision.

Prédicteurs. Sélectionnez un ou plusieurs champs à utiliser comme entrées pour la prévision.

Options de génération du noeud MultiLayerPerceptron-AS

L'onglet Options de génération permet de définir des options de génération pour le noeud MultiLayerPerceptron-AS, y compris les options de performances, de génération de modélisation et d'expert. Pour plus d'informations sur ces options, voir http://spark.apache.org/docs/latest/api/java/org/apache/spark/ml/classification/MultilayerPerceptronClassifier.html.[1]

Performance

Couche Perceptrons. Utilisez ce paramètre pour définir le nombre de couches de perceptron à inclure. Cette valeur doit être supérieure au nombre de zones de perceptron. La valeur par défaut est **1**.

Couches masquées. Indiquez le nombre de couches masquées. Utilisez une virgule entre plusieurs couches masquées. La valeur par défaut est **1**.

Couche de sortie. Indiquez le nombre de couches de sortie. La valeur par défaut est **1**.

Valeur de départ aléatoire. Cliquez sur **Générer** si vous souhaitez générer la valeur de départ utilisée par le générateur de nombres aléatoires.

Construction du modèle

Itérations max Indiquez le nombre maximal d'itérations à effectuer. La valeur par défaut est **10**.

Expert uniquement

BlockSize. Sélectionnez le **mode Expert** dans la section Construction du modèle si vous souhaitez spécifier la taille de bloc pour empiler les données d'entrée dans des matrices. Cela peut accélérer le calcul. La taille de bloc par défaut est **128**.

Le tableau suivant montre la relation entre les paramètres des boîtes de dialogue du noeud MultiLayerPerceptron-AS SPSS Modeler et les paramètres de la bibliothèque Spark KDE.

Tableau 44. Relation entre les propriétés du noeud et les paramètres Spark

Paramètre SPSS Modeler	Nom du script (nom de la propriété)	Paramètre Spark
Prédicteurs	`features`	
Cible	`label`	
Couche de perceptrons	`layers[0]`	`layers[0]`
Couches masquées	`layers[1…<latest-1>]`	`layers[1…<latest-1>]`
Couche de sortie	`layers[<latest>]`	`layers[<latest>]`
Valeur de départ aléatoire	`seed`	`seed`
Itérations max	`maxiter`	`maxiter`

[1] "Class MultilayerPerceptronClassifier." *Apache Spark*. JavaDoc. Web. 5 oct 2018.

Options de modèle du noeud MultiLayerPerceptron

Nom du modèle. Vous pouvez générer le nom du modèle automatiquement sur la base du champ cible ou ID (ou du type de modèle si aucun de ces champs n'est spécifié) ou spécifier un nom personnalisé.

Remarques

Le présent document a été développé pour des produits et des services proposés aux Etats-Unis. Il peut être disponible dans d'autres langues auprès d'IBM. Toutefois, il peut être nécessaire de posséder une copie du produit ou de la version du produit dans cette langue pour pouvoir y accéder.

Le présent document peut contenir des informations ou des références concernant certains produits, logiciels ou services IBM non annoncés dans ce pays. Pour plus de détails, référez-vous aux documents d'annonce disponibles dans votre pays, ou adressez-vous à votre partenaire commercial IBM. Toute référence à un produit, logiciel ou service IBM n'implique pas que seul ce produit, logiciel ou service IBM puisse être utilisé. Tout autre élément fonctionnellement équivalent peut être utilisé, s'il n'enfreint aucun droit d'IBM. Il est de la responsabilité de l'utilisateur d'évaluer et de vérifier lui-même les installations et applications réalisées avec des produits, logiciels ou services non expressément référencés par IBM.

IBM peut détenir des brevets ou des demandes de brevet couvrant les produits mentionnés dans le présent document. La remise de ce document ne vous donne aucun droit de licence sur ces brevets ou demandes de brevet. Si vous désirez recevoir des informations concernant l'acquisition de licences, veuillez en faire la demande par écrit à l'adresse suivante :

IBM Director of Licensing
IBM Corporation
North Castle Drive, MD-NC119
Armonk, NY 10504-1785
U.S.A.

Pour toute demande au sujet des licences concernant les jeux de caractères codés sur deux octets (DBCS), contactez le service Propriété intellectuelle IBM de votre pays ou adressez vos questions par écrit à :

Intellectual Property Licensing
Legal and Intellectual Property Law
IBM Japan Ltd.
19-21, Nihonbashi-Hakozakicho, Chuo-ku
Tokyo 103-8510, Japan

LE PRESENT DOCUMENT EST LIVRE EN L'ETAT SANS AUCUNE GARANTIE EXPLICITE OU IMPLICITE. IBM DECLINE NOTAMMENT TOUTE RESPONSABILITE RELATIVE A CES INFORMATIONS EN CAS DE CONTREFACON AINSI QU'EN CAS DE DEFAUT D'APTITUDE A L'EXECUTION D'UN TRAVAIL DONNE. Certaines juridictions n'autorisent pas l'exclusion des garanties tacites, auquel cas l'exclusion ci-dessus ne vous sera pas applicable.

Le présent document peut contenir des inexactitudes ou des coquilles. Ce document est mis à jour périodiquement. Chaque nouvelle édition inclut les mises à jour. IBM peut, à tout moment et sans préavis, modifier les produits et logiciels décrits dans ce document.

Les références à des sites Web non IBM sont fournies à titre d'information uniquement et n'impliquent en aucun cas une adhésion aux données qu'ils contiennent. Les documents sur ces sites web ne font pas partie des documents de ce produit IBM et l'utilisation de ces sites web se fait à vos propres risques.

IBM pourra utiliser ou diffuser, de toute manière qu'elle jugera appropriée et sans aucune obligation de sa part, tout ou partie des informations qui lui seront fournies.

Les licenciés souhaitant obtenir des informations permettant : (i) l'échange des données entre des logiciels créés de façon indépendante et d'autres logiciels (dont celui-ci), et (ii) l'utilisation mutuelle des données ainsi échangées, doivent adresser leur demande à :

IBM Director of Licensing
IBM Corporation
North Castle Drive, MD-NC119

Armonk, NY 10504-1785
U.S.A.

Ces informations peuvent être soumises à des conditions particulières, prévoyant notamment le paiement d'une redevance.

Le logiciel sous licence décrit dans ce document et tous les éléments sous licence disponibles s'y rapportant sont fournis par IBM conformément aux dispositions de l'ICA, des Conditions internationales d'utilisation des logiciels IBM ou de tout autre accord équivalent.

Les données de performance et les exemples client ne sont présentés qu'à des fins d'illustration. Les performances réelles peuvent varier en fonction des configurations et des conditions d'exploitation.

Les informations concernant des produits non IBM ont été obtenues auprès des fournisseurs de ces produits, par l'intermédiaire d'annonces publiques ou via d'autres sources disponibles. IBM n'a pas testé ces produits et ne peut confirmer l'exactitude de leurs performances ni leur compatibilité. Elle ne peut recevoir aucune réclamation concernant des produits non IBM. Toute question concernant les performances de produits non IBM doit être adressée aux fournisseurs de ces produits.

Les instructions relatives aux intentions d'IBM pour ses opérations à venir sont susceptibles d'être modifiées ou annulées sans préavis, et doivent être considérées uniquement comme un objectif.

Le présent document peut contenir des exemples de données et de rapports utilisés couramment dans l'environnement professionnel. Ces exemples mentionnent des noms fictifs de personnes, de sociétés, de marques ou de produits à des fins illustratives ou explicatives uniquement. Tous ces noms sont fictifs, et toute ressemblance avec des noms de personnes ou de sociétés réelles serait purement fortuite.

Marques

IBM, le logo IBM et ibm.com sont des marques d'International Business Machines Corp. dans de nombreux pays. Les autres noms de produits et de services peuvent être des marques d'IBM ou appartenir à des tiers. La liste actualisée de toutes les marques d'IBM est disponible sur la page Web "Copyright and trademark information" à l'adresse www.ibm.com/legal/copytrade.shtml.

Adobe, le logo Adobe, PostScript et le logo PostScript sont des marques d'Adobe Systems Incorporated aux Etats-Unis et/ou dans certains autres pays.

Intel, le logo Intel, Intel Inside, le logo Intel Inside, Intel Centrino, le logo Intel Centrino, Celeron, Intel Xeon, Intel SpeedStep, Itanium, et Pentium sont des marques d'Intel Corporation ou de ses filiales aux Etats-Unis et dans certains autres pays.

Linux est une marque de Linus Torvalds aux Etats-Unis et/ou dans certains autres pays.

Microsoft, Windows, Windows NT et le logo Windows sont des marques de Microsoft Corporation aux Etats-Unis et/ou dans certains autres pays.

UNIX est une marque enregistrée de The Open Group aux Etats-Unis et/ou dans certains autres pays.

Java ainsi que tous les logos et toutes les marques incluant Java sont des marques d'Oracle et/ou de ses sociétés affiliées.

Dispositions relatives à la documentation du produit

Les droits d'utilisation relatifs à ces publications sont soumis aux dispositions suivantes.

Applicabilité

Ces dispositions viennent s'ajouter à toute autre condition d'utilisation applicable au site web IBM.

Utilisation personnelle

Vous pouvez reproduire ces publications pour votre usage personnel, non commercial, sous réserve que toutes les mentions de propriété soient conservées. Vous ne pouvez pas distribuer ou publier tout ou partie de ces publications ou en produire des oeuvres dérivées sans le consentement exprès d'IBM.

Utilisation commerciale

Vous pouvez reproduire, distribuer et afficher ces publications uniquement au sein de votre entreprise, sous réserve que toutes les mentions de propriété soient conservées. Vous ne pouvez pas reproduire, distribuer ou afficher tout ou partie de ces publications en dehors de votre entreprise ou en tirer des oeuvres dérivées, sans le consentement exprès d'IBM.

Droits

Exception faite des droits d'utilisation expressément accordés dans ce document, aucun autre droit, licence ou autorisation, tacite ou explicite, n'est accordé pour ces publications ou autres informations, données, logiciels ou droits de propriété intellectuelle contenus dans ces publications.

IBM se réserve le droit de retirer les autorisations accordées ici si, à sa discrétion, l'utilisation des publications s'avère préjudiciable à ses intérêts ou que, selon son appréciation, les instructions susmentionnées n'ont pas été respectées.

Vous ne pouvez télécharger, exporter ou réexporter ces informations qu'en total accord avec toutes les lois et règlements applicables dans votre pays, y compris les lois et règlements américains relatifs à l'exportation.

IBM N'OCTROIE AUCUNE GARANTIE SUR LE CONTENU DE CES PUBLICATIONS. LE PRESENT DOCUMENT EST LIVRE EN L'ETAT SANS AUCUNE GARANTIE EXPLICITE OU TACITE. IBM DECLINE NOTAMMENT TOUTE RESPONSABILITE RELATIVE A CES PUBLICATIONS EN CAS DE CONTREFAÇON AINSI QU'EN CAS DE DEFAUT D'APTITUDE A L'EXECUTION D'UN TRAVAIL DONNE.

Glossaire

A

AICC

Mesure de sélection et de comparaison des modèles mixtes basée sur la valeur -2 de log de vraisemblance (restreinte). Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. L'AICC "corrige" l'AIC pour obtenir des tailles d'échantillon plus petites. Plus la taille de l'échantillon augmente, plus l'AICC converge vers l'AIC.

B

Critère d'informations bayésien (BIC)

Mesure de sélection et de comparaison des modèles basée sur la log-vraisemblance -2. Les petites valeurs indiquent de meilleurs modèles. Le critère BIC (Bayesian Information Criterion) "pénalise" lui aussi les modèles surparamétrés (modèles complexes avec un nombre élevé d'entrées, par exemple), mais de façon plus stricte que le critère AIC (Akaike's Information Criterion).

Test M de Box

Test d'égalité des matrices de covariance de groupes. Pour les échantillons de taille suffisamment importante, une valeur p non significative indique qu'il n'est pas démontré que les matrices diffèrent. Ce test est sensible aux déviations par rapport à la distribution gaussienne multivariée.

C

observations

Les codes du groupe actuel, du groupe prévu, des probabilités à posteriori et des scores discriminants sont affichés pour chaque observation.

résultats de la classification supervisée

Nombre d'observations correctement et incorrectement affectées à chacun des groupes sur la base de l'analyse discriminante. Parfois appelée "matrice de confusion".

tracés de groupes combinés

Crée un nuage de points de tous les groupes, des deux premières valeurs de fonction discriminante. S'il n'y a qu'une seule fonction, un histogramme s'affiche à la place.

covariance

Mesure d'association non normalisée entre deux variables, égale à la déviation des produits en croix divisée par N-1.

F

de Fisher

Affiche les coefficients de la fonction de classification de Fisher qui peuvent être directement utilisés pour la classification. Un ensemble distinct de coefficients de fonction de classification est obtenu pour chaque

groupe, et une observation est affectée au groupe qui a le plus grand score discriminant (valeur de fonction de classification).

R

tracé des risques

Affiche la fonction de risque cumulée sur une échelle linéaire.

K

Kurtosis

Mesure de l'étendue de la présence de valeurs extrêmes. Dans le cas d'une distribution normale, la valeur de la statistique d'aplatissement est égale à zéro. Un kurtosis positif indique qu'on observe dans les données plus de valeurs extrêmes que dans une distribution normale. Une valeur négative indique que les données comportent moins de valeurs extrêmes qu'une distribution normale.

L

classification par élimination

Classement de chaque observation de l'analyse par les fonctions dérivées de l'ensemble des observations autres que cette observation. Ce classement est également appelé "méthode U".

M

MAE

Erreur absolue moyenne. Mesure la variation de la série par rapport au niveau prévu par le modèle. L'erreur MAE est reportée dans les unités de séries d'origine.

distance de Mahalanobis

Mesure de la distance entre les valeurs d'une observation et la moyenne de toutes les observations sur les variables indépendantes. Une distance de Mahalanobis importante identifie une cellule qui a des valeurs extrêmes pour des variables indépendantes.

MAPE

Erreur absolue moyenne en pourcentage. Une mesure de la variation de la série dépendante par rapport au niveau prévu par le modèle. Elle est indépendante des mesures utilisées et peut donc être utilisée pour comparer les séries comportant des unités différentes.

MaxAE

Erreur absolue maximale. La plus grande erreur prévue, exprimée dans les mêmes unités que la série dépendante. Comme MaxAPE, elle est utile pour imaginer le pire scénario lors de vos prévisions. L'erreur Maximum absolue et l'erreur de pourcentage absolue maximum peuvent se produire à différents moments d'une série, par exemple lorsque l'erreur absolue pour la valeur d'une grandes série est légèrement supérieure à l'erreur absolue pour la valeur d'une petite série. Dans ce cas, l'erreur absolue maximale se produira à la valeur de série la plus élevée et l'erreur de pourcentage absolue maximale se produira à la valeur de série la plus basse.

MaxAPE

Erreur de pourcentage absolue maximale. La plus grande erreur prévue, exprimée en pourcentage. Cette mesure est utile pour imaginer le pire scénario lors de vos prévisions.

maximisation de la méthode d'introduction du plus petit rapport F

Méthode de sélection des variables en analyse pas à pas, fondée sur la maximisation d'un rapport F calculé à partir de la distance de Mahalanobis entre des groupes.

maximum

La plus grande valeur d'une variable numérique.

moyenne

Mesure de la tendance centrale. Moyenne arithmétique : somme divisée par le nombre d'observations.

moyennes

Affiche les moyennes totales et les moyennes de groupe, ainsi que l'écart type des variables indépendantes.

Médiane

Valeur au-dessus et au-dessous de laquelle se trouvent la moitié des observations, le 50e percentile. Si le nombre de cellules est pair, la médiane correspond à la moyenne des deux cellules du milieu lorsqu'elles sont triées dans l'ordre croissant ou décroissant. La médiane est une mesure de tendance centrale et elle n'est pas, à l'inverse de la moyenne, sensible aux valeurs extrêmes.

minimiser le lambda de Wilks

Méthode de sélection des variables pour une analyse discriminante pas à pas qui sélectionne les variables à entrer dans l'équation d'après leur capacité à faire baisser le lambda de Wilks. A chaque étape, les variables sont entrées dans l'analyse d'après leur capacité à faire baisser le lambda de Wilks.

Minimum

La plus petite valeur d'une variable numérique.

mode

Valeur qui revient le plus souvent. Si plusieurs valeurs partagent la plus grande fréquence d'occurrence, chacune d'elles constitue un mode.

N

BIC normalisé

Critère d'information bayésien normalisé. Une mesure générale de l'ajustement global d'un modèle qui essaye de prendre en compte la complexité du modèle. C'est un résultat basé sur l'erreur quadratique moyenne et qui inclut une pénalité pour le nombre de paramètres du modèle et la longueur de la série. La pénalité supprime l'avantage des modèles disposant de plus de paramètres, rendant les statistiques plus faciles à comparer parmi les différents modèles d'une même série.

I

un moins la survie

Trace un moins la fonction de survie sur une échelle linéaire.

R

plage

Différence entre la valeur maximale et la valeur minimale d'une variable numérique (maximum–minimum).

V de Rao (analyse discriminante)

Mesure des différences entre des moyennes de groupes. Egalement appelée trace de Lawley-Hotelling. A chaque étape, la variable qui maximise l'augmentation du V de RAO est entrée. Après avoir sélectionné cette option, entrez la valeur minimale que doit avoir une variable pour entrer dans l'analyse.

RMSE

Erreur quadratique moyenne. La racine carrée de l'erreur quadratique moyenne. Une mesure de la variation de la série dépendante par rapport au niveau de prédiction, exprimée dans les mêmes unités que la séries dépendante.

R-carré

Mesure de qualité d'ajustement d'un modèle linéaire, parfois appelée coefficient de détermination. Il s'agit de la proportion de la variation de la variable dépendante, expliquée par le modèle de régression. Elle varie entre 0 et 1. Des valeurs faibles indiquent que le modèle n'est pas bien ajusté aux données.

S

groupes distincts

Les matrices de covariance par groupes distincts sont utilisées pour la classification. Comme la classification repose sur les fonctions discriminantes et non sur les variables d'origine, cette option n'est pas toujours équivalente à la discrimination quadratique.

covariance par groupes distincts

Affiche des matrices de covariance par groupes distincts pour chaque groupe.

tracés par groupes distincts

Crée des nuages de points par groupes distincts des deux premières valeurs de fonction discriminante. Lorsqu'il n'y a qu'une seule fonction, des histogrammes sont affichés à la place.

Bonferroni séquentiel

Il s'agit d'une procédure descendante de rejet séquentiel de Bonferroni beaucoup moins stricte en ce qui concerne le rejet des différentes hypothèses mais qui conserve le même seuil global de signification.

Sidak séquentiel

Il s'agit d'une procédure descendante de rejet séquentiel de Sidak beaucoup moins stricte en ce qui concerne le rejet des différentes hypothèses mais qui conserve le même seuil global de signification.

asymétrie

Mesure de l'asymétrie d'une distribution. La distribution normale est symétrique et possède une valeur d'asymétrie égale à 0. Une distribution dont la valeur d'asymétrie est positive présente une extrémité droite allongée. Une distribution caractérisée par une importante asymétrie négative présente une extrémité gauche plus allongée. Pour simplifier, une valeur d'asymétrie deux fois supérieure à l'erreur standard correspond à une absence de symétrie.

écart type

Mesure de la dispersion des valeurs autour de la moyenne, égale à la racine carrée de la variance. L'écart type est mesuré dans les mêmes unités que la variable d'origine.

écart type

Mesure de dispersion autour de la moyenne. Dans le cas d'une distribution normale, 68 % des observations se situent à l'intérieur d'un écart type de la moyenne et 95 % se situent à l'intérieur de deux écarts-types. Par exemple, si l'âge moyen est 45 ans avec un écart type égal à 10, une distribution normale verra 95 % des observations se situer entre 25 et 65.

erreur standard

Mesure du degré de variation des valeurs de statistiques de test d'un échantillon à l'autre. Il s'agit de l'écart type de la distribution de l'échantillon pour des statistiques. Par exemple, l'erreur standard de la moyenne est l'écart type des moyennes d'échantillon.

erreur standard de Kurtosis

Rapport de kurtosis avec son erreur standard pouvant être utilisé comme test de normalité (autrement dit, vous pouvez conclure à une anormalité si ce rapport est inférieur à -2 ou supérieur à +2). Une valeur de kurtosis positive élevée indique que les extrémités de la distribution sont plus longues que celles d'une distribution normale ; une valeur de kurtosis négative présente des extrémités plus courtes (semblables à celles d'une distribution uniforme sous forme de boîtes).

erreur standard de la moyenne

Mesure de la variation de la valeur de la moyenne d'un échantillon à l'autre issus de la même distribution. Cette mesure permet de comparer approximativement la moyenne observée avec une valeur hypothétique (autrement dit, vous pouvez conclure que ces deux valeurs sont différentes si le rapport de la différence avec l'erreur standard est inférieur à -2 ou supérieur à +2).

erreur standard d'asymétrie

Rapport de l'asymétrie avec son erreur standard pouvant être utilisé comme test de normalité (autrement dit, vous pouvez conclure à une anormalité si ce rapport est inférieur à -2 ou supérieur à +2). Une valeur positive élevée indique une extrémité allongée vers la droite ; une valeur négative extrême produit une extrémité allongée vers la gauche.

R-carré stationnaire

Mesure qui compare la partie stationnaire du modèle à un simple modèle de moyenne. Cette mesure est préférable à un R-carré ordinaire lorsqu'il y a une tendance ou un motif saisonnier. Le R-carré stationnaire peut être négatif avec une plage d'infinité négative de 1. Les valeurs négatives signifient que la sous-considération du modèle est pire que le modèle de la ligne de base. Les valeurs positives signifient que le modèle en cours d'évaluation est meilleur que le modèle de référence.

somme

Somme ou total des valeurs, pour toutes les observations n'ayant pas de valeur manquante.

tracé de survie

Affiche la fonction de survie cumulée d'après une échelle linéaire.

V

carte territoriale

Tracé des limites servant à classifier les observations en fonction de valeurs de fonction. Les numéros correspondent aux groupes auxquels les cellules ont été affectées. La moyenne de chaque groupe est indiquée par un astérisque à l'intérieur de ses limites. La carte n'est pas affichée s'il n'existe qu'une seule fonction discriminante.

covariance totale

Affiche la matrice de covariance de toutes les observations comme si elles provenaient d'un seul échantillon.

U

variance non expliquée

A chaque étape, la variable qui minimise la somme des variations inexpliquées (résiduelles) entre les groupes est saisie.

unique

Evalue tous les effets simultanément, en ajustant chaque effet à tous les autres effets d'un type donné.

ANOVA univariées

Effectue pour chacune des variables indépendantes une analyse de variance à 1 facteur pour tester l'égalité des moyennes de groupe.

non standardisés

Affiche les coefficients de fonction discriminante non standardisés.

utiliser valeur F

Une variable est introduite dans un modèle si sa valeur F est supérieure à la valeur indiquée pour Entrée et elle est éliminée si la valeur F est inférieure à la valeur indiquée pour Elimination. La valeur indiquée pour Entrée doit être supérieure à la valeur indiquée pour Elimination et toutes deux doivent être positives. Pour introduire davantage de variables dans le modèle, réduisez la valeur de la zone Entrée. Pour éliminer davantage de variables du modèle, augmentez la valeur de la zone Elimination.

utiliser la probabilité de F

Une variable est entrée dans le modèle si le seuil de signification de la valeur F est inférieur à la valeur indiquée pour Entrée ; la variable est éliminée si ce seuil est supérieur à la valeur indiquée pour Elimination. La valeur indiquée pour Entrée doit être inférieure à la valeur indiquée pour Elimination et toutes deux doivent être positives. Pour introduire davantage de variables dans le modèle, diminuez la valeur de la zone Entrée. Pour éliminer davantage de variables du modèle, réduisez la valeur de la zone Elimination.

V

valide

Observations valides qui ne comportent pas la valeur système manquante ni une valeur manquante définie par l'utilisateur.

variance

Mesure de dispersion autour de la moyenne, égal à la somme des écarts au carré par rapport à la moyenne divisé par le nombre d'observations moins un. La variance se mesure en unités, qui sont égales au carré des unités de la variable.

W

intra-groupes

La matrice de covariances intra-groupes regroupée en pool est utilisée pour classifier les observations.

corrélation intra-groupes

Affiche une matrice de corrélation intra-groupes regroupée en pool, obtenue en calculant la moyenne des matrices de covariance distinctes pour tous les groupes avant de calculer les corrélations.

covariance intra-groupes

Affiche une matrice de covariance intra-groupes regroupée en pool qui peut différer de la matrice de covariance totale. Cette matrice est obtenue en calculant la moyenne des matrices de covariances distinctes de tous les groupes.

Index

A

ajouter des règles de modèle 161
ajustement de Bonferroni
  noeud CHAID 103
  Noeud Tree-AS 109
algorithmes 35
amélioration des performances 189, 263
analyse de la variance
  dans les modèles mixtes linéaires généralisés 208
analyse des composantes principales. Voir modèles ACP 193, 195
analyse du voisin le plus proche
  vue du modèle 356
analyse log linéaire
  dans les modèles mixtes linéaires généralisés 208
analyse probit
  modèles mixtes linéaires généralisés 208
ANOVA
  dans des modèles linéaires 177
antécédent
  règles dépourvues 268
aperçu
  contenu de modèle 40
apprentissage non supervisé 240
arbres de régression 96, 97, 107, 113
arbres de segmentation 96, 97, 105, 107, 113
arbres interactifs
  bénéfices 88
  divisions personnalisées 84
  exportation des résultats 93
  gains 86–89
  génération de graphiques 124
  génération de modèles 90, 91
  ROI 88
  valeurs de substitution 85

B

bagging
  dans des modèles linéaires 172
  dans les réseaux de neurones 139
bénéfices
  gains d'arbre de décisions 88
boosting
  dans des modèles linéaires 172
  dans les réseaux de neurones 139

C

carte d'arbre
  génération de graphiques 124
  modèles d'arbre de décisions 122
carte des quadrants
  dans l'analyse du voisin le plus proche 358
carte territoriale
  noeud discriminant 198
cartes auto-organisatrices 240
catégorie de base
  noeud Logistique 183
Champ ID
  noeud CARMA 266
  noeud Séquence 278
Champ Temps
  noeud CARMA 266
  noeud Séquence 278
champs d'analyse
  noeud CARMA 266
  noeud Séquence 278
champs d'entrée
  filtrage 52
  sélection pour analyse 52
champs de fréquence 31
champs de pondération 29, 31
champs disponibles 160
changer la valeur cible 164
chargement
  nuggets de modèle 39
classement des prédicteurs 53–55
classification
  affichage de clusters 255
  affichage général 255
Classification
  cluster Twostep 247–252
  détection des anomalies 57
  nombre de clusters 246
cluster Twostep 247–252
coefficient de variance
  filtrage des champs 52
confiance
  noeud Apriori 263
  noeud CARMA 267
  noeud Séquence 279
  pour les séquences 282
  règles d'association 269, 271, 282
confiances
  ensembles de règles 123
  modèles d'arbre de décisions 112, 118, 123
  modèles de régression logistique 191
  modèles GLE 232
conséquence
  conséquences multiples 268
construction de règles d'association 286
copier des liens de modèle 37
corrélations asymptotiques
  modèles de régression logistique 188, 192
correspondances
  gains d'arbre de décisions 86
coûts
  arbres de décisions 101, 102, 110, 115
  classification erronée 35
coûts de classification erronée
  noeud C5.0 106
covariance asymptotique

covariance asymptotique *(suite)*
modèles de régression logistique 188
Critère d'Akaike
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
critère de prévention de surajustement
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
critères
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
cycles non saisonniers 295

D

décalage
ACF et PACF 298
détection de séquences 278
différence d'informations
mesure d'évaluation a priori 264
différence de confiance
mesure d'évaluation a priori 264
différence de confiance absolue a priori
mesure d'évaluation a priori 264
différence du quotient de confiance par rapport à 1
mesure d'évaluation a priori 264
directives
arbres de décisions 92
directives d'arbre
arbres de décisions 92
Noeud Arbre C&RT 91
noeud CHAID 91
noeud QUEST 91
distances du voisin le plus proche
dans l'analyse du voisin le plus proche 358
divisions
arbres de décisions 84, 85
divisions personnalisées
arbres de décisions 84, 85
documentation 3
données de table de valeurs vraies 274, 276
données du panier 274, 276
données manquantes
série de prédicteurs 299
données tabulaires
noeud Apriori 29
noeud CARMA 266
noeud Séquence 278
transposition 276
données till-roll (déroulantes) 274, 276
données transactionnelles
noeud Apriori 29
noeud CARMA 266
Noeud Règles d'association MS 29
noeud Séquence 278
DTD 47

E

éditer
paramètres avancés 160
effets principaux
modèles de régression logistique 187
effets saisonniers
identification 294
élagage d'arbres de décisions 96, 99
enregistrements centraux 352
ensemble de règles
génération à partir d'arbres de décisions 93
ensemble de règles de séquence généré 274
ensemble de règles de vote 126
ensemble de règles premier résultat 126
ensembles
dans des modèles linéaires 175
dans les réseaux de neurones 142
Epsilon pour la convergence
noeud CHAID 103
Noeud Tree-AS 110
estimation des risques
gains d'arbre de décisions 90
estimation non paramétrique 302
estimation paramétrique 302
estimations des paramètres
modèles de régression logistique 192
modèles linéaires généralisés 206
évaluation dans Excel 165
évaluation des données 46
évaluer un modèle 164
événements
identification 295
exécuter une tâche d'exploration 158
exemples
Aperçu 4
Guide des applications 3
exemples d'application 3
exhaustive CHAID 83, 99, 109
exportation
nuggets de modèle 39
PMML 47, 48
SQL 40

F

factorisation
modèles ACP/Analyse factorielle 193
filtrage des champs d'entrée 52
filtrage des prédicteurs 53–55
filtrage des règles
règles d'association 271
fonction d'autocorrélation
série 298
fonction d'autocorrélation partielle
série 298
fonction de lien
modèles GLE 224
modèles mixtes linéaires généralisés 210
fonction radiale de base (RBF)
dans les réseaux de neurones 140
fonction(s) d'estimation générale(s)
modèles linéaires généralisés 206
fonctions de transfert
délai 329
ordre des numérateurs 329
ordres de dénominateur 329
ordres de différence 329
ordres saisonniers 329
fonctions du noyau

fonctions du noyau *(suite)*
modèles support vector machine 343
format de configuration de l'intégration à MS Excel 166

G

gains
arbres de décisions 86–89
exportation 93
graphique 168
gains de classification
arbres de décisions 87, 89
gains de régression
arbres de décisions 88, 89
générateur d'arbres
bénéfices 88
divisions personnalisées 84
exportation des résultats 93
gains 86–89
génération de graphiques 124
génération de modèles 90, 91
prédicteurs 85
ROI 88
valeurs de substitution 85
génération de graphiques
règles d'association 272
génération de règles de segment 158
générer un nouveau modèle 164
gestionnaires
Onglet Modèles 39
graphique de l'espace du prédicteur
dans l'analyse du voisin le plus proche 357
graphiques d'évaluation
à partir de modèles de classificateur automatique 80
à partir de modèles de numérisation automatique 80
graphiques de lift
gains d'arbre de décisions 89
graphiques de réponses
gains d'arbre de décisions 86, 89
graphiques Evaluation
à partir de modèles de classificateur automatique 80
à partir de modèles de cluster automatique 80
à partir de modèles de numérisation automatique 80
groupes de pairs
détection des anomalies 57

H

historique des itérations
modèles linéaires généralisés 206
Historique des itérations
modèles de régression logistique 188

I

IBM SPSS Modeler
documentation 3
IBM SPSS Modeler Server 1
ID de règle 269
importance
classement des prédicteurs 53–55
filtrage de champs 42
prédicteurs dans les modèles 33, 41, 42
importance des champs
classement de champs 53–55
filtrage de champs 42
Résultats de modèles 33, 41, 42
importance des prédicteurs
dans l'analyse du voisin le plus proche 358
filtrage de champs 42
modèles de régression logistique 190
modèles discriminants 200
modèles GLE 231
modèles linéaires 176
modèles linéaires généralisés 207
modèles linear-AS 181
modèles LSVM 349
modèles Random Trees 116
modèles Séries temporelles 333
modèles Tree-AS 111
réseaux de neurones 146
Résultats de modèles 33, 41, 42
importance des variables
modèles de réponse en auto-apprentissage 339
importation
PMML 39, 47, 48
impulsions
séries 295
index
gains d'arbre de décisions 86
induction de règle 96, 97, 105, 107, 113, 263
informations sur le modèle
modèles GLE 231
modèles linéaires généralisés 206
modèles linear-AS 181
modèles LSVM 349
modèles Random Trees 116
modèles Séries temporelles 333
modèles Tree-AS 111
instances 269, 282
instantané
création 157
interactions
modèles de régression logistique 187
Intervalles de confiance
modèles de régression logistique 188
interventions
identification 295
interventions d'étape
identification 295
interventions ponctuelles
identification 295

K

khi-carré de Pearson
noeud CHAID 103
Noeud Tree-AS 109
sélection des caractéristiques 53
khi-deux
noeud CHAID 103
Noeud Tree-AS 109
sélection des caractéristiques 53
Khi-deux du rapport de vraisemblance
noeud CHAID 103
Noeud Tree-AS 109
sélection des caractéristiques 53

khi-deux normalisé
mesure d'évaluation a priori 264
KNN. Voir modèles d'agrégation suivant le saut minimum 351

L

Lambda
sélection des caractéristiques 53
libellés
value 47
variable 47
liens
modèle 36
liens de modèle
Copie et collage 37
définition et suppression 36
et super noeuds 38
lift
gains d'arbre de décisions 86
règles d'association 271
lissage exponentiel 321
log-odds
modèles de régression logistique 190

M

matrice de confusion
modèles LSVM 349
Matrice de corrélation
modèles linéaires généralisés 206
Matrice de covariance
modèles linéaires généralisés 206
matrice des coefficients de contraste
modèles linéaires généralisés 206
Matrice L
modèles linéaires généralisés 206
meilleurs sous-ensembles
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
mesure d'impureté Associer par paire 102
mesure d'impureté Associer par paire ordonnée 102
mesure d'impureté Gini 102
mesure de la capacité de déploiement 269
mesures d'évaluation
noeud Apriori 264
mesures d'impureté
arbres de décisions 102
Noeud Arbre C&RT 102
mesures de modèle
définition 165
rafraîchir 165
mise en route 155
MLP (perceptron multicouche)
dans les réseaux de neurones 140
Modalité de référence
noeud Logistique 183
modèle linéaire général
modèles mixtes linéaires généralisés 208
modèle linéaire généralisé
dans les modèles mixtes linéaires généralisés 208
modèles
Onglet Récapitulatif 41
modèles *(suite)*
remplacement 38
scission 27, 28
Modèles
importation 39
modèles ACP
équations 196
facteurs 194
gestion des valeurs manquantes 194
itérations 194
noeud de modélisation 193
nombre de facteurs 194
nugget de modèle 195, 196
options de modèle 194
options expert 194
rotation 195
sorties avancées 196
valeurs propres 194
modèles alternatifs 163
modèles apriori
données tabulaires et données transactionnelles 29
mesures d'évaluation 264
noeud de modélisation 263
options du noeud de modélisation 263
options expert 264
modèles ARIMA
fonctions de transfert 329
modèles bruts 49, 53–55
modèles C5.0
boosting 106
coûts de classification erronée 106
élagage 106
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 124
noeud de modélisation 105, 106, 122–124
nugget de modèle 119, 126, 127
options 106
Modèles C5.0
boosting 124
Modèles CARMA
Champ ID 266
Champ Temps 266
champs d'analyse 266
conséquences multiples 274
données tabulaires et données transactionnelles 268
formats de données 266
noeud de modélisation 265
options de champs 266
options du noeud de modélisation 267
options expert 268
modèles causals temporels 306, 310, 314
Modèles CHAID
coûts de classification erronée 102
ensembles 100
exhaustive CHAID 99, 109
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 124
noeud de modélisation 83, 94, 96, 122, 123
nugget de modèle 119
objectifs 98
options d'arrêt 100, 110
options de champs 97
options de création 98
profondeur d'arbre 99, 109

modèles Classificateur automatique
génération de noeuds modélisation et de nuggets 79
modèles d'agrégation suivant le saut minimum
à propos de 351
noeud de modélisation 351
options d'analyse 355
options de modèle 352
options de paramètres 352
options de sélection des caractéristiques 354
options de validation croisée 354
options des objectifs 351
options des voisins 353
modèles d'arbre C&RT
coûts de classification erronée 101
élagage 99
ensembles 100
mesures d'impureté 102
options d'arrêt 100
pondérations d'observation 29
pondérations de fréquence 29
probabilités a priori 101
profondeur d'arbre 99
valeurs de substitution 99
Modèles d'arbre C&RT
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 124
noeud de modélisation 83, 94, 96, 122, 123
nugget de modèle 119
objectifs 98
options de champs 97
options de création 98
modèles d'arbre de décisions
bénéfices 88
coûts de classification erronée 101, 102, 110, 115
divisions personnalisées 84
exportation des résultats 93
gains 86–89
génération 90, 91
génération de graphiques 124
noeud de modélisation 93
prédicteurs 85
ROI 88
valeurs de substitution 85
visualiseur 122
modèles de causalité temporelle
noeud de modélisation 305
modèles de classification TwoStep
classification 247
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 260
noeud de modélisation 245
nombre de clusters 246
nugget de modèle 247
options 246
standardisation des champs 246
traitement des valeurs extrêmes 246
modèles de cluster automatique
fenêtre du navigateur des résultats 78
génération de noeuds modélisation et de nuggets 79
graphiques Evaluation 80
modèles de classement 75
noeud de modélisation 75
nugget de modèle 78
paramètres d'algorithme 62
modèles de cluster automatique *(suite)*
partitions 76
règles d'arrêt 62
suppression de modèles 78
types de modèle 76
Modèles de cluster automatique
noeud de modélisation 75
modèles de cluster TwoStep-AS
noeud de modélisation 247
modèles de détection des anomalies
champs d'anomalie 56, 58
coefficient de correction 57
groupes de pairs 57, 58
index d'anomalie 56
niveau de bruit 57
scoring 58
valeur de césure 56, 58
valeurs manquantes 57
modèles de Discriminant automatique
fenêtre du navigateur des résultats 78
graphiques d'évaluation 80
graphiques Evaluation 80
introduction 63
modèles de classement 64
noeud de modélisation 63, 64
nugget de modèle 78
paramètres 69
paramètres d'algorithme 62
partitions 65
règles d'arrêt 62
suppression de modèles 69
types de modèle 65
Modèles de discriminant automatique 61
modèles de numérisation automatique
fenêtre du navigateur des résultats 78
génération de noeuds modélisation et de nuggets 79
graphiques d'évaluation 80
graphiques Evaluation 80
noeud de modélisation 70, 71
nugget de modèle 78
options de modélisation 71
paramètres 75
paramètres d'algorithme 62
règles d'arrêt 62, 72
types de modèle 72
modèles de rafraîchissement
modèles de réponse en auto-apprentissage 338
modèles de règle non affinée 268, 269, 273
modèles de règles d'association
Apriori 263
CARMA 265
définition des filtres 271
déploiement 276
détails des nuggets de modèles 269
génération d'un ensemble de règles 273
génération d'un modèle filtré 274
génération de graphiques 272
nugget de modèle 268
paramètres 272
pour les séquences 278
récapitulatif des nuggets de modèles 273
règles de scoring 274
transposition des scores 276
modèles de régression

modèles de régression *(suite)*
noeud de modélisation 172, 179
Modèles de régression de Cox
Critères de convergence 235
critères de l'analyse pas à pas 236
noeud de modélisation 232
nugget de modèle 236
options de champs 233
options de modèle 233
options de paramètres 236
options expert 235
sorties avancées 235, 237
modèles de régression linéaire
moindres carrés pondérés 29
noeud de modélisation 172, 179
modèles de régression logistique
ajouter des termes 187
effets principaux 187
équations de modèle 190
importance des prédicteurs 190
interactions 187
noeud de modélisation 182
nugget de modèle 190, 191
options binomiales 183
options de convergence 188
options de l'analyse pas à pas 189
options expert 187
options multinomiales 183
sorties avancées 188, 192
modèles de régression logistique binomiale 182, 183
modèles de régression logistique multinomiale 182, 183
modèles de réponse en auto-apprentissage
importance des variables 339
noeud de modélisation 337
nugget de modèle 339
options de champs 337
paramètres 340
rafraîchissement de modèle 338
modèles de réseau bayésien
noeud de modélisation 129
nugget de modèle 133
options de modèle 130
options expert 132
récapitulatif des nuggets de modèles 134
modèles de réseau Bayésien
paramètres des nuggets de modèles 134
modèles de réseau de neurones
options de champs 29
modèles de scission
création 27
et partitionnement 27
fonctions concernées par 28
noeuds modélisation 28
modèles de séquences
Champ ID 278
Champ Temps 278
champs d'analyse 278
détails des nuggets de modèles 282
données tabulaires et données transactionnelles 279
formats de données 278
génération d'un super noeud Règle 284
navigateur de séquence 284
noeud de modélisation 278
nugget de modèle 281, 282, 284
modèles de séquences *(suite)*
options 279
options de champs 278
options expert 279
paramètres des nuggets de modèles 284
prévisions 281
récapitulatif des nuggets de modèles 284
tri 284
modèles discriminants
critère de l'analyse pas à pas (sélection des champs) 199
Critères de convergence 198
forme du modèle 197
noeud de modélisation 197
nugget de modèle 200, 201
options expert 198
scores de propension 200
scoring 200
sorties avancées 198, 200
modèles factoriels
équations 196
facteurs 194
gestion des valeurs manquantes 194
itérations 194
noeud de modélisation 193
nombre de facteurs 194
nugget de modèle 195, 196
options de modèle 194
options expert 194
rotation 195
sorties avancées 196
valeurs propres 194
modèles GLE
distribution de la cible 224
effets de modèle 226
fonction de lien 224
importance des prédicteurs 231
informations sur le modèle 231
noeud de modélisation 232
offset 227
options de création 228
options de scoring 230
options de sélection de modèle 229
pondération d'analyse 227
sortie 231
termes personnalisés 227
modèles hiérarchiques
modèles mixtes linéaires généralisés 208
modèles k moyenne
champ de distance 244
classification 243, 245
codage de valeurs pour les ensembles 244
critère d'arrêt 244
nugget de modèle 245
options expert 244
Modèles k moyenne
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 260
Modèles Kohonen
critère d'arrêt 241
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 260
noeud de modélisation 240
nugget de modèle 243

Modèles Kohonen *(suite)*
option des codages des ensembles binaires (supprimée) 241
options expert 242
représentation graphique 241
réseaux de neurones 240, 243
taux d'apprentissage 242
voisinage 240, 242
modèles linéaires
choix du modèle 174
coefficients 178
critère d'information 176
duplication des résultats 175
ensembles 175
importance des prédicteurs 176
moyennes estimées 178
niveau de confiance 173
objectifs 172
options de modèle 175
paramètres des nuggets 179
préparation automatique des données 173, 176
récapitulatif de génération de modèle 178
récapitulatif du modèle 176
règles de combinaison 175
Résidus 177
statistiques R-carré 176
tableau ANOVA 177
valeurs extrêmes 177
valeurs prédites en fonction des valeurs observées 177
modèles linéaires généralisés
champs 202
forme du modèle 202
noeud de modélisation 201, 223
nugget de modèle 207, 208
options de convergence 205
options expert 203
scores de propension 208
sorties avancées 206, 207
modèles linear support vector machine (LSVM)
noeud de modélisation 348
nugget de modèle 349
options de création 349
options de modèle 348
paramètres 350
modèles linear-AS
choix du modèle 180
critère d'information 181
envisager d'utiliser l'interaction bidirectionnelle 180
importance des prédicteurs 181
inclure la constante 180
informations sur le modèle 181
intervalle de confiance 180
niveau de confiance 180
options de modèle 181
ordre de tri pour les prédicteurs indépendants 180
paramètres des nuggets 182
récapitulatif des enregistrements 181
sortie 181
statistiques R-carré 181
valeurs prédites en fonction des valeurs observées 181
modèles Liste de décision
configuration requise 151
espace de travail du Visualiseur 155
génération SQL 154
modèles Liste de décision *(suite)*
largeur de recherche 153
méthode de regroupement par casiers 153
noeud de modélisation 151
onglet alternatives 156
onglet instantanés 157
options de modèle 152
options expert 153
panneau du modèle de travail 155
paramètres 154
PMML 154
scoring 154
segments 154
sens de la recherche 152
utilisation du Visualiseur 157
valeur cible 152
modèles longitudinaux
modèles mixtes linéaires généralisés 208
modèles LSVM
importance des prédicteurs 349
informations sur le modèle 349
matrice de confusion 349
récapitulatif des enregistrements 349
sortie 349
valeurs prédites en fonction des valeurs observées 349
modèles mixtes
modèles mixtes linéaires généralisés 208
modèles mixtes linéaires généralisés
bloc d'effets aléatoires 214
coefficients fixes 220
covariances à effet aléatoire 221
distribution de la cible 210
Effets aléatoires 214
effets fixes 212, 220
fonction de lien 210
moyennes estimées 221, 222
moyennes marginales estimées 218
offset 215
options de scoring 217
paramètres 222
paramètres de covariance 221
pondération d'analyse 215
récapitulatif du modèle 219
structure des données 219
tableau de classification 219
termes personnalisés 213
valeurs prédites en fonction des valeurs observées 219
vue du modèle 219
modèles multi-niveaux
modèles mixtes linéaires généralisés 208
Modèles numériques automatiques 61
Modèles QUEST
coûts de classification erronée 101
élagage 99
ensembles 100
génération de graphiques à partir d'un nugget de modèle 124
noeud de modélisation 83, 94, 97, 122, 123
nugget de modèle 119
objectifs 98
options d'arrêt 100
options de champs 97
options de création 98
probabilités a priori 101

Modèles QUEST *(suite)*
profondeur d'arbre 99
valeurs de substitution 99
modèles Random Trees
coûts de classification erronée 115
importance des prédicteurs 116
informations sur le modèle 116
noeud de modélisation 113, 118
options de champs 114
options de création 114
paramètres avancés 116
profondeur d'arbre 114
regroupement par casiers 116
sortie 116
taille d'échantillon 114
modèles Règles d'association
détails des nuggets de modèles 290
nugget de modèle 290
options de champs 286
paramètres des nuggets de modèles 291
modèles sélection de fonction
classement des prédicteurs 52–54
filtrage des prédicteurs 52–54
génération de noeuds Filtrer 55
importance 52–54
modèles Séries temporelles
ARIMA 326, 329
importance des prédicteurs 333
informations sur le modèle 333
lissage exponentiel 321
Lissage exponentiel 326
modèles ARIMA 321
noeud de modélisation 321
options d'agrégation et de distribution 324
options d'intervalle de temps 324
options d'observation 323
options de champs 322
options de génération 326
options de génération générales 326
options de modèle 331
options de spécification des données 322
options des sorties de génération 330
options des valeurs manquantes 325
ordre de fonction de transfert 329
paramètres des nuggets de modèles 334
période d'estimation 325
sortie 333
transformation 329
modèles statistiques 171
modèles STP
nugget de modèle 304
options d'intervalle de temps 301
options de champs 300
modèles support vector machine
à propos de 343
affinement 344
fonctions du noyau 343
noeud de modélisation 345
nugget de modèle 346, 356
options de modèle 345
options expert 345
paramètres 347
surajustement 344
modèles TCM
modèles TCM *(suite)*
noeud de modélisation 305
nugget de modèle 315
paramètres des nuggets de modèles 316
modèles Tree-AS
coûts de classification erronée 110
importance des prédicteurs 111
informations sur le modèle 111
noeud de modélisation 107, 112
options d'arrêt 110
options de champs 108
options de création 98, 108
profondeur d'arbre 109
regroupement par casiers 109
sortie 111
modèles TwoStep-AS
nugget de modèle 252
paramètres des nuggets de modèles 252
modélisation de causalité temporelle
nugget de modèle 315
paramètres des nuggets de modèles 316
moindres carrés pondérés 29

N

navigateur de séquence 284
niveaux d'importance
pour la fusion 103, 109
niveaux, validation croisée 354
noeud Bâtir règle 119
Noeud Filtrer
génération à partir d'arbres de décisions 93
noeud Gaussian Mixture
entrées 371
noeud GMM
entrées 371
noeud HDBSCAN
entrées 378
Noeud Isotonique sur AS 383, 384
Noeud K moyenne AS 253, 387, 388
noeud KDE
entrées 373
noeud KDE Modeling 373
noeud linéaire 172
noeud Linear-AS 180
Noeud MultiLayerPerceptron-AS 389, 390
noeud neuralnetwork 137
noeud nodeName 208
Noeud Random Forest 375, 377
noeud Règles d'association 285
noeud Sélectionner
génération à partir d'arbres de décisions 93
Noeud SMOTE 362
noeud STP 299
noeud SVM à classe unique 380–382
Noeud t-SNE 368, 370
noeud TCM 305
Noeud XGBoost Linear 363–365
noeud XGBoost Tree 365
Noeud XGBoost Tree 365, 366, 368
noeud XGBoost-AS 384, 385, 387
Noeuds de modélisation automatisés
Modèles de cluster automatique 61
Modèles de discriminant automatique 61

Noeuds de modélisation automatisés *(suite)*
Modèles numériques automatiques 61
noeuds de regroupement 253, 387, 388
noeuds modélisation 55, 105, 129, 240, 243, 245, 247, 253, 263, 278, 337, 383–385, 387–390
noeuds Python 362–366, 368, 370, 371, 373, 375, 377, 378, 380–382
Noeuds spark 253, 383–385, 387–390
noyau linéaire
modèles support vector machine 343
nuggets de modèle
enregistrement 40
enregistrement et chargement 39
évaluation des données avec 46
exportation 39, 40
génération de noeuds de traitement 46
impression 40
menus 40
modèles d'ensemble 43
modèles de scission 45
Onglet Récapitulatif 41
utilisation dans les flux 46
nuggets de modèle de scission
Onglet Récapitulatif 41
visualiseur 45
Nuggets de modèle Isotonique sur AS 384
Nuggets de modèle Random Forest 377
Nuggets de modèle t-SNE 370

O

onglet Alternatives 156
Onglet Instantanés 157
onglet Visualiseur
génération de graphiques 124
modèles d'arbre de décisions 122
optimisation des performances 263
options de champs
Noeud de Cox 233
noeud MRAA 337
noeuds modélisation 29
options de construction avancée de prévisions spatio-temporelles 302
options de construction pour prévision spatio-temporelle 302
options de convergence
Modèles de régression de Cox 235
modèles de régression logistique 188
modèles linéaires généralisés 205
noeud CHAID 103
Noeud Tree-AS 110
Options de graphique 169
options de l'analyse pas à pas
Modèles de régression de Cox 236
modèles de régression logistique 189
options de modèle
Modèles de régression de Cox 233
noeud MRAA 338
Noeud Réseau Bayésien 130
options de modèle de règles d'association 289
options de modèle pour prévision spatio-temporelle 304
options de paramètres
Modèles de régression de Cox 236
noeud MRAA 338
options du modèle de prévision spatio-temporelle 304
options expert
Modèles de régression de Cox 235
modèles k moyenne 244
Modèles Kohonen 242
noeud Apriori 264
noeud CARMA 268
Noeud Réseau Bayésien 132
noeud Séquence 279
organiser les sélections de données 160

P

pairs
dans l'analyse du voisin le plus proche 358
palette de modèles 35, 39
Panneau des règles alternatives 161
panneau du modèle de travail 155
paramètres avancés 160
partitions
sélection 278
pas à pas ascendant
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
perceptron multicouche (MLP)
dans les réseaux de neurones 140
périodicité
Time Series Modeler 329
personnaliser un modèle 163
PMML
exportation de modèles 39, 47, 48
importation de modèles 39, 47, 48
prédicteurs
arbres de décisions 85
classement par importance 53–55
filtrage 53–55
sélection pour analyse 53–55
valeurs de substitution 85
préparation automatique des données
dans des modèles linéaires 176
prévention de surajustement
dans les réseaux de neurones 143
prévision
présentation 293
série de prédicteurs 299
prévision spatio-temporelle 299
prise en charge
noeud Apriori 263
noeud CARMA 267, 268
noeud Séquence 279
pour les séquences 282
prise en charge de la règle 269, 282
prise en charge des antécédents 269, 282
règles d'association 271
probabilités
modèles de régression logistique 190
probabilités a priori
arbres de décisions 101
profondeur d'arbre 99, 109, 114
pseudo R-carré
modèles de régression logistique 192

Q

Qualité d'ajustement Hosmer-Lemeshow
  modèles de régression logistique 192
qualité de l'ajustement
  modèles de régression logistique 192

R

R-carré
  dans des modèles linéaires 176, 181
R-carré ajusté
  dans des modèles linéaires 174
  dans des modèles Linear-AS 180
rafraîchir les mesures 165
rafraîchissement de modèle
  modèles de réponse en auto-apprentissage 338
rapport de confiance
  mesure d'évaluation a priori 264
récapitulatif d'erreur
  dans l'analyse du voisin le plus proche 359
récapitulatif des enregistrements
  modèles linear-AS 181
  modèles LSVM 349
réduction dimensionnelle 240
règles
  prise en charge de la règle 269, 282
  règles d'association 263, 265
Règles d'association 285
règles de combinaison
  dans des modèles linéaires 175
  dans les réseaux de neurones 142
règles doubles 268
Régression de Poisson
  modèles mixtes linéaires généralisés 208
Régression logistique
  modèles mixtes linéaires généralisés 208
régression logistique multinomiale
  modèles mixtes linéaires généralisés 208
régression nominale 182
remplacement de modèles 38
réseaux de neurones
  classification 148
  couches masquées 140
  duplication des résultats 143
  ensembles 142
  fonction radiale de base (RBF) 140
  importance des prédicteurs 146
  objectifs 139
  options de modèle 144
  paramètres des nuggets 150
  perceptron multicouche (MLP) 140
  prévention de surajustement 143
  récapitulatif du modèle 145
  règles d'arrêt 141
  règles de combinaison 142
  réseau 149
  valeurs manquantes 143
  valeurs prédites en fonction des valeurs observées 147
résultat expert.
  Modèles de régression de Cox 235
risques
  exportation 93
ROI
  gains d'arbre de décisions 88
ROI *(suite)*
rotation
  modèles ACP/Analyse factorielle 195
Rotation equamax
  modèles ACP/Analyse factorielle 195
Rotation oblimin directe
  modèles ACP/Analyse factorielle 195
Rotation promax
  modèles ACP/Analyse factorielle 195
Rotation quartimax
  modèles ACP/Analyse factorielle 195
Rotation Varimax
  modèles ACP/Analyse factorielle 195

S

scénarios de modèle causal temporel 316–319, 321
scores de confiance 34
scores de propension
  équilibrage des données 34
  modèles discriminants 200
  modèles linéaires généralisés 208
  modèles Liste de décision 154
scores de propension brute 34
scores de propensions ajustés
  équilibrage des données 34
  modèles discriminants 200
  modèles linéaires généralisés 208
  modèles Liste de décision 154
segments
  classement par ordre de priorité 163
  copier 162
  exclusion 163
  Insertion 161
  modification 161
  suppression 163
  suppression des conditions de règle 162
sélection basée sur les gains 89
sélection de champs pas à pas
  noeud discriminant 199
sélection des prédicteurs
  dans l'analyse du voisin le plus proche 359
sélections de création
  définition 159
série
  transformation 298
série de prédicteurs
  données manquantes 299
SLRM. Voir modèles de réponse en auto-apprentissage. 337
sortie de prévision spatio-temporelle 303
sortie des règles d'association 288
sortie Règles d'association 288
sorties avancées
  Modèles de régression de Cox 235
  noeud Analyse factorielle/ACP 195
SQL
  ensembles de règles 123
  exportation 40
  modèles CHAID Tree-AS 112
  modèles de régression logistique 191
  modèles GLE 232
  modèles Random Trees 118
statistique de Wald 188, 189

statistique F
dans des modèles linéaires 174
dans des modèles Linear-AS 180
sélection de fonction 53
Statistique t
sélection de fonction 53
statistiques de qualité de l'ajustement
modèles de régression logistique 192
modèles linéaires généralisés 206
statistiques de score 188, 189
Statistiques descriptives
modèles linéaires généralisés 206
Super noeud Règle
génération à partir d'un noeud Règles de séquence 284
Super noeuds
et liens de modèle 38
suppression
liens de modèle 36
suppression de liens de modèle 36
surajustement d'un modèle SVM 344
SVM. Voir modèles support vector machine 343

T

table de classification
dans l'analyse du voisin le plus proche 359
tableau de classification
modèles de régression logistique 188
tâche d'exploration
démarrage 159
tâches d'exploration
création 159
modification 159
tendances
identification 294
tendances linéaires
identification 294
tendances non linéaires
identification 294
test de rapport de vraisemblance
modèles de régression logistique 188, 192
Test M de Box
noeud discriminant 198
Test multiplicateur Lagrange
modèles linéaires généralisés 206
transformation de règles d'association 287
transformation de série 298
transformation de type Différenciation 298
transformation de type Différenciation saisonnière 298
transformation de type Stabilisation de niveau 298
transformation de type Stabilisation de variance 298
transformation fonctionnelle 298
transformation log
Time Series Modeler 329
transformation par log népérien
Time Series Modeler 329
transformation racine carrée
Time Series Modeler 329
transformations de règles d'association 287
transposition de sortie tabulaire 276

V

V de Cramer
sélection des caractéristiques 53
valeur p 53
valeurs de substitution
arbres de décisions 85, 99, 109
valeurs éloignées
additives saisonnières 296
correctifs additifs 296
d'innovation 296
décalage de niveau 296
déterministes 296
modification passagère 296
tendance locale 296
valeurs extrêmes
séries 295
valeurs extrêmes additives
correctifs 296
valeurs extrêmes additives saisonnières 296
valeurs extrêmes avec décalage de niveau 296
valeurs extrêmes avec modification passagère 296
valeurs extrêmes d'innovation 296
valeurs extrêmes de tendance locale 296
valeurs manquantes
arbres CHAID 84
exclusion de SQL 112, 118, 123, 232
filtrage des champs 52
valeurs prédites en fonction des valeurs observées
modèles linear-AS 181
modèles LSVM 349
Valeurs propres
modèles ACP/Analyse factorielle 194
visualisation
arbres de décisions 122
génération de graphiques 124, 260, 272
modèles de classification 255
visualiser un modèle 168
visualiseur d'ensemble
détails d'un modèle de composant 44
fréquence des prédicteurs 44
importance des prédicteurs 44
précision d'un modèle de composant 44
préparation automatique des données 45
récapitulatif du modèle 43
visualiseur de clusters
à propos des modèles de cluster 254
affichage du contenu des cellules 257
comparaison des clusters 258
distribution des cellules 258
faire basculer les clusters et les caractéristiques 256
importance des prédicteurs 257
présentation 255
récapitulatif du modèle 255
taille des clusters 257
transposer les clusters et les caractéristiques 256
trier l'affichage des clusters 257
trier l'affichage des fonctions 256
trier le contenu des cellules 257
trier les clusters 257
trier les fonctions 256
utilisation 258
vue de base 257
vue de comparaison des clusters 258

visualiseur de clusters *(suite)*
vue de la distribution des cellules 258
vue de la taille des clusters 257
vue des centres de clusters 256
vue des clusters 256
vue Importance des prédicteurs de cluster 257
vue récapitulative 255
Visualiseur de clusters
génération de graphiques 260
vue du modèle
dans l'analyse du voisin le plus proche 356
dans les modèles mixtes linéaires généralisés 219